

# ACTA ZOOLOGICA LILLOANA

VOLUMEN 63  
Suplemento

XIII Reunión Argentina  
de Cladística y Biogeografía

8 al 10 de abril de 2019  
San Miguel de Tucumán, Argentina

---

Resúmenes



Fundación Miguel Lillo

TUCUMÁN - ARGENTINA

— 2 0 1 9 —

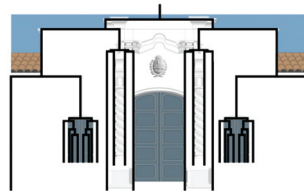
# *Acta zoológica lilloana*

Volumen **63** (Suplemento)

---

## Resúmenes de la XIII Reunión Argentina de Cladística y Biogeografía

San Miguel de Tucumán, Argentina  
8 al 10 de abril de 2019



**Fundación Miguel Lillo**  
Ministerio de Educación de la Nación  
Tucumán – República Argentina

una modificación a PASOS para poder trabajar con ontogenias con muestreos incompletos. Para ello, las trayectorias ontogenéticas se completan interpolando formas intermedias utilizando una aproximación basada en promedios móviles ponderados. El análisis de datos reales indica que la función de interpolación permite el uso de PASOS en *datasets* con muestreos mucho más reducidos que los originalmente necesarios.

## Evaluación de la utilidad de rasgos morfogeométricos del cráneo de marsupiales didélfidos (*Didelphimorphia: Didelphidae*) para reconstruir su filogenia

Chemisquy, M. Amelia<sup>1,2\*</sup>; Cristo Romano Muñoz<sup>1</sup>; Sergio D. Tarquini<sup>1</sup>; Francisco J. Prevosti<sup>1,2</sup>

<sup>1</sup> Centro Regional de Investigaciones Científicas y Transferencia Tecnológica de La Rioja (CRILAR), Provincia de La Rioja, UNLaR, UNCa, SEGEMAR, CONICET, Mendoza y Entre Ríos s.n., 5301, Anillaco, La Rioja, Argentina.

<sup>2</sup> Departamento de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, Universidad Nacional de La Rioja (UNLaR), Av. Luis M. de la Fuente s.n., Ciudad Universitaria de la Ciencia y de la Técnica, 5300, La Rioja, Argentina.

\* amelych80@gmail.com

Análisis ecomorfológicos y evolutivos, utilizando morfometría geométrica en el cráneo de didélfidos, mostraron que la filogenia es el factor más influyente en la forma. Nuestro objetivo es evaluar la utilidad de estos datos morfogeométricos para reconstruir la filogenia de la familia *Didelphidae*. Mediante MG en 2D analizamos el cráneo en vista dorsal (63 landmarks), ventral (70 landmarks) y lateral (28 landmarks) de 200 especímenes representando 37 especies de 13 géneros. Realizamos una búsqueda con 500 RAS, seguido por TBR, guardando 10 árboles en cada RAS, y se comparó el árbol obtenido con filogenias moleculares. Obtuvimos un árbol de 13,99681 pasos en el que se recuperaron 8 nodos de la filogenia molecular. De los nodos recuperados solamente los de *Didelphini* y *Metachirus* como género hermano de *Didelphini* pertenecen a grandes grupos, el resto son nodos terminales que agrupan a un par de especies. Si bien la tribu *Thylamyni* no resultó monofilética, la mayoría de sus miembros se ubicaron cercanos en el árbol, y esto mismo sucedió con *Monodelphys*. *Caluromys*, si bien tuvo una posición basal en el árbol, forma un clado con especies de *Thylamys*, *Marmosa* y *M. (Micoureus)*. La vista lateral fue el carácter menos variable en el árbol. Si bien se recuperaron pocos nodos, y la mayoría terminales, la ubicación de los taxones es coherente con los cambios observados en las configuraciones de *landmarks*, por ejemplo la ubicación de *Monodelphis* se debe en gran parte a una reducción de la caja craneana, carácter que es muy marcado en *Didelphini*.