

SEPTIEMBRE 2023

VOLUMEN 58 (Suplemento)

Boletín de la
Sociedad Argentina de
BOTÁNICA



SOCIEDAD ARGENTINA DE BOTÁNICA

ISSN 0373-580X Catamarca, Argentina

CONFERENCIAS MAGISTRALES

DESINTEGRACIÓN DEL GÉNERO *PROSOPIS* L. (LEGUMINOSAE, CAESALPINOIDEAE).

Disintegration of the genus *Prosopis* L. (Leguminosae, Caesalpinoideae)

Catalano, S. A.^{1,2}, Hughes, C. E.³, Ringelberg, J. J.³ y Lewis, G. P.⁴

¹Unidad Ejecutora Lillo, Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas - Fundación Miguel Lillo, Miguel Lillo 251, 4000 S. M. de Tucumán, Argentina. ²Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo, Universidad Nacional de Tucumán, Miguel Lillo 205, 4000 S. M. de Tucumán, Argentina. ³Department of Systematic & Evolutionary Botany, University of Zurich, Zollikenerstrasse 107, 8008 Zurich, Switzerland. ⁴Accelerated Taxonomy Department, Royal Botanic Gardens, Kew, Richmond, Surrey, TW9 3AE, UK

Análisis filogenómicos recientes han mostrado que el género *Prosopis* es polifilético, presentando tres linajes claramente establecidos: (i) una especie africana ubicada formando un grado con los géneros *Plathymenia*, *Newtonia* and *Fillaeopsis*, en posición basal dentro del clado “core mimosoid”, (ii) un segundo clado formado por el resto de las especies del género que habitan el Viejo Mundo, apareciendo como grupo hermano del género *Indopiptadenia* de Asia y (iii), las especies sudamericanas del género más *Xerocladia*, un género monoespecífico que habita la zona de Namibia/Namaqualand en África. Debido a esto, y siguiendo los principios de la sistemática filogenética, se decidió modificar los límites del género *Prosopis*, reduciendo al mismo a tres especies del Viejo Mundo, mientras que para incluir al resto de las especies se resucitan tres géneros *Anonychium*, *Neltuma* and *Strombocarpa*. La composición de estos nuevos géneros se corresponde con tres secciones definidas por Burkart (1976). Se discuten los alcances de estos cambios.

NEXT GEN, RADSEQ Y SNP'S EN *DESCHAMPSIA* (POACEAE): DE LA CERTEZA EVOLUTIVA AL ESQUEMA TAXONÓMICO.

Next Gen, RADseq and SNP's in *Deschampsia* (Poaceae): from the evolutionary certainty to the taxonomic outline

Chiapella, J. O.¹

¹Instituto de Investigaciones en Biodiversidad y Medio Ambiente (INBIOMA-UNComa-CONICET).
jchiapella@comahue-conicet.gob.ar

NGS “Next Generation Sequencing” es el método de secuenciación masiva para secuenciar genomas a un costo mucho menor que el tradicional Sanger. RADseq “Restriction-site associated DNA sequencing” es el método de secuenciación de fragmentos de ADN obtenidos por enzimas de restricción; los fragmentos son secuenciados masivamente. Esto permite escrutar genomas con alta resolución y obtener información poblacional sin conocimiento previo del mismo. SNP's “Single Nucleotide Polymorphisms” son mutaciones puntuales en un locus específico; su estudio permite establecer el parentesco entre las especies de un género, o las poblaciones de una especie. *Deschampsia* P. Beauv. es una gramínea de climas templados y fríos, y zonas montañosas de regiones cálidas. La combinación NGS, RADseq y SNP's es una herramienta poderosa para esclarecer la historia evolutiva de un taxón. En *Deschampsia*, esta ha incluido múltiples eventos de dispersión a larga distancia, especialmente entre territorios transoceánicos, desarrollo de endemismos e hibridación. La resolución de la historia evolutiva en linajes no tiene, sin embargo, una directa correspondencia con las categorías de una jerarquía taxonómica linneana.