

# ICBH Congreso Boliviano de Herpetología



La Paz - Bolivia  
2018

# Libro de Resúmenes



Organizan:



# Taxonomía y Sistemática de Reptiles

## Revisión sistemática del grupo de *Bothrops neuwiedi* (Viperidae, Crotalinae) con énfasis en las especies presentes en Bolivia y Argentina

Carrasco, P.<sup>1,2\*</sup>; Grazziotin, F.<sup>3</sup>; Roncolato Ortiz, F.<sup>3</sup>; Prystupczuk, L.<sup>1,2</sup>; Depetris, B.<sup>1</sup>; Cresta, R.<sup>1</sup>; Leynaud, G.<sup>1,2</sup> & Scrocchi, G.<sup>4</sup>

<sup>1</sup>Universidad Nacional de Córdoba, Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, Centro de Zoología Aplicada, Córdoba, Argentina

<sup>2</sup>Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET), Instituto de Diversidad y Ecología Animal (IDEA), Córdoba, Argentina.

<sup>3</sup>Laboratório de Coleções Zoológicas, Instituto Butantan, São Paulo, Brasil

<sup>4</sup>UEL-CONICET y Fundación Miguel Lillo, Tucumán, Argentina.

ammodytoides@gmail.com

Las serpientes del género *Bothrops* están presentes en la mayoría de las ecorregiones de América del Sur. Algunas de estas ecorregiones se encuentran dentro del área conocida como Diagonal Árida Sudamericana, la cual se extiende a través de los dominios fitogeográficos de la Caatinga, Cerrado y Chaco, desde el noreste de Brasil hasta el centro-sur de Argentina, incluyendo Bolivia, Paraguay y Uruguay. El grupo de especies de *B. neuwiedi* se distribuye en la Diagonal Árida y está conformado por la especie homónima, *B. diporus*, *B. erythromelas*, *B. lutzi*, *B. marmoratus*, *B. mottogrossensis*, *B. pauloensis*, y *B. pubescens*. En este estudio revisamos la sistemática del grupo utilizando datos morfológicos, moleculares y registros geográficos. Realizamos comparaciones morfológicas a partir del estudio de ejemplares albergados en colecciones científicas. Utilizamos secuencias de ADN mitocondrial, incluyendo todas las secuencias disponibles en GenBank para las especies del grupo más secuencias nuevas que generamos para algunas especies. Realizamos análisis filogenéticos de la evidencia morfológica y molecular por separado y combinadas. Los análisis filogenéticos se realizaron bajo los criterios de máxima parsimonia y máxima verosimilitud. A partir de los resultados identificamos una especie nueva en el sudeste de Perú, actualmente en descripción. Identificamos linajes morfológica, molecular y geográficamente cohesivos, que indican que *B. neuwiedi*, *B. mottogrossensis* y *B. diporus* serían cada una de ellas un complejo de especies. Los resultados tienen implicancias taxonómicas, en particular para las especies del grupo presentes en Bolivia y Argentina. Según la última clasificación del grupo de *B. neuwiedi* publicada, las poblaciones de Bolivia y norte de Argentina se asignan a *B. mottogrossensis*; sin embargo, nuestros resultados indican que ejemplares del norte de Bolivia se relacionan filogenéticamente con la especie nueva, y ejemplares del centro-sur de Bolivia y norte de Argentina se relacionan con *B. diporus*. Por otro lado, los resultados muestran tres linajes dentro de la distribución de *B. diporus* en Argentina, uno al norte que corresponde a la localidad tipo de la especie, uno al noroeste hasta el centro-sur, y otro al noreste del país. Al igual que otros autores, concluimos que el grupo de *B. neuwiedi* requiere re-arreglos taxonómicos.

**Palabras Clave:** serpientes venenosas, Gran Chaco, filogenia, distribución, taxonomía

**Modalidad:** Oral

TR98

