



LIBRO DE RESÚMENES



**XVI Jornadas Nacionales de**  
**Antropología**  
**Biológica**



NOVIEMBRE DE 2023  
CIUDAD DE CÓRDOBA, ARGENTINA



 **Asociación de**  
**Antropología**  
**Biológica**  
**Argentina**



Libro de resúmenes XVI jornadas nacionales de antropología biológica /  
Mariana Fabra ... [et al.]. - 1a ed compendiada. - La Plata : Asociación  
de Antropología Biológica Argentina, 2023.  
Libro digital, PDF

Archivo Digital: descarga y online  
ISBN 978-987-27445-6-4

1. Antropología. 2. Diversidad Biológica. 3. Antropología Forense. I. Fabra, Mariana.  
CDD 301.072

*Permitida su reproducción, almacenamiento y distribución por cualquier medio,  
total o parcial, con permiso previo y por escrito de los autores y/o editor.*

**Primera edición:** Noviembre de 2023

**Compiladores:** Mariana Fabra, Darío A. Demarchi, Rodrigo Nores, Juan Bajo,  
Angelina García, Anahí Ginarte, Mario Arrieta, Lila Bernardi, Soledad Salega,  
Aldana Tavarone, María Pía Tavella, Darío Ramirez, Yaín Garita-Onandía.

**Proceso de evaluación de los resúmenes:** Mario Arrieta, Lila Bernardi,  
Soledad Salega.

**Edición:** Angelina García.

**Diseño y maquetación:** Florencia Bacchini.



arqueológicas del sitio estudiado: posibles relaciones entre individuos, entre grupos, indagando sobre los procesos de poblamiento de nuestro territorio en el contexto sudamericano.

## **DATOS GENÓMICOS, FENOTIPOS Y ENFERMEDADES COMPLEJAS EN LATINOAMÉRICA. EL CONSORCIO CANDELA A 10 AÑOS DE LA PUBLICACIÓN DE SU PRIMER ARTÍCULO**

Paschetta, Carolina<sup>1,2</sup> | Pérez, Luis Orlando<sup>1,2</sup> | Useglio, Mariana<sup>1,2</sup> | Navarro, Pablo<sup>1,2,3,4</sup> | Consorcio, Candela

1. Instituto Patagónico de Ciencias Sociales y Humanas “Dra. María Florencia Castillo del Bernal” (IPCSH) CCT CONICET-CENPAT. Puerto Madryn. E-mail: [paschetta@cenpat-conicet.gob.ar](mailto:paschetta@cenpat-conicet.gob.ar), [orlandoperez@cenpat-conicet.gob.ar](mailto:orlandoperez@cenpat-conicet.gob.ar), [museglio@gmail.com](mailto:museglio@gmail.com), [pnavarro@cenpat-conicet.gob.ar](mailto:pnavarro@cenpat-conicet.gob.ar)
2. Programa de Referencia y Biobanco Genómico de la Población Argentina. Secretaría de Planeamiento y Políticas, Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación, Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina.
3. Laboratorio de Ciencias de las Imágenes. Departamento de Ingeniería Eléctrica y de Computadoras, Universidad Nacional del Sur. Bahía Blanca.
4. Departamento de Informática. Facultad de Ingeniería. Universidad Nacional de la Patagonia San Juan Bosco. Trelew.

**Palabras clave:** genómica, mestizaje, morfometría facial y corporal, enfermedades no transmisibles

El Consorcio para el Análisis de la Diversidad y Evolución de Latinoamérica (CANDELA) ha llevado adelante un muestreo en poblaciones mestizas de 5 países latinoamericanos (Brasil, Chile, Colombia, México y Perú), incluyendo variables fenotípicas, biológicas y de contexto socioeconómico. El núcleo fundador del consorcio reúne alrededor de 40 investigadores de diferentes disciplinas para abordar el estudio de la diversidad humana y su entorno sociocultural en amplia perspectiva. Con el tiempo se sumaron colaboraciones con investigadores y grupos, lo que ha resultado en más de treinta artículos científicos publicados en diferentes revistas de alto impacto. Los mismos abarcan diferentes objetivos, por ejemplo, trabajos de GWAS para la identificación de genes candidatos asociados a diversos fenotipos, estudios relacionados a enfermedades complejas como cáncer, trabajos sobre variación dental, entre otros. Los resultados de las diferentes líneas de trabajo han

proporcionado información inédita sobre las poblaciones latinoamericanas, por ejemplo, el estudio de la subestructura de la ascendencia nativa americana deja en evidencia que el incremento en la proporción de alguna de ellas aumenta el riesgo de sufrir ciertas dolencias, o los estudios de GWAS que identificaron señales de asociación que no habían sido reportadas. Generar información a partir de muestras latinoamericanas es necesario para caracterizar de manera precisa las poblaciones y para crear biobancos de referencias locales que puedan ser de utilidad, por ejemplo, en la práctica médica al momento de diagnosticar dolencias, planificar tratamientos y generar campañas para la prevención de enfermedades complejas.

## **VARIABILIDAD FENOTÍPICA SEXO-ESPECÍFICA, MOVILIDAD, PARENTESCO Y MODELO DE RESIDENCIA POSTMARITAL EN POBLACIONES DEL ÁREA ANDINA CENTRO MERIDIONAL.**

Varela, Héctor Hugo<sup>1</sup> | Valetti, Julián Alonso<sup>1</sup> | Babini, María Selene<sup>1</sup>

1. Departamento de Cs. Naturales, Facultad de Cs. Exactas Físico-Químicas y Naturales, UNRC, CONICET (ICBIA), Río Cuarto, Argentina. E-mail: [hvarela@exa.unrc.edu.ar](mailto:hvarela@exa.unrc.edu.ar), [jvaletti@exa.unrc.edu.ar](mailto:jvaletti@exa.unrc.edu.ar), [sbabini@exa.unrc.edu.ar](mailto:sbabini@exa.unrc.edu.ar)

**Palabras clave:** divergencia genética,  $F_{ST}$ , caracteres cuantitativos, migración

El estudio del parentesco es fundamental para entender las sociedades del pasado porque aporta información sobre la organización social de las poblaciones. En el presente trabajo, se evalúa la variación fenotípica sexo-específica entre sitios, períodos y grupos con y sin modificación artificial del cráneo en poblaciones antiguas del Área Andina Centro Meridional, empleando caracteres métricos del cráneo. A partir de esta información se infiere el modelo de residencia postmarital, el número de migrantes por generación y la posible relación con factores socioculturales. Para lograr el objetivo, se utilizan caracteres craneométricos y una muestra de más de 2000 individuos correspondientes a materiales de diferentes sitios y períodos culturales del sur de Bolivia, Noroeste de Argentina y Norte de Chile. La variación fenotípica dentro y entre grupos se evalúa mediante análisis estadísticos multivariados. El parentesco entre grupos se estima aplicando métodos derivados de la