ISSN 0065–1729

ACTA ZOOLOGICA LILLOANA

VOLUMEN 69, SUPLEMENTO

II Congreso Latinoamericano de Evolución (CLEVOL)

VI Reunión Argentina de Biología Evolutiva

XVII Reunión Anual de la Sociedad Chilena de Evolución

Society for Molecular Biology and Evolution Regional Meeting –Tucumán

RESÚMENES DE LOS TRABAJOS PRESENTADOS

Fundación Miguel Lillo
TUCUMÁN – ARGENTINA
— 2025 —

ACTA ZOOLÓGICA LILLOANA | 69 (Suplemento Evolución) | 2025

ACTA ZOOLÓGICA LILLOANA

Serie periódica de la Fundación Miguel Lillo, fundada en 1943. Su objetivo es difundir trabajos originales en campos de investigación relacionados con la zoología, tales como taxonomía, sistemática, morfología, anatomía, histología, fisiología, genética, ecología, biogeografía, paleontología, evolución, biodiversidad, conservación biológica, manejo de fauna silvestre, etología, zootecnia, bienestar animal y educación en ciencias.

ISSN 1852-6098 (en línea)
URL: http://actazoologica.lillo.org.ar

Fundación Miguel Lillo, 2025.

Fundación Miguel Lillo, Miguel Lillo 251, (4000) San Miguel de Tucumán, Argentina.
Telefax +54 381 433 0868
www.lillo.org.ar

Director de Investigaciones:

David Flores (Fundación Miguel Lillo, Tucumán, Argentina).
<daflores@lillo.org.ar>

Editores Área Zoología:

Juan Felipe Castro (Fundación Miguel Lillo y Universidad Nacional de Tucumán, Argentina).
<jfcastro@lillo.org.ar>

María Elisa Fanjul (Fundación Miguel Lillo y Universidad Nacional de Tucumán, Argentina).
<mefanjul@csnat.unt.edu.ar>

Editor gráfico:

Gustavo Sánchez (Fundación Miguel Lillo, Tucumán, Argentina).
<gsanchez@lillo.org.ar>

Editor web:

Andrés Ortiz (Fundación Miguel Lillo, Tucumán, Argentina).
<webmaster@lillo.org.ar>

Equipo editorial completo:

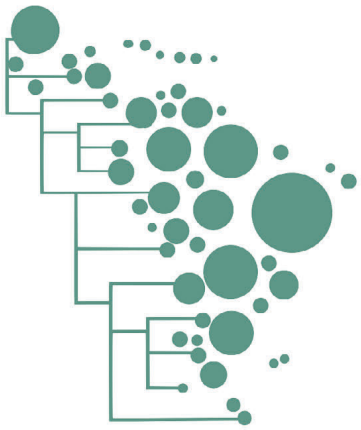
Consultar aquí.

Ref. bibliográfica:
Fanjul, M. E.; Fontanarrosa, G.; Nadra, M. G.; Sandoval Salinas, M. L.; Hankel, G.; Fratani, J. (Eds.). (2025). Resúmenes del II Congreso Latinoamericano de Evolución, VI Reunión Argentina de Biología Evolutiva, XII Reunión Anual Chilena de Evolución y SMBE Regional Meeting. Tucumán, Argentina. *Acta Zoológica Lilloana 69 (Suplemento)*, 550 pp. Fundación Miguel Lillo, Argentina.

DOI: https://doi.org/10.30550/j.azl/s182

Consultas bibliográficas y ventas:
Centro de Información Geo-Biológico del Noroeste Argentino,
Fundación Miguel Lillo, Miguel Lillo 251, (4000) San Miguel de Tucumán, Argentina.
Correo electrónico: <biblioteca@lillo.org.ar>

Derechos protegidos por Ley 11.723
Editado en Argentina.



2 CONGRESO LATINOAMERICANO DE EVOLUCIÓN

22 al 25 de julio 2025 · San Miguel de Tucumán, Argentina

SMBE REGIONAL MEETING EN TUCUMÁN

saBE Sociedad Argentina de Biología Evolutiva

SOCEVOL Sociedad Chilena de Evolución

COLEVOL Asociación Colombiana de Biología Evolutiva

Sociedade Brasileira de Biologia Evolutiva

Red Mexicana de Biología Evolutiva

Red Boliviana de Biología Evolutiva

Sociedad Mesoamericana de Ecología y Evolución

II Congreso Latinoamericano de Evolución
(II CLEVOL)

VI Reunión Argentina de Biología Evolutiva
(RABE)

XVII Reunión Anual de la Sociedad Chilena de Evolución
(RACE)

Society for Molecular Biology and Evolution
(SMBE) Regional Meeting / Tucumán

★ ★ ★

— RESÚMENES DE LOS TRABAJOS PRESENTADOS —

San Miguel de Tucumán, Argentina
22 al 25 de julio / 2025

Congreso Latinoamericano de Evolución (II CLEVOL)

Organizadores:

SABE
Sociedad Argentina de Biología Evolutiva
https://sociedadevolucion.com.ar/socios/

SOCEVOL
Sociedad Chilena de Evolución
<socevol@gmail.com>
<socevoltesoreria@gmail.com>

COLEVOL
Asociación Colombiana de Biología Evolutiva
<redcolevol@gmail.com>

REBOBEL
Red Boliviana de Biología Evolutiva
<redevol.bo@gmail.com>

REMBE
Red Mexicana de Biología Evolutiva
<vinculacion@mexevol.com>

SBBE
Sociedade Brasileira de Biologia Evolutiva
<oficial.sbbe@gmail.com>

MESOECOEVO
Sociedad Mesoamericana de Ecología y Evolución
<smecoevo@gmail.com>

FCN e IML-UNT
Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo
Universidad Nacional de Tucumán
<info@csnat.unt.edu.ar>

Comité Organizador Local

Virginia Abdala
Presidenta del Comité
Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Gabriela Fontanarrosa
Coordinación General
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Guillermo Hankel
Coordinación General
Fundación Miguel Lillo, Argentina.
Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.

Santiago Benítez Vieyra
Instituto Multidisciplinario de Biología Vegetal, CONICET, Córdoba, Argentina.

Jessica Fratani
Unidad Ejecutora Lillo, CONICET-FML, Argentina.

Luciana Cristóbal
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Sebastián Albanesi
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Ana Duport Bru
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Elisa Fanjul
Fundación Miguel Lillo, Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.

Ramiro Ovejero
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Javier González Raffo
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Carlos Molineri
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

M. Gabriela Nadra
Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.

Agustina Novillo
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Celina Reynaga
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

Cecilia Robles
Fundación Miguel Lillo, Argentina.

María Sandoval Salinas
Instituto de Investigación en Luz, Ambiente y Visión, CONICET-UNT, Argentina.
Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.

Valentina Segura
Unidad Ejecutora Lillo, CONICET-FML, Argentina.

Comité Académico

Néstor F. Abdala
Unidad Ejecutora Lillo, Argentina.

Sara B. Bertelli
Unidad Ejecutora Lillo, Argentina.

Daniel Dos Santos
Instituto de Biodiversidad Neotropical, Argentina.

Daniel A. García López
Unidad Ejecutora Lillo, Argentina.

Norberto P. Giannini
Unidad Ejecutora Lillo, Argentina.

Sergio González Mollinedo
University of Groningen, Países Bajos.

Jimena Grosso
Instituto de Biología Subtropical, Argentina.

Tiana Kohlsdorf
Universidade de São Paulo, Brasil.

Carolina I. Miño
Instituto de Biología Subtropical, Argentina.

Carolina Nieto
Instituto de Biodiversidad Neotropical, Argentina.

Mariano A. Ordano
Instituto de Ecología Regional, Argentina.

M. Laura Ponssa
Unidad Ejecutora Lillo, Argentina.

Cecilia Robles
Fundación Miguel Lillo, Argentina.

Claudia Russo
Universidade Federal do Rio de Janeiro, Brasil.

Romel S. Sánchez
Universidad Nacional de Tucumán, Argentina.

María José Tulli
Unidad Ejecutora Lillo, Argentina.

Alexander O. Vargas
Universidad de Chile, Chile.

Miriam Vera
Instituto de Biología Subtropical, Argentina.

M. Florencia Vera Candioti
Unidad Ejecutora Lillo, Argentina.

Comité Editorial del presente número de *AZL*

María Elisa Fanjul
Fundación Miguel Lillo, Facultad de Ciencias Naturales
e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.

Gabriela Fontanarrosa
Instituto de Biodiversidad Neotropical, CONICET-UNT, Argentina.

M. Gabriela Nadra
Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.

María L. Sandoval Salinas
Instituto de Investigación en Luz, Ambiente y Visión, CONICET-UNT, Argentina.
Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.

Guillermo Hankel
Fundación Miguel Lillo, Argentina.
Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo (UNT), Argentina.

Jessica Fratani
Unidad Ejecutora Lillo, CONICET-FML, Argentina.

Representantes de las sociedades latinoamericanas de biología evolutiva

Santiago Benítez-Vieyra
Presidente de la Sociedad Argentina de Biología Evolutiva [SABE].
CONICET, Córdoba, Argentina.

Hugo Benítez
Presidente de la Sociedad Chilena de Evolución [SOCEVOL].
Universidad Católica del Maule, Chile.

Luis E. Castañeda
Representante de la Sociedad Chilena de Evolución [SOCEVOL].
Universidad de Chile, Chile.

Rosario Castañeda
Presidenta de la Asociación Colombiana de Biología Evolutiva [COLEVOL].
Universidad ICESI, Colombia.

Edgar E. Gareca
Representante de la Red Boliviana de Biología Evolutiva [ReBOBEL (en formación)].
Universidad Mayor de San Simón, Bolivia.

Carlos Pinto
Representante de la Red Boliviana de Biología Evolutiva [ReBOBEL (en formación)].
Universidad Mayor Real y Pontificia de San Francisco Xavier de Chuquisaca, Bolivia.

Nancy C. Saavedra Sotelo
Presidenta de la Red Mexicana de Biología Evolutiva [ReMBE].
Universidad Autónoma de Sinaloa, México.

Idalia C. Rojas Barrera
Secretaria de la Red Mexicana de Biología Evolutiva [ReMBE].
Max Planck Institute for Evolutionary Biology.

Rebeca Hernández Gutiérrez
Red Mexicana de Biología Evolutiva [ReMBE].
Max Planck Institute for Evolutionary Biology.

Claudia Russo
Presidenta de la Sociedade Brasileira de Biologia Evolutiva [SBBE].
Universidade Federal do Rio de Janeiro, Brasil.

Savio Torres de Farias
Representante de la Sociedade Brasileira de Biologia Evolutiva [SBBE].
Universidade Federal da Paraíba, Brasil

Sergio González Mollinedo
Presidente de la Sociedad Mesoamericana de Ecología y Evolución [MesoEcoEvo].
Guatemala Institute of Ecology and Evolution, University of Bern; Swiss Institute of Bioinformatics.

Julio Ayala
Vice-Presidente de la Sociedad Mesoamericana de Ecología y Evolución [MesoEcoEvo].
Guatemala Institute of Ecology and Evolution, University of Bern; Swiss Institute of Bioinformatics.

Nuestros patrocinadores

Society for Molecular Biology and Evolution

European Society for Evolutionary Biology

Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas

Facultad de Derecho y Ciencias Sociales
Universidad Nacional de Tucumán

Ente de Turismo del Gobierno de la provincia de Tucumán

Municipalidad de San Miguel de Tucumán

Casa Histórica de Tucumán

Declaración de interés cultural

El **II Congreso Latinoamericano de Evolución**
fue declarado *de Interés* por el Gobierno de la Provincia de Tucumán,
la Municipalidad de San Miguel de Tucumán
y la Municipalidad de Yerba Buena.
Asimismo, fue declarado *de Interés Turístico*
por el Ente Tucumán Turismo.

GOBIERNO DE TUCUMÁN

Tucumán Turismo GOBIERNO DE TUCUMÁN

CIUDAD San Miguel de Tucumán

Yerba Buena
El jardín de Tucumán

Aval institucional / 1

El **II Congreso Latinoamericano de Evolución**
contó con el aval de:

Universidad Nacional de Tucumán, Tucumán, Argentina

Secretaría de Género, Diversidades y Derechos Humanos, Universidad Nacional de Tucumán

CONICET NOA Sur

Instituto de Biodiversidad Neotropical
CONICET-UNT

Unidad Ejecutora Lillo
CONICET-FML

Aval institucional / 2

El **II Congreso Latinoamericano de Evolución**
contó con el aval de:

CONICET

UNC Universidad Nacional de Córdoba

I M B I V

Instituto Multidisciplinario de Biología Vegetal
CONICET-UNC

CONICET

UNC Universidad Nacional de Córdoba

I D E A

Instituto de Diversidad y Ecología Animal
CONICET-UNC

CONICET

I E R

Instituto de Ecología Regional
CONICET-UNT

Fundación Miguel Lillo
TUCUMÁN – ARGENTINA

Fundación Miguel Lillo

CONICET

U NaM

INSTITUTO DE BIOLOGÍA SUBTROPICAL

Instituto de Biología Subtropical
CONICET- UNaM

Aval institucional / 3

El **II Congreso Latinoamericano de Evolución**
contó con el aval de:

Colegio de Graduados en Ciencias Biológicas

Asociación de Biología de Tucumán

Sociedad Argentina para el Estudio de los Mamíferos

Asociación Herpetológica Argentina

Sociedad Argentina de Botánica

Sociedad Entomológica Argentina

Contenido

Prólogo 17

Resumen general 21

Resúmenes de las Conferencias 23

Resúmenes de los Simposios 43

Simposio 1: *Morfología, genética y evolución de caracteres atípicos en plantas parasíticas comparadas con sus parientes autótrofos* 45

Simposio 2: *Procesos de especiación y diversificación: integrando perspectivas macro y microevolutivas* 53

Simposio 3: *Genómica sudamericana: iniciativas regionales para secuenciar la biodiversidad* 65

Simposio 4: *Organismo y ambiente en la biología evolutiva: polisemia y centralidad conceptual* 79

Simposio 5: *Genomas completos como ventana a la evolución* 89

Simposio 6: *EduEvo: diversas perspectivas en la enseñanza de la evolución. Un desafío actual* 105

Resúmenes de las Mesas redondas 117

Mesa redonda 1: *Dinámicas eco-evolutivas a largo plazo en Latinoamérica: importancia, avances y desafíos* 119

Mesa redonda 2: *Publicar ciencia en Argentina: problemáticas y perspectivas desde nuestras revistas* 135

Resúmenes de las Sesiones libres 149

Eje 1: *Evolución y diversidad genómica y molecular* 151

Eje 2: *Ecología evolutiva y ecomorfología* 251

Eje 3: *Biología evolutiva del desarrollo y epigenética* 366

Eje 4: *Biología evolutiva humana* 401

Eje 5: *Biología teórica* 407

Eje 6: *Evolución del comportamiento* 421

Eje 7: *Filogeografía y biogeografía evolutiva* 437

Eje 8: *Macroevolución y paleontología* 499

Eje 9: *Enseñanza de la evolución* 531

Reconocimiento de socios honorarios 541

Muestra itinerante: Enseñanza de la evolución para personas con discapacidad 547

Prólogo

Con gran entusiasmo, nos complace presentar esta edición especial de *Acta Zoológica Lilloana,* que reúne las contribuciones presentadas durante la celebración conjunta del II Congreso Latinoamericano de Evolución (II CLEVOL), la VI Reunión Argentina de Biología Evolutiva (RABE), la XVII Reunión Anual de la Sociedad Chilena de Evolución (RACE) y el Smbe Regional Meeting en Tucumán. Este gran encuentro tuvo lugar en la ciudad de San Miguel de Tucumán (Tucumán, Argentina) entre los días 22 y 25 de julio de 2025.

Los fundamentos de la biología moderna están profundamente enraizados en la extraordinaria biodiversidad de América Latina, que cautivó a pioneros como Félix de Azara, Alexander von Humboldt y Charles Darwin. Sus exploraciones en la región fueron clave para el conocimiento de la biota latinoamericana. Este acervo, junto con otros aportes provenientes de distintas regiones y disciplinas, contribuyó a que Charles Darwin pudiera desarrollar la teoría de la evolución por selección natural, que aún hoy constituye el principal paradigma de la biología. Sin embargo, a pesar de este legado, la biología evolutiva como disciplina ha sido históricamente poco desarrollada por investigadores locales. Consideramos que esto se debe, en parte, a la dispersión geográfica de los equipos de investigación, teniendo en cuenta la naturaleza bicontinental de Latinoamérica, lo que ha dificultado la consolidación de redes colaborativas sólidas en la región. Las grandes distancias y la limitada conectividad en los sistemas de transporte han agravado aún más esta fragmentación, a pesar de que la mayoría de los países comparten un idioma predominante que podría haber facilitado la integración.

Más allá de estos desafíos, la biología evolutiva está cobrando impulso como un campo del conocimiento clave en América Latina, gracias al creciente protagonismo de científicas y científicos destacados de la región. En las últimas dos décadas, han surgido asociaciones científicas nacionales dedicadas a esta disciplina en diversos países, consolidando comunidades de investigación locales. Estas asociaciones han organizado encuentros nacionales, como las Reuniones Argentinas de Biología Evolutiva (RABE), las Reuniones Anuales Chilenas de Evolución (RACE), la primera Reunión de la Sociedad Mesoamericana de Ecología y Evolución y el primer Congreso Brasileño de Biología Evolutiva, que han cumplido un rol central en el fomento de la colaboración interdisciplinaria y el intercambio de ideas.

Los esfuerzos nacionales, hasta entonces aislados, convergieron en el año 2021 cuando se celebró el primer Congreso Latinoamericano de Biología Evolutiva (I CLEVOL). Este congreso histórico marcó un hito crucial en el desarrollo de la disciplina, contribuyendo a consolidar una identidad regional y subrayando la importancia de la colaboración internacional. Organizado de manera virtual por asociaciones científicas de Argentina, Chile y Colombia, atrajo a aproximadamente 3000 personas inscriptas. Con el convencimiento de que la interacción directa es fundamental para la generación de vivencias perdurables, esta segunda edición del CLEVOL se destacó por ser la primera presencial, representando una oportunidad para consolidar y fortalecer la comunidad científica dedicada a la biología evolutiva en América Latina. Además, las conferencias plenarias de este encuentro en Tucumán fueron transmitidas de manera simultánea a la ciudad de Guatemala (Guatemala), donde esos mismos días se celebraba el II Congreso Mesoamericano de Ecología y Evolución, y que funcionó como sede Satélite del II CLEVOL, lo que aumentó significativamente el alcance del evento.

La dinámica del congreso incluyó conferencias plenarias, mesas redondas, simposios, talleres y sesiones de presentaciones orales y de pósters (más detalles en el resúmen CLEVOL en números). Las temáticas de las conferencias abordaron las principales líneas de investigación en el marco teórico de la biología evolutiva actual. Estas temáticas incluyeron:

1) Evolución y diversidad genómica y molecular;
2) Ecología evolutiva y ecomorfología;
3) Biología evolutiva del desarrollo y epigenética;
4) Biología evolutiva humana;
5) Biología teórica;
6) Evolución del comportamiento;
7) Filogeografía y biogeografía evolutiva;
8) Macroevolución y paleontología;
9) Enseñanza de la evolución.

El encuentro representó una oportunidad para hacer un diagnóstico de los tópicos de agenda y para reforzar vínculos con otras disciplinas enfocadas en la biología evolutiva.

La organización de un congreso de esta investidura representó un enorme desafío para el comité organizador local, desafío que asumimos en enero de 2024, en un contexto nacional de desfinanciación y desprestigio de la ciencia, la tecnología y la educación pública en Argentina.



Participantes de la II CLEVOL, Tucumán, Argentina, Julio 2025.

A pesar de esta coyuntura, el evento se realizó con éxito e identificamos tres razones principales por las cuales esto fue posible: i) La alianza estratégica entre las principales organizaciones de biología evolutiva de la región: este esfuerzo colectivo garantizó el otorgamiento de importantes subsidios internacionales. ii) El apoyo de instituciones estatales, desde lo económico hasta lo logístico: el congreso se realizó en el ámbito de la Universidad de Tucumán, en la Facultad de Derecho y Ciencias Sociales, y en el Museo Casa Histórica, ámbitos públicos cuyo apoyo fue fundamental para democratizar el acceso. Finalmente, iii) este evento pudo realizarse gracias a muchas horas de trabajo de un comité organizador numeroso y altamente comprometido. Todos estos puntos confluyeron de forma tal que fue posible realizar un evento científico de muy alta calidad académica y social, a un costo de inscripción económico en relación con otros congresos de ciencias naturales. Más aún, también fue posible otorgar becas de asistencia, becas de apoyo a las tareas de cuidado y premios.

Al mismo tiempo, desde la organización se hicieron esfuerzos para generar un ámbito de respeto e inclusión, cuyos principios rectores quedaron plasmados en el Código de Conducta que se generó con el apoyo y guía del Comité de Género, Diversidades y Derechos Humanos de la UNT. Esta estrategia refleja nuestro compromiso explícito con la accesibilidad y la construcción de comunidad.

Sin embargo, somos muy conscientes de que, aún con una inscripción de bajo costo, alojamiento económico y becas, y el compromiso con la inclusión y la equidad, el acceso a un congreso de estas características sigue imponiendo una gran demanda de tiempo y dinero y, por lo tanto, grandes sesgos en la participación. Además, persisten desafíos importantes, particularmente en términos de inclusión y visibilización de las investigaciones realizadas en las distintas latitudes del continente.

Aún con algunas deudas pendientes, celebramos haber sido parte de este encuentro que nos ha dado tantas satisfacciones. Destacamos la enorme cantidad de mensajes de felicitación y agradecimiento que seguimos recibiendo por parte de quienes participaron. Fue un honor y una alegría. Conscientes de que la biología evolutiva está en plena fase de crecimiento, manifestamos nuestros mejores deseos y buenos augurios al III CLEVOL, como así también a la VII RABE y la XVIII RACE y deseamos más encuentros por toda América Latina.

GENÓMICA DE HORMIGAS PATAGÓNICAS REVELA LA EXISTENCIA DE NUEVAS ESPECIES CONECTADAS POR HIBRIDACIÓN RECIENTE E HISTÓRICA

GENOMICS OF PATAGONIAN ANTS REVEALS THE EXISTENCE OF NEW SPECIES CONNECTED BY RECENT AND HISTORICAL HYBRIDIZATION

Melisa Olave[1,2,3*], Pablo Pessacq[4,5], Jérémy Gauthier[6], Julia Bilat[7], Fabiana Cuezzo[8], Danielle Anjos-Santos[4,5], Marcelo Gómez Pereda[4], Mariana Morando[9,5], Luciano J. Avila[9], Nadir Alvarez[6]

[1] Instituto Argentino de Investigaciones de las Zonas Áridas, CONICET, Mendoza, Argentina.
[2] Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad Nacional de Cuyo, Mendoza, Argentina.
[3] Tree of Life Programme, Wellcome Sanger Institute, Reino Unido.
[4] Centro de Investigación Esquel de Montaña y Estepa Patagónica (CIEMEP, UNPSJB, CONICET), Esquel, Chubut, Argentina.
[5] Universidad Nacional de la Patagonia "San Juan Bosco", Chubut, Argentina.
[6] Natureum, Museo Estatal de Ciencias Naturales del Cantón de Vaud, Lausana, Suiza.
[7] Museo de Historia Natural de Ginebra, Ginebra, Suiza.
[8] Facultad de Ciencias Naturales e IML, Universidad Nacional de Tucumán. San Miguel de Tucumán. Argentina.
[9] Instituto Patagónico para el Estudio de los Ecosistemas Continentales, CONICET, Puerto Madryn, Argentina.
* <molave@mendoza-conicet.gob.ar>

[ORAL]

Las hormigas se encuentran entre los insectos eusociales más exitosos. Actualmente existen 14.329 especies descriptas en todo el mundo, distribuidas en prácticamente todos los ecosistemas terrestres, cumpliendo una gran variedad de funciones ecológicas fundamentales. Dominan la biomasa en distintos biomas y ejercen una influencia significativa sobre la dinámica de los ecosistemas mediante actividades como la depredación, la dispersión de semillas y la bioturbación, además de ser especies invasoras ampliamente distribuidas a nivel global. A pesar de su importancia, los estudios genéticos en hormigas, especialmente en regiones poco exploradas como la Patagonia, siguen siendo escasos o inexistentes. Las hormigas del género *Dorymyrmex* (Formicidae: Dolichoderinae), con 87 especies descriptas, son comunes en ambientes áridos y semiáridos de América, incluida la Patagonia. Este estudio presenta el primer estudio enfocado en datos genómicos para hormigas patagónicas, con un muestreo amplio que abarca 450.000 km^2. Combinando inferencias filogenómicas, delimitación de especies y análisis genómicos poblacionales, nuestros resultados revelan una parafilia previamente desconocida entre especies de *Dorymyrmex* e identifican al menos cinco especies nuevas. Los hallazgos destacan eventos de hibridación tanto recientes como históricos, y aportan información clave sobre las dinámicas de diversificación influenciadas por la historia geológica y climática única de la Patagonia.

Esta investigación subraya la necesidad de más estudios genómicos para comprender los complejos procesos evolutivos, especialmente en regiones poco estudiadas.

➤ **Palabras clave:** Fomicidae, filogeografía, filogenómica, delimitación de especies, flujo génico.