

ACTA ZOOLOGICA LILLOANA

VOLUMEN 63

Suplemento

XIII Reunión Argentina
de Cladística y Biogeografía

8 al 10 de abril de 2019
San Miguel de Tucumán, Argentina

Resúmenes



Fundación Miguel Lillo

TUCUMÁN - ARGENTINA

— 2019 —

Estatus taxonómico de *Akodon simulator* (Cricetidae: Sigmodontinae) en Argentina: aproximaciones filogeográfica y colorimétrica

Sandoval, María Leonor^{1,2,3*}; Ignacio Ferro^{1,2}; Raúl E. González-Ittig^{1,4}; Cristina N. Gardenal^{1,4}; Rubén M. Barquez^{1,2}

¹ CONICET (Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Tecnológicas), Argentina.

² PIDBA (Programa de Investigaciones de Biodiversidad Argentina), Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo, Universidad Nacional de Tucumán (UNT).

³ ILAV (Instituto de Investigación en Luz, Ambiente y Visión), CONICET-UNT.

⁴ IDEA (Instituto de Diversidad y Ecología Animal), CONICET-Universidad Nacional de Córdoba (UNC), Argentina, y Cátedra de Genética de Poblaciones y Evolución, Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, UNC, Córdoba, Argentina.

* maritisandoval@yahoo.com.ar

Las especies más grandes del género *Akodon* de las Yungas del sur de Bolivia y noroeste de Argentina (NOA) han sido tratadas frecuentemente como sinónimos o subespecies por diferentes autores. Estas especies incluirían a *A. varius* (Bolivia) y *A. simulator* (sur de Bolivia y NOA), y *A. simulator* incluiría 3 subespecies: *A. simulator tartareus* (norte, incluyendo Bolivia), *A. s. simulator* (centro) y *A. s. glaucinus* (sur). Los caracteres fenotípicos que distinguen a las 3 subespecies están basados en sutiles diferencias de coloración y tamaño. En este estudio, intentamos profundizar en el análisis de las relaciones entre estas poblaciones mediante: a) El aumento de la amplitud geográfica de la muestra, cubriendo todo el rango geográfico del taxón en Argentina; b) El incremento del tamaño de la muestra, usando dos genes mitocondriales, Cyt-b (n=30, a los que se adicionaron secuencias disponibles en GenBank) y COI (n=20); y c) La inclusión del análisis cuantitativo de los patrones de coloración del pelaje, mediante la obtención de datos colorimétricos a partir de más de 100 especímenes, utilizando un espectrorradiómetro calibrado contra un difusor estándar blanco y una cabina de iluminación difusa. Además, incluimos topotipos. Las relaciones filogenéticas mostraron 4 clados bien soportados, 3 de los cuales presentan una estructura filogeográfica fuerte: uno incluye especímenes de *A. varius*, otro de *A. tartareus* y el tercero de *A. glaucinus*. El cuarto clado incluye especímenes del rango latitudinal completo. Se analiza la diagnosis morfológica basada en la cuantificación de los patrones de coloración del pelaje en este escenario.