

Actualización taxonómica: estudiando caracteres morfológicos y marcadores moleculares en la revisión de clados patagónicos de lagartijas

LOBO Fernando¹, BARRASSO Diego^{2, 3}, VALDECANTOS Soledad¹, GIRAUDO Alejandro⁴, DI PIETRO Diego Omar⁵, BASSO Nestor^{2, 3}

¹IBIGEO. Instituto de Bio y Geociencias del NOA (CONICET-UNSa) Salta Argentina.

²Instituto de Diversidad y Evolución Austral (IDEAus-CONICET) Puerto Madryn Chubut Argentina.

³Fac. de Cs. Naturales y Cs. de la Salud Universidad Nacional de la Patagonia "San Juan Bosco" (UNPSJB) Puerto Madryn Chubut Argentina.

⁴INALI (Instituto Nacional de Limnología-CONICET) Santa Fe Argentina.

⁵Sección Herpetología División Zoología de Vertebrados Fac. de Cs. Naturales y Museo Universidad Nacional de La Plata (UNLP) La Plata Argentina.

fercholobo@gmail.com

En la presente contribución revisamos la morfología y relaciones filogenéticas dentro de los clados *somuncurensis* y *spurcus* del género *Phymaturus*. Para ello, actualizamos la matriz de caracteres morfológicos que resultaron informativos para el grupo *patagonicus* en análisis previos y secuencias de ADN en las especies reconocidas en la literatura y de algunas poblaciones descubiertas recientemente. También estudiamos la posición filogenética de dos especies recientemente descritas para la provincia de Chubut (*P. curivilcun* y *P. katenke*). Aportamos nuevos datos sobre colores en vida, lepidosis, medidas y realizamos comparaciones con otros miembros de sus respectivos clados. Nuestros resultados muestran que el clado *somuncurensis* está compuesto por nueve especies (además de dos candidatas) que viven en quebradas aisladas y pequeños cordones montañosos, en su mayor parte, en la periferia de la Meseta de Somuncurá. A pesar de que recientes estudios moleculares ponen atención acerca de la validez taxonómica de especies estrechamente relacionadas del clado *spurcus*, ninguno de ellos revisó cuidadosamente su morfología (solo evaluaron un carácter de patrón de coloración). Por este motivo creemos necesario una revisión de este clado y contribuir con un más completo análisis. En este re análisis estudiamos 50 caracteres continuos (conteos de escamas y medidas) realizando análisis estadísticos. Nuestros resultados revelaron la existencia de caracteres que exhiben diferencias estadísticamente significativas, los cuales sumados a los caracteres cualitativos de lepidosis, patrones y colores brindan soporte para considerar a todas las especies como válidas. Estos resultados son congruentes con el análisis multilocus combinado de marcadores mitocondriales y nucleares ya publicados. Para finalizar, proponemos caracteres discretos de patrones de coloración que permiten diferenciar las especies estudiadas.

Sistemática, filogenia, reptiles, Patagonia, *Phymaturus*