



2017  
AAF  
4°C  
4



Asociación Argentina  
de Fitopatólogos

## LIBRO DE RESÚMENES

19, 20 y 21 de Abril de 2017  
Mendoza, Argentina

**B2-034****ESTRATEGIAS EN RED PARA EL MANEJO DE MILDIU DE GIRASOL (*Plasmopara halstedii*) EN ARGENTINA****Quiroz F.<sup>1</sup>; Erreguerena F.<sup>1</sup>; Martinez L.<sup>2</sup>; Armando L.<sup>2</sup>; Garayalde A.<sup>2</sup>; Bazzallo M.E.<sup>3</sup>; Piubello S.<sup>4</sup>; Huguet N.<sup>5</sup>; Romano M.C.<sup>6</sup>; Bock F.<sup>7</sup>; Zuil S.<sup>1</sup>; Bertero A. y Carrera A.<sup>2</sup>**<sup>1</sup>INTA. <sup>2</sup>CONICET-UNS. <sup>3</sup>ADVANTA. <sup>4</sup>Lab. Análisis de Semillas y Patología Vegetal. <sup>5</sup>Serv. de Patología Vegetal. <sup>6</sup>NIDERA. <sup>7</sup>SYNGENTA. quiroz.facundo@inta.gob.ar

Desde 2013 se observa un incremento de mildiu de girasol por *Plasmopara halstedii* en SE de Bs As y N de Santa Fe. Esto se atribuye a cambios genéticos del patógeno que le confirieron tolerancia al curasemilla metalaxyl y/o superaron algunos genes Pl de resistencia de los híbridos cultivados. Ante este problema, se conformó una red integrada por el INTA, universidades (UNS y UNMdP), laboratorios y semilleros que llevan a cabo diversas actividades. Entre ellas, i) recolección de muestras, ii) identificación de razas por inoculación de líneas diferenciales, iii) caracterización genética del patógeno y iv) evaluación de fungicidas. Para mantener la capacidad de discriminación de razas presentes en Argentina, se amplió el set original de líneas diferenciales. Se determinó la presencia de las razas 770, 730 y 710, la raza 713 que quebró la resistencia de Pl13 y Pl14 y una variante de la raza 710 que afecta híbridos con Pl15, a diferencia de la raza 710 presente en Europa. Ensayos de control químico sobre variantes tolerantes al metalaxyl demostraron que azoxistrobina + metalaxyl controló hasta el 100% en estadios tempranos de infección. La información de las próximas campañas será integrada para evaluar la expansión de la enfermedad, estudiar la generación/dinámica de variantes patogénicas y diseñar las estrategias de manejo.

Financiamiento: CONICET; INTA; CIC; FCA, UNMdP.