



LIBRO DE RESÚMENES



XVI Jornadas Nacionales de
Antropología
Biológica



NOVIEMBRE DE 2023
CIUDAD DE CÓRDOBA, ARGENTINA



 **Asociación de**
Antropología
Biológica
Argentina



Libro de resúmenes XVI jornadas nacionales de antropología biológica /
Mariana Fabra ... [et al.]. - 1a ed compendiada. - La Plata : Asociación
de Antropología Biológica Argentina, 2023.
Libro digital, PDF

Archivo Digital: descarga y online
ISBN 978-987-27445-6-4

1. Antropología. 2. Diversidad Biológica. 3. Antropología Forense. I. Fabra, Mariana.
CDD 301.072

*Permitida su reproducción, almacenamiento y distribución por cualquier medio,
total o parcial, con permiso previo y por escrito de los autores y/o editor.*

Primera edición: Noviembre de 2023

Compiladores: Mariana Fabra, Darío A. Demarchi, Rodrigo Nores, Juan Bajo,
Angelina García, Anahí Ginarte, Mario Arrieta, Lila Bernardi, Soledad Salega,
Aldana Tavarone, María Pía Tavella, Darío Ramirez, Yaín Garita-Onandía.

Proceso de evaluación de los resúmenes: Mario Arrieta, Lila Bernardi,
Soledad Salega.

Edición: Angelina García.

Diseño y maquetación: Florencia Bacchini.



genéticos de sus poblaciones cazadoras-recolectoras.

En este trabajo, se presentan los resultados mitogenómicos obtenidos de cinco individuos fechados en ~2000 años AP y recuperados de un entierro múltiple de la localidad arqueológica de Cabo dos Bahías, ubicada en la costa sur de la provincia de Chubut, Argentina. El estudio permitió identificar dos nuevos subhaplogrupos (D1g7 y C1c11g1a) y cuatro linajes diferentes, uno de los cuales comparte su haplotipo con tres individuos de diferentes temporalidades de Patagonia central y con un individuo recuperado del sitio Cerro Johnny, ubicado en el Estrecho de Magallanes (2143 - 270 años AP). Otro de los haplotipos encontrados resultó ser ancestral al de seis individuos recuperados de sitios arqueológicos de Tierra del Fuego (2123 - 100 años AP). Estos resultados demuestran una amplia dispersión geográfica y temporal para estos linajes durante el Holoceno tardío y contribuyen al entendimiento de las dinámicas poblacionales ancestrales en un área con escasos datos paleogenómicos.

GENERACIÓN DE IMÁGENES FACIALES UV UTILIZANDO REDES GENERATIVAS

Toledo Margalef, Pablo^{1,2} | Navarro, Pablo^{1,2} | Hünemeier, Tábita⁵ | Pereira, Alexandre^{4,6} | González-José, Rolando^{1,2} | Delrieux, Claudio³

1. Instituto Patagónico de Ciencias Sociales y Humanas, CCT CONICET-CENPAT. E-mail: ptoledo@cenpat-conicet.gob.ar, pnavarro@cenpat-conicet.gob.ar, rolando@cenpat-conicet.gob.ar
2. Programa de Referencia y Biobanco Genómico de la Población Argentina. Secretaría de Planeamiento y Políticas, Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación, Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina
3. Laboratorio de Ciencias de las Imágenes, Departamento de Ingeniería Eléctrica y de Computadoras, Universidad Nacional del Sur. E-mail: cad@uns.edu.ar
4. Instituto do Coração da Universidade de São Paulo, Brasil. E-mail: alexandre.pereira@incor.usp.br
5. Departamento de Genética e Biologia Evolutiva, Universidade de São Paulo, São Paulo, Brasil. E-mail: hunemeier@usp.br
6. Harvard Medical School, Boston, USA

Palabras clave: imágenes médicas, *machine learning*

La detección temprana, el diagnóstico y el tratamiento de enfermedades cutáneas es de importancia médica tanto para el paciente como para el

sistema de salud. En este sentido, las imágenes UV son una herramienta valiosa para detectar melanomas y otras afecciones. Sin embargo, este tipo de imágenes presentan algunos retos tanto en disponibilidad como en procesamiento. Por este motivo desarrollamos una solución utilizando redes neuronales generativas, permitiendo generar imágenes UV del rostro a partir de fotografías convencionales. Contamos con un conjunto de imágenes hiperespectrales capturadas con VISIA Skin Analysis tomadas como continuación del “Baependi Heart Study”, un estudio longitudinal realizado para estudiar las influencias genéticas y ambientales de los factores de riesgo cardiovascular en una porción de la población de Brasil.

Además, el estudio reporta variables de estilo de vida junto con datos genómicos. Para entrenar nuestro modelo utilizamos imágenes del rostro de 816 individuos (465 mujeres, 351 varones) estructurados de 100 familias. Las muestras UV generadas por nuestro modelo fueron comparadas contra las imágenes UV reales presentes en el dataset y contra otras metodologías diferentes que buscan resolver temáticas similares. A su vez, se evaluó el rendimiento de nuestro modelo al generar muestras que presentan distintas tonalidades de piel medidas acorde al Individual Typology Angle (ITA).

En próximos trabajos se explorarán relaciones entre la información presente en las fotografías y los datos genómicos reportados por el estudio.

EL REGISTRO BIOARQUEOLÓGICO DEL SITIO EL ABRAZO (SISTEMA IBERÁ, CORRIENTES, ARGENTINA)

Torri, Magali¹ | Barboza, María Carolina^{1,2} | Berta, Macarena¹ | Costa, Martina¹ | Savino, Valentina¹ | Vélez Pérez, Morena¹ | Carvallo, Mariela¹ | Ciarlo, Magali Noel³ | Carpi, Martina³ | Zabala, Jorgelina³ | Leuze, Sofía³ | Molina, Nicole³

1. CEIA. Facultad de Humanidades y Artes, Universidad Nacional de Rosario.

E-mail: magalitorrig@gmail.com, mberta.615@gmail.com, cgmartina24@gmail.com, valentinagsavino@gmail.com, mooore505@gmail.com, marie_dc92@yahoo.com.ar

2. CONICET, Universidad Nacional de Rosario. E-mail: mbarboza@yahoo.com

3. Facultad de Humanidades y Artes, Universidad Nacional de Rosario.

E-mail: maggiociarlo@gmail.com, marti.carpi595@gmail.com, zabala@gmail.com, leuze.sb@gmail.com, nicoleemolina7@gmail.com

Palabras clave: sociedades prehispánicas, nordeste argentino, antropología biológica, restos óseos humanos, tafonomía