

LIBRO DE RESÚMENES




XVI Jornadas Nacionales de
Antropología
Biológica



NOVIEMBRE DE 2023
CIUDAD DE CÓRDOBA, ARGENTINA



 **Asociación de**
Antropología
Biológica
Argentina



Libro de resúmenes XVI jornadas nacionales de antropología biológica /
Mariana Fabra ... [et al.]. - 1a ed compendiada. - La Plata : Asociación
de Antropología Biológica Argentina, 2023.
Libro digital, PDF

Archivo Digital: descarga y online
ISBN 978-987-27445-6-4

1. Antropología. 2. Diversidad Biológica. 3. Antropología Forense. I. Fabra, Mariana.
CDD 301.072

*Permitida su reproducción, almacenamiento y distribución por cualquier medio,
total o parcial, con permiso previo y por escrito de los autores y/o editor.*

Primera edición: Noviembre de 2023

Compiladores: Mariana Fabra, Darío A. Demarchi, Rodrigo Nores, Juan Bajo,
Angelina García, Anahí Ginarte, Mario Arrieta, Lila Bernardi, Soledad Salega,
Aldana Tavarone, María Pía Tavella, Darío Ramirez, Yaín Garita-Onandía.

Proceso de evaluación de los resúmenes: Mario Arrieta, Lila Bernardi,
Soledad Salega.

Edición: Angelina García.

Diseño y maquetación: Florencia Bacchini.



observada entre individuos masculinos. La cronología de los casos coincide con el incremento de sitios arqueológicos identificados y la ocupación efectiva del espacio al inicio del Holoceno tardío (4.200 años AP-presente). La misma es posiblemente resultado de episodios de violencia, dado que la mayoría presenta desplazamiento lateral (ocho de los nueve). Destaca la no existencia de casos postcontacto en comparación con los precontacto, diferencia estadísticamente significativa (prueba exacta de Fisher, $p = 0,0183$). La inexistencia de casos postcontacto podría deberse a cambios en los patrones de violencia. Este estudio es el primero de América del Sur que discute, a nivel poblacional, cómo diferentes patrones de fracturas nasales pueden apuntar diferentes etiologías.

ANÁLISIS DE LA FRECUENCIA DE GENOTIPOS DE RIESGO PARA OBESIDAD EN POBLACIÓN MESTIZA DE MÉXICO

Ruderman, Anahí^{1,2} | Consorcio, Candela | Pérez, Luis Orlando^{1,2}

1. Instituto Patagónico de Ciencias Sociales y Humanas “Dra. María Florencia Castillo del Bernal” (IPCSH) CCT CONICET-CENPAT. Puerto Madryn.

2. Programa de Referencia y Biobanco Genómico de la Población Argentina. Secretaría de Planeamiento y Políticas, Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación, Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina. E-mail: ruderman@cenpat-conicet.gob.ar, perezlo@gmail.com

Palabras clave: exceso de peso, genética de la obesidad, poblaciones latinoamericanas

En los últimos años se han descubierto diversos marcadores genéticos de riesgo de obesidad a través de estudios de asociación del genoma, aunque estos estudios poseen un marcado sesgo hacia poblaciones europeas.

Aquí, analizamos la distribución de las variantes de riesgo de los marcadores de obesidad conocidos en una muestra de población mestiza de México, en función de la proporción de ancestría nativa americana Nahua y del sur de México. Se estudió una muestra de 1195 adultos de 18 a 60 años, que cuenta con información sobre ancestría genómica, genotipos de obesidad, estado nutricional, y variables socio-económicas. Para comparar las frecuencias alélicas por ancestría, se incluyeron individuos con 70% o más de ancestría nativa americana. Como referencia se utilizó población europea de la base de datos 1000 Genome Project. De acuerdo al IMC, 10% fue clasificada obesa y 27% con sobrepeso. De acuerdo a ICC, 45,2% de mujeres y 42,5% de varones presentó exceso de peso y según el ICT, el 50,2% de la muestra. Muchos de

los marcadores mejor clasificados para el IMC en la literatura, como FTO y MC4R, tuvieron frecuencias significativamente más bajas en personas con ascendencia nativa americana que en europeos, señalando diferencias importantes en la frecuencia alélica de las poblaciones. Estas pueden deberse a efectos de deriva génica de las poblaciones fundadoras o interacciones genético ambientales complejas, resultado de las diferencias en hábitos de vida. Es necesario realizar investigaciones específicas en cada población para comprender mejor los factores genéticos que contribuyen a la obesidad.

VARIANTES ALÉLICAS EN LA VÍA METABÓLICA DEL ALCOHOL Y SU RELACIÓN CON SUSCEPTIBILIDAD AL SOBREPESO Y LA OBESIDAD

Pérez, Luis Orlando^{1,2} | Useglio, Mariana^{1,2} | de Azevedo, Soledad^{1,2} | Toledo, Pablo^{1,2} | Anahi, Ruderman^{1,2}

1. Instituto Patagónico de Ciencias Sociales y Humanas “Dra. María Florencia Castillo del Bernal” (IPCSH) CCT CONICET-CENPAT. Puerto Madryn. E-mail: perezlo@gmail.com, museglio@gmail.com, deazevedo@cenpat-conicet.gob.ar, pabloatm980@gmail.com, ruderman@cenpat-conicet.gob.ar

2. Programa de Referencia y Biobanco Genómico de la Población Argentina. Secretaría de Planeamiento y Políticas, Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación, Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina.

Palabras clave: genética del metabolismo, ingesta de alcohol, exceso de peso

La obesidad y el sobrepeso constituyen un problema de salud de características epidémicas, afectando a más de la mitad de la población argentina.

Las bebidas alcohólicas son una fuente adicional de calorías, pudiendo contribuir a la ganancia de peso. Los estudios sobre los factores que gobiernan dicha relación son inconsistentes y escasos. Este trabajo buscó evaluar los efectos de la ingesta de alcohol sobre el peso corporal, considerando factores genéticos, antecedentes de salud, variables socio-ambientales y de estilo de vida (actividad física y dieta) en 150 personas mayores de edad, residentes en Puerto Madryn. Se tomaron medidas antropométricas y una muestra de sangre para estudiar los polimorfismos de genes involucrados en el metabolismo del alcohol (ADH1, ADH2, ALDH1A1, ALDH2, CYP2E1).

El genotipo AA de la variante rs8187876 del gen ALDH1A1 se correlacionó con