(Formerly MENDELIANA)



October 2023 Volume XXXIV Issue 1 (suppl.)

E-ISNN: 1852-6233

# 

Journal of Basic & Applied Genetics

Journal of the Argentine Society of Genetics Revista de la Sociedad Argentina de Genética www.sag.org.ar/jbag
Buenos Aires, Argentina





V. XXXIV - No. 1 (suppl.)

October 2023

#### Included in:







# Cited by:















### **Editorial Board**

# Comité Editorial

#### **Editor General:**

#### Dra. Elsa L. Camadro

Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Mar del Plata. Balcarce, Argentina bag.editor@sag.org.ar

#### **Editores Asociados:**

#### Citogenética Animal y Citogenética Vegetal

#### Dra. Liliana Mola

Depto. de Ecología, Genética y Evolución, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad Nacional de Buenos Aires, y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. Buenos Aires, Argentina limola@ege.fcen.uba.ar

#### Dra. Mariel Schneider

Dep. de Ciências Biológicas, Universidade Federal de São Paulo. São Paulo, Brasil maricb@rc.unesp.br

#### Citogenética Vegetal

#### Dr. Julio R. Daviña

Instituto de Biología Subtropical, Universidad Nacional de Misiones. Posadas, Argentina juliordavina@fceqyn.unam.edu.ar

#### Genética de Poblaciones y Evolución

#### Dra. Mariana Pires de Campos Telles

Dep. de Genética, Laboratório de Genética & Biodiversidade, Escola de Ciências Médicas e Vida, Pontifícia Universidade Católica de Goiás e Universidade Federal de Goiás. Goiás, Brasil tellsmpc@gmail.com

#### Dra. María Isabel Remis

Depto. de Ecología, Genética y Evolución, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad de Buenos Aires, y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. Buenos Aires, Argentina mariar@ege.fcen.uba.ar

#### Dr. Juan César Vilardi

Depto. de Ecología, Genética y Evolución, Facultad de Ciencias Exactas y Naturales, Universidad Nacional de Buenos Aires, y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. Buenos Aires, Argentina vilardi@bg.fcen.uba.ar

#### Genética Humana, Genética Médica, y Citogenética

#### Dra. María Inés Echeverría

Instituto de Genética, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Cuyo. Mendoza, Argentina miecheve@fcm.uncu.edu.ar

#### Genética Humana

#### Dr. Carlos Bacino

Dept. of Molecular and Human Genetics, Baylor College of Medicine. Texas, USA cbacino@bcm.edu

#### Genética Médica

#### Dr. José Arturo Prada Oliveira

Facultad de Medicina, Departamento de Anatomía Humana y Embriología, Universidad de Cádiz. Cádiz, España arturo.prada@uca.es

#### Genética Médica y Molecular

#### Dr. Bernardo Bertoni Jara

Facultad de Medicina, Universidad de la República. Montevideo, República Oriental del Uruguay bbertoni@fmed.edu.uy

#### Dra. Mev Domínguez Valentín

Oslo University Hospital. Oslo, Norway mev.dominguez.valentin@rr-research.no

#### Genética Molecular Animal

#### Dr. Guillermo Giovambattista

Instituto de Genética Veterinaria, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional de La Plata, y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. La Plata, Argentina

ggiovam@fcv.unlp.edu.ar

#### Genética Molecular Vegetal

#### Dr. Alberto Acevedo

Centro de Investigación de Recursos Naturales, Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria. Hurlingham, Argentina acevedo.alberto@inta.gob.ar

#### Dr. Andrés Zambelli

Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Mar del Plata, y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. Balcarce, Argentina andres.zambelli@mdp.edu.ar

#### Genética y Mejoramiento Animal

#### Dra. Liliana A. Picardi

Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Rosario. Zavalla, Argentina Ipicardi@unr.edu.ar

#### Dra. María Inés Oyarzábal

Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional de Rosario. Rosario, Argentina moyazabr@unr.edu.ar

#### Dr. Gustavo Rodríguez Reynoso

Universidad Agraria La Molina, y Consejo Nacional de Ciencia y Tecnología. Lima, Perú gustavogr@lamolina.edu.pe

#### Genética y Mejoramiento Genético Vegetal

#### Dra. Natalia Bonamico

Facultad de Agronomía y Veterinaria, Universidad Nacional de Río Cuarto. Río Cuarto, Argentina nbonamico@ayv.unrc.edu.ar

#### Dr. Ricardo W. Masuelli

Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Cuyo, y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. Mendoza, Argentina rmasuelli@fca.uncu.edu.ar

#### Dr. Rodomiro Ortiz

Dept. of Plant Breeding, Swedish University of Agricultural Science. Uppsala, Suecia rodomiro.ortiz@slu.se

#### Dra. Mónica Poverene

Depto. de Agronomía, Universidad Nacional del Sur. Bahía Blanca, Argentina poverene@criba.edu.ar

#### Dr. Pedro Rimieri

Profesional asociado y asesor científicotécnico. INTA, Pergamino. Buenos Aires, Argentina primieri730@gmail.com

#### Genética de Microorganismos

#### Dra. Mariel Sanso

Facultad de Ciencias. Veterinarias, Universidad Nacional del Centro de la Provincia de Buenos Aires. Tandil, Argentina msanso@vet.unicen.edu.ar

#### Mutagénesis

#### Dr. Alejandro D. Bolzán

Lab. de Citogenética y Mutagénesis, Instituto Multidisciplinario de Biología Celular, y Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas. La Plata, Argentina abolzan@imbice.gov.ar

# Consultor Estadístico

#### Dr. David Almorza

Facultad de Ciencias del Trabajo, Depto. de Estadística e Investigación Operativa, Universidad de Cádiz. Cádiz, España david.almorza@uca.es

# **Comité Científico**

#### Secretaria de Redacción

#### Dra. María de las Mercedes Echeverría

Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Mar del Plata. Balcarce, Argentina mecheverria@mdp.edu.ar

#### Diseño y maquetación

#### Lic. Mauro Salerno

maurosalerno92@gmail.com

#### Corrección de estilo

Dra. Gabriela Leofanti gabrielaleofanti@gmail.com

#### Comité de colaboradores

#### Dra. María Mercedes Ibañez

Facultad de Agronomía y Veterinaria, Universidad Nacional de Río Cuarto. Río Cuarto, Córdoba, Argentina mibanez@ayv.unrc.edu

#### Dr. Daniel Maizon

Estación Experimental Agropecuaria "Guillermo Covas", Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria, y Universidad Nacional de La Pampa. Anguil, La Pampa, Argentina maizon.daniel@inta.gob.ar

#### Dra. María Andrea Tomas

Estación Experimental Agropecuaria Rafaela, Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria; Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas; Universidad Nacional de Rafaela. Rafaela, Santa Fe, Argentina tomas.maria@inta.gob.ar

#### Imágen de tapa:

Planta de maní, *Arachis hypogaea L.,* arrancada e invertida para el secado de los frutos.

DRS-MANIAGRO

#### Dra. Silvia Ávila

Hospital Provincial de Neuquén, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional del Comahue.

#### Dr. Ezequiel Bossio

INTA. Instituto de Genética-IGEAF, Hurlingham.

#### Dra. Gabriela Breccia

Instituto de Investigaciones en Ciencias Agrarias de Rosario (IICAR-CONICET-UNR), Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Rosario.

#### Dr. Vladimir Cambiaso

Instituto de Investigaciones en Ciencias Agrarias de Rosario (IICAR-CONICET-UNR), Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Rosario.

#### Dr. Nicolás Cara

Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Cuyo, Mendoza.

#### Dra. Graciela del Rey

Centro de Investigaciones Endocrinológicas "Dr César Bergadá" (CEDIE), CONICET, FEI, Div Endocrinología, Hospital de Niños "Ricardo Gutiérrez".

#### Dra. Marina Díaz

Departamento de Biologia, Bioquímica y Farmacia, Universidad Nacional del Sur. CERZOS-CONICET, Bahia Blanca, Buenos Aires.

#### Dra. Valeria Etchart

Instituto de Genética – CYCVyA – INTA, Buenos Aires.

#### Dra. María Victoria García

Laboratorio de Genética de Poblaciones y del Paisaje, Departamento de Genética, Universidad Nacional de Misiones. Instituto de Biología Subtropical–Nodo Posadas, CONICET.

#### Dra. Florencia Giliberto

Facultad de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires.

# Ing. Agr. MSc. Ezequiel Grassi

Facultad de Agronomía y Veterinaria, Universidad Nacional de Río Cuarto, INIAB (CONICET-UNRC), Córdoba.

#### Dra. Silvina Juchniuk

Centro Materno Infantil, Hospital Zonal Trelew, Chubut.

#### Dr. Daniel Maizón

EEA Anguil - INTA, La Pampa.

#### Med. Alejandra Mampel

Instituto de Genética, Hospital Universitario, UN de Cuyo, Mendoza.

#### Dra. Cecilia Montes

División Genética Médica, Hospital de Niños de la Santísima Trinidad de Córdoba.

#### Dra. Ana Ochogavía

Instituto de Investigaciones en Ciencias Agrarias de Rosario (IICAR-CONICET-UNR)

#### Dra. Gisela Padula

IGEVET (CONICET-UNLP), Fac. Cs. Veterinarias, UNLP; Facultad de Ciencias Naturales y Museo, LINI P

#### Dra. Francisca Perera

Instituto de Tecnología Agroindustrial del Noroeste Argentino (ITANOA), Estación Experimental Agroindustrial Obispo Colombres (EEAOC), Tucumán; CONICET, CCT NOA Sur, Las Talitas, Tucumán.

#### Dra. Susana Pistorale

Departamento de Ciencias Básicas, Universidad Nacional de Luján, Buenos Aires; Departamento de Ciencias Básicas y Experimentales, Universidad Nacional del Noroeste de la Provincia de Buenos Aires, Pergamino, Buenos Aires.

#### Dr. Mario Poli

INTA-CYCVyA. Instituto de Genética "Ewald Favret", Buenos Aires.

#### Dra. Mónica Poverene

Departamento de Agronomía, Universidad Nacional del Sur, Bahía Blanca.

#### Dra. María Ana Redal

Laboratorio de Diagnóstico Molecular, División Genética, Facultad de Medicina, Hospital de Clínicas José de San Martín; Departamento de Farmacia y Bioquímica, Universidad de Buenos Aires.

#### Dra. Norma Rossi

Fundacion para el Progreso de la Medicina, Córdoba.

#### Dra. Viviana G. Solís Neffa

Instituto de Botánica del Nordeste (UNNE-CONICET), FACENA - Universidad Nacional del Nordeste.

#### Dra. María Silvia Tacaliti

Facultad de Ciencias Agrarias y Forestales, Universidad Nacional de La Plata, CISaV, Buenos Aires.

# Comisión organizadora local

Presidente<sup>.</sup>

Mercedes Ibañez

Vicepresidente 1º:

Natalia Bonamico

Vicepresidente 2º:

Ernesto Castillo

Secretario General:

Hernán di Santo

Lucas Aguirre Ezequiel Grassi

María Fiamma Grossi Vanacore

Natalia Marcellino

Romina Meneguzzi

Claudia Mójica

**Ezequiel Rossi** 

Matías Rovere

Marcos Ruiz

Patricia Wittouck

# Comisión Directiva 2021-2023

Presidente:

Dra. Viviana G. Solís Neffa

Vicepresidente 1º:

Ing. Agr. Pedro Rimieri

Vicepresidente 2°:

Med. Alejandra Mampel

Secretario:

Dr. Ezequiel Bossio

Tesorera:

Dra. María Silvia Tacalitti

Vocal 1º:

Ing. Agr. MSc. Ezequiel Grassi

Vocal 2°:

Dra. Gabriela Breccia

Vocal 3º

Dra. Florencia Giliberto

Vocal suplente 1°:

Dr. Pablo G. Mele

Vocal suplente 2°:

Comisión Revisora de cuentas:

Bioq. Fernanda S. Jalil

Titulares: Dra. M. Soledad Ureta y Dra.

**Andrea Tomas** 

Suplentes: Dra. Natalia Bonamico y Dra.

María Elena Fernández

Consejo Asesor 2021–2023

REGIÓN CIUDAD AUTÓNOMA DE BUENOS AIRES Y PROVINCIA DE BUENOS AIRES

Ing. Agr. Carlos Mezzadra

INTA Balcarce

Dr. Juan César Vilardi

EGyE-UBA

Dra. Mónica Poverene

UNS

Dr. Enrique Curt Gadow

CEMIC

REGIÓN LITORAL

Dra. Liliana A Picardi

Fac Cs Agrarias, UNR

Dra. María Inés Oyarzabal

Fac. Cs. Veterinarias, UNR, Santa Fe

**REGIÓN NORESTE** 

Dr. Alberto Fenocchio

UNaM

REGIÓN NOROESTE

Dr. José Dipierri

Inst. Biología de la Altura, UNJ

**REGIÓN CENTRO** 

Dra. Norma Teresa Rossi

REGIÓN CUYO

Dra. Norma Magnelli

Fac. Cs. Médicas. UNCU

Dr. Ricardo Masuelli

Universidad Nacional de Cuyo

REGIÓN LA PAMPA Y PATAGONIA

Dr. Leonardo Gallo

Unidad de Genética Forestal. INTA Bariloche

# LI Congreso Argentino de Genética

1 al 4 de octubre de 2023 \* Río Cuarto, Córdoba



"El secreto de la vida..."

La estructura del ADN, a 70 años de su publicación



# Subsidios otorgados:









# Patrocinios:





















# Declarada de Interés por:

































# Contenidos

C	CONFERENCIAS	9
S	IMPOSIOS	8
E	SPACIO JOVEN	8
F	ORO	8
C	CURSOS PRE-CONGRESO	8
C	COMUNICACIONES LIBRES	8
С	A. CITOGENÉTICA ANIMAL	
С	H. CITOGENÉTICA HUMANA	
С	V. CITOGENÉTICA VEGETAL	
F	G. FARMACOGENÉTICA	
G	MO. GENÉTICA DE MICROORGANISMOS	
G	<b>GPE.</b> GENÉTICA DE POBLACIONES Y EVOLUCIÓN	
G	<b>GH.</b> GENÉTICA HUMANA	
G	<b>6M.</b> GENÉTICA MÉDICA	
G	<b>SV.</b> GENÉTICA VEGETAL	
G	SEDU. GENÉTICA Y EDUCACIÓN	
G	GMA. GENÉTICA Y MEJORAMIENTO ANIMAL	
G	GGM. GENÓMICA Y GENÉTICA MOLECULAR	
N	IV. MEJORAMIENTO VEGETAL	
	MCTA. MUTAGÉNESIS, CARCINOGÉNESIS TERATOGÉNESIS AMBIENTAL	

#### **GM 15**

# SÍNDROME DE SOTOS Y APENDICITIS NEONATAL; REPORTE DE UN CASO

Perotti R.<sup>1</sup>, A. Chaves<sup>1</sup>, A. Sturich<sup>1</sup>, A. Sferco<sup>2</sup>, C. Montes<sup>1</sup>. 
<sup>1</sup>División Genética Médica, Hospital de Niños de la Santísima Trinidad de Córdoba, Córdoba, Argentina; 
<sup>2</sup>Servicio de Cirugía Hospital de Niños de la Santísima Trinidad de Córdoba, Córdoba, Argentina. E-mail: montesceciliadelcarmen@gmail.com

El síndrome de Sotos (SS) es una entidad caracterizada por facie típica, sobrecrecimiento con macrocefalia y discapacidad intelectual variable. La apendicitis neonatal (AN) es muy rara con una incidencia de 0,04-0,2% no descripta en este síndrome. Se presenta el caso clínico de un varón de 11 meses sin antecedentes prenatales, parto eutócico, 36 semanas RNPT/AEG, antropometría acorde, puntaje de Apgar 8-9. Al nacer fue internado por déficit de succión e irritabilidad, al 3° día presentó mal estado general con heces sanguinolentas y abdomen agudo; se realizó laparotomía exploradora: apendicitis gangrenosa con plastrón; se descartó: enterocolitis necrotizante, enfermedad de Hirschsprung, Fibrosis Quística. Genealogía, segundo hijo de una pareja no consanguínea, padres jóvenes y sanos, hermandad un varón sano. Evoluciona con fallo de crecimiento, retraso psicomotor severo y dismorfias. Examen físico P/E: DS -4.1, T/E: DS: -3.66, PC: percentilo10; hipotonía axial, mala conducta visual, dolicocefalia, frente prominente, orejas y boca grandes, paladar ojival, manos y pies grandes con pliegues marcados, movimientos distónicos en extremidades, escoliosis. Neuroimágenes sin ventriculomegalia. Cariotipo: 46, XY; exoma clínico variante probablemente patogénica heterocigota en NSD1 (c.3231del)(p.Leu1078Ter) no descripta hasta la fecha, diagnóstico de SS. El propósito al nacimiento no mostró un fenotipo clásico. La ausencia de sobrecrecimiento y el retraso del desarrollo severo, podría atribuirse al genotipo; la AN se podría asignar a un trastorno de la motilidad intestinal; se debería evaluar patología genética ante el diagnóstico de AN.

#### **GM 16**

# ESTUDIO GENÉTICO INTEGRAL MEDIANTE WES Y MLPA DE UNA FAMILIA CON SÍNDROME DE WAARDENBURG TIPO 2. CORRELACIÓN CON EL FENOTIPO

Lotersztein V.¹, A. Izquierdo², P. Buonfiglio³, A. Lagoia Alcayaga⁴, R. Valdez¹, A.B. Elgoyhen³, V. Dalamón³. ¹Servicio de Genética, Hospital Militar Central "Cirujano Mayor Cosme Argerich", Buenos Aires, Argentina; ²Unidad de Investigación Traslacional del Hospital de Niños Dr. Ricardo Gutiérrez, Buenos Aires, Argentina; ³Laboratorio de Fisiología y Genética de la Audición, Instituto de Investigaciones en Ingeniería Genética y Biología Molecular (INGEBI), Buenos Aires, Argentina; ⁴Servicio de Otorrinolaringología, Hospital Militar Central "Cirujano Mayor Cosme Argerich", Buenos Aires, Argentina. E-mail: vlotersztein@yahoo.com.ar

El síndrome de Waardenburg (1/42.000) es un grupo de enfermedades hereditarias en donde los pacientes presentan hipoacusia neurosensorial (HNS) congénita de grado variable y alteraciones pigmentarias en piel, cabello y ojos. Dicha patología corresponde al 5% de HNS sindrómica, siendo la causa más frecuente de herencia dominante. El síndrome es causado tanto por mutaciones puntuales como alteraciones en el número de copias (CNVs), por lo que su estudio justifica la combinación de varias técnicas moleculares. Se presenta una familia de tres generaciones en la que la abuela, la madre y dos de sus tres hijos presentan HNS de moderada a severa y heterocromía del iris. El objetivo del trabajo fue identificar la variante genética causal de la patología en la familia mediante secuenciación exómica masiva y MLPA. Se analizaron los genes EDN3, EDNRB, KITLG, MITF, PAX3, SNAI2 y SOX10 relacionados con las cuatro formas del síndrome (tipo I a IV) sin identificar variantes puntuales luego del proceso de filtrado v priorización. Utilizando la herramienta DECoN sobre los datos crudos, se identificó una deleción heterocigota del gen SOX10. Dicha alteración se validó mediante MLPA en todos los afectados de la familia. El estudio de segregación no sólo permitió confirmar la deleción de todo el gen SOX10 en forma heterocigota sino correlacionar el genotipo y el fenotipo en la familia. Se destaca la importancia del trabajo multidisciplinario desde el aspecto clínico, molecular y bioinformático para arribar al diagnóstico certero que conlleva al correcto pronóstico y seguimiento de la familia.