

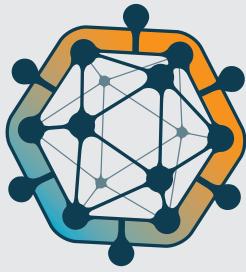


XIII CONGRESO ARGENTINO DE **VIROLOGIA 2021**

**29, 30 de noviembre
y 1 de diciembre de 2021**



LIBRO DE RESÚMENES



XIII CONGRESO ARGENTINO DE
VIROLOGIA 2021

PATROCINAN

INSTITUCIONES



Ministerio de Ciencia,
Tecnología e Innovación
Argentina

Sponsors Platino



Sponsors Bronce



Otros Sponsors



AUSPICIANTES:

A.A.E.E.H - ASOCIACIÓN ARGENTINA PARA EL ESTUDIO DE LA ENFERMEDADES DEL HÍGADO.

AACS - ASOCIACIÓN ARGENTINA CIENCIA DEL SUELO.

ABA - ASOCIACIÓN BIOQUÍMICA ARGENTINA.

ABC - ASOCIACIÓN DE BIOQUÍMICOS DE CÓRDOBA.

AMAMED - ASOCIACIÓN MÉDICA ARGENTINA.

ANLIS MALBRÁN - ADMINISTRACIÓN NACIONAL DE LABORATORIOS
E INSTITUTOS DE SALUD "DR. CARLOS G. MALBRÁN".

COBICO - COLEGIO DE BIOQUÍMICOS DE LA PROVINCIA DE CÓRDOBA.

COFYBCF - COLEGIO OFICIAL DE FARMACÉUTICOS Y BIOQUÍMICOS DE LA CAPITAL FEDERAL.

FABA - FEDERACIÓN BIOQUÍMICA DE LA PROVINCIA DE BUENOS AIRES.

FBCB UNL - FACULTAD DE BIOQUÍMICA Y CIENCIAS BIOLÓGICAS,
UNIVERSIDAD NACIONAL DEL LITORAL.

FCA UNL - FACULTAD DE CIENCIAS AGRARIAS, UNIVERSIDAD NACIONAL DEL LITORAL.

FCV UNL - FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS, UNIVERSIDAD NACIONAL DEL LITORAL.

FUNDACIÓN HUESPÉD

FUNDACIÓN INSTITUTO LELOIR

INBIRS - INSTITUTO DE INVESTIGACIONES BIOMÉDICAS EN RETROVIRUS Y SIDA
(EX CENTRO NACIONAL DE REFERENCIA PARA EL SIDA).

INSTITUTO NACIONAL DE ENFERMEDADES INFECCIOSAS "DR. CARLOS G. MALBRÁN"

INTA - INSTITUTO NACIONAL DE TECNOLOGÍA AGROPECUARIA.

SAC - SOCIEDAD ARGENTINA DE CARDIOLOGÍA.

SAIC - SOCIEDAD ARGENTINA DE INVESTIGACIÓN CLÍNICA.

SAMIGE - ASOCIACIÓN CIVIL DE MICROBIOLOGÍA GENERAL.

SENASA - SERVICIO NACIONAL DE SANIDAD Y CALIDAD AGROPECUARIA.

UBA FMED - FACULTAD DE MEDICINA, UNIVERSIDAD DE BUENOS AIRES.

UCC - FACULTAD DE CIENCIAS QUÍMICAS, UNIVERSIDAD CATÓLICA DE CÓRDOBA.

UNDAV - UNIVERSIDAD NACIONAL DE AVELLANEDA.

UNMDP - FACULTAD DE CIENCIAS EXACTAS Y NATURALES,
UNIVERSIDAD NACIONAL DE MAR DEL PLATA.

UNQ - UNIVERSIDAD NACIONAL DE QUILMES.

UNR - FACULTAD DE CIENCIAS BIOQUÍMICAS Y FARMACÉUTICAS,
UNIVERSIDAD NACIONAL DE ROSARIO.

USAL - FACULTAD DE MEDICINA, UNIVERSIDAD DEL SALVADOR.

COMISIÓN ORGANIZADORA XIII CAV 2021

Presidente

Mariano Pérez Filgueira

Instituto de Virología e Innovaciones Tecnológicas (IVIT), INTA-CONICET.

Vicepresidenta

Andrea Mangano

Unidad de Virología y Epidemiología Molecular, Hospital de Pediatría “J.P. Garrahan”.

Secretaría General

Carolina Torres, Cátedra de Virología, FFyB, Universidad de Buenos Aires.

Pamela Valva, IMIPP-CONICET-GCBA, Hospital de Niños R. Gutiérrez.

Tesorería

Nadia Fuentealba, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional de La Plata.

Nora López, Centro de Virología Humana y Animal (CEVHAN), Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Tecnológicas (CONICET)- Universidad Abierta Interamericana, Buenos Aires, Argentina.

Comisión Técnica y de Finanzas

Carolina Berini, INBIRS, Universidad de Buenos Aires-CONICET (Secretaria).

Viviana Re, InViV, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Córdoba (Secretaria).

Lucía Cavallaro, Cátedra de Virología, FFyB, Universidad de Buenos Aires.

Mariel Correa, Departamento Virología, INEI- ANLIS “Dr.Malbran”

María Cruz Miraglia, IVIT, INTA-CONICET.

Ana Laura Cavatorta, IBR-CONICET-Universidad Nacional de Rosario.

Comisión Científica

Diego Álvarez, IIBIO CONICET, Universidad Nacional de San Martín (Secretario).

María Victoria Preciado, IMIPP-CONICET-GCBA, Hospital de Niños R. Gutiérrez (Secretaria).

Leticia Bentancor, Departamento de Ciencia y Tecnología, Universidad Nacional de Quilmes.

Andrea Gamarnik, IBBA-CONICET, Fundación Instituto Leloir.

Cybele García, IQUIBICEN-CONICET, FCEyN, Universidad de Buenos Aires.

María Inés Gismondi, IABIMO, INTA-CONICET.

Alejandra Morales, INEVH, ANLIS.

Simposio de Virología Clínica

Coordinadores:

María Belén Bouzas, División Análisis Clínicos, Hospital de Infectos “Dr. Francisco Javier Muñiz”.

Fabián Fay, CIBIC S.A.

Simposio de Virología Veterinaria

Coordinadores:

Danilo Bucafusco, IVIT, INTA-CONICET.

Alejandra Capozzo, IVIT, INTA-CONICET.

Simposio de Virología Alimentaria y Ambiental

Coordinadores:

María Dolores Blanco Fernández, Cátedra de Virología, FFyB, Universidad de Buenos Aires.

Viviana Mbayed, Cátedra de Virología, FFyB, Universidad de Buenos Aires.

Comunicación

Erina Petrera, IQUIBICEN-CONICET, FCEyN, Universidad de Buenos Aires

Juan Manuel Carballeda, Universidad Nacional de Quilmes

SOCIEDAD ARGENTINA DE VIROLOGÍA

Comisión Directiva

Presidenta

Lucía Cavallaro

Cátedra de Virología, FFyB, UBA.

Vicepresidente

Víctor Romanowski

IBBM-CONICET, UNLP.

Secretaria

Viviana Re, InViV, Facultad de Ciencias Médicas, UNC.

Prosecretaria

Andrea Mangano, Unidad de Virología y Epidemiología Molecular, Hospital de Pediatría “J.P. Garrahan”.

Secretaria De Actas

Pamela Valva, IMIPP-CONICET-GCBA, HNRG.

Tesorera

Nora López, CEVHAN, CONICET-UAI.

Protesorero

Mariano Pérez Filgueira, IVIT, INTA-CONICET.

Nadia Fuentealba, FCV, UNLP.

Vocales Titulares

Sandra Cordo, IQUIBICEN-CONICET, FCEyN, UBA.

Juan Stupka, Departamento de Virus, INEI, ANLIS.

Ana Laura Cavatorta, IBR-CONICET-Universidad Nacional de Rosario.

Vocales Suplentes

Juan Carballeda, Laboratorio de Virus Emergentes, Dto. de Ciencia y Tecnología, UNQui

Inés Zapiola, Unidad de Virología, Hospital de Infecciosas “Dr. Francisco Javier Muñiz”.

Carolina Berini, INBIRS, CONICET-UBA

Cármens Saavedra, INEVH, ANLIS.

Laura Delgui, IHEM CONICET-UNCuyo

ASOCIACIÓN ARGENTINA DE MICROBIOLOGÍA
Comisión Directiva

Presidente
Adriana Sucari

Vicepresidente
Paula Gagetti

Secretaria
Verónica Vogt

Secretaria de actas
Inés García de Salamone

Prosecretaria
María Cecilia Freire

Tesorero
Roberto Suárez Álvarez

Protesorera
Norma Fernández

Vocales Titulares

Gustavo Giusiano
Oscar Alberto Taboga
Pablo Power
Fabiana Guglielmone

Vocales Suplentes

Luis Antonio Merino
Marcelo Berretta
Manuel Gómez Carrillo
Juan Martín Oteiza
Mariano Pérez Filgueira
Laura Bonofiglio

Comisión Revisora de Cuentas

María I. G. Fernandez
María Mercedes Ávila

BIENVENIDOS

EL XIII CONGRESO ARGENTINO DE VIROLOGÍA 2021 LEVANTA VUELO

Desde el año 1983, la Sociedad Argentina de Virología (SAV) organiza en forma ininterrumpida el Congreso Argentino de Virología (CAV), la principal actividad científica de la temática en nuestro país. En el 2021, el CAV se adapta a los tiempos y acepta nuevos desafíos.

Sin duda el 2020 será un año que nunca olvidaremos. La emergencia de un nuevo virus que se transmitió a escala global cambió nuestras vidas, en algunos sentidos para siempre, y como nunca antes, puso a la ciencia y la tecnología al frente de la respuesta contra esta amenaza desconocida.

En lo que algunos llamaron un milagro, pocos días después de su aislamiento se desarrollaron sistemas diagnósticos para el nuevo virus, comenzaron a estudiarse distintas estrategias para tratar la enfermedad, y en poco más de diez meses, más de una decena de candidatos vacunales transitaban las últimas etapas de la evaluación clínica, para poder comenzar con programas masivos de vacunación antes del fin de año.

Si bien podemos creer en la suerte, desde la ciencia sabemos que esta respuesta no fue un milagro. Por el contrario, fue el resultado de décadas de investigación en diversas disciplinas dentro de la virología, y el fruto del intercambio, la discusión y el trabajo multidisciplinario.

Desde la SAV nos sentimos parte de este esfuerzo. Por las investigadoras e investigadores de nuestra Sociedad que trabajaron desarrollando herramientas y conocimientos para el control de la COVID-19. Por aquellas y aquellos que se comprometieron con el diagnóstico de la enfermedad en todo el país. Y también por quienes generaron información confiable, organizando espacios en los que poder dar difusión a los desarrollos y los resultados más recientes de la investigación científica, así como para discutir las estrategias actuales y perspectivas futuras.

Así, el 2020 resultó el año en el que el CAV tuvo que reconvertirse, adoptar la virtualidad, aprender a comunicar en los nuevos espacios y tratar de ayudar en la comprensión del problema frente a la desinformación y el temor.

El mismo espíritu que mostramos durante la emergencia de la COVID-19 es el que nos anima en la edición 2021 del CAV: seguir apostando a la actualización y la difusión de conocimientos novedosos, promoviendo el intercambio científico interdisciplinario sobre diversas temáticas de los virus que afectan la salud humana, animal y vegetal e impactan en nuestra calidad de vida.

De la virtualidad aprendimos su enorme poder para llegar a las personas durante y luego de las actividades. También la posibilidad de convocar profesionales de prestigio de todo el mundo y convocar audiencias de otros países. Nuestros dos webinar sobre diagnóstico de COVID-19, así como las tres jornadas del “mini” CAV 2020 y las Jornadas Científicas de la SAV realizadas durante el 2020 tuvieron cientos de espectadores en vivo y miles de reproducciones posteriores.

El XIII CAV 2021 suma el Simposio Latinoamericano de Virología Ambiental y Alimentaria, a los ya clásicos Simposios de Virología Clínica y Virología Veterinaria. Contamos con diversas actividades estructuradas alrededor de mesas redondas, sesiones interactivas, charlas plenarias y espacios de debate, asegurando el interés de profesionales de las ciencias biomédicas de todos los niveles, así como de responsables de organismos públicos y privados, tanto técnicos como gerenciales.

La gran diversidad de temáticas y el profuso programa lo hacen el evento más importante de la Virología en Argentina.

Dr. Mariano Pérez Filgueira
Presidente XIII CAV 2021



Resultados: de los 215 pacientes estudiados, 21 (9,8%) fueron positivos por ambos métodos y 185 (86,0%) negativos. Se obtuvieron 7 (3,3%) falsos negativos (RT-qPCR +/Panbio™ -) y 2 (0,9%) falsos positivos (RT-qPCR -/Panbio™ +). Por tanto, la sensibilidad diagnóstica obtenida fue del 75% (IC del 95%: 57-87%), y la especificidad del 98,9% (IC del 95%: 96,2-99,7%). El valor predictivo negativo y positivo fue del 96,9% y 91,3%, respectivamente. Sin embargo, cuando se estratificaron las muestras en función del CT se obtuvo una sensibilidad del 100% para aquellas que tenían un CT < 20 (equivalente a $>4,6 \times 10^9$ copias/mL de muestra), del 94,7% para muestras con CT < 25 ($>7,9 \times 10^6$ copias/mL de muestra), del 83,3% para muestras con CT < 30 ($>1,4 \times 10^5$ copias/mL de muestra), del 77,8% para muestras con CT < 35 ($>2,4 \times 10^3$ copias/mL de muestra) y del 75% para muestras con CT < 40 ($>4,0 \times 10^1$ copias/mL de muestra). **Conclusión:** la sensibilidad del test rápido obtenida es notablemente menor que la reportada por el fabricante (91,4% IC del 95%: 85,5-95,5%) y no cumple con las recomendaciones de la OMS para un test de screening (al menos un 80% de sensibilidad). Sin embargo, presenta un excelente desempeño en la identificación de niños que exhiben altas cargas virales en el tracto respiratorio superior y por lo tanto permite detectar casos con alta contagiosidad de forma temprana lo que lo convierte en una herramienta valiosa para el manejo epidemiológico.

CAV031

PERFIL EPIDEMIOLÓGICO DE LOS CASOS SOSPECHOSOS DE DENGUE ATENDIDOS EN EL HOSPITAL MISERICORDIA NUEVO SIGLO EN EL AÑO 2020

María Trinidad Garagiola (Colegio de Bioquímicos de Córdoba), **Norma Guzmán** (Colegio de Bioquímicos de Córdoba), **Pablo Martín Vázquez** (Colegio de Bioquímicos de Córdoba)

Introducción: La epidemia de Dengue (D) en Córdoba en 2020 puso en alerta al sistema sanitario por ser la de mayor magnitud registrada hasta el momento con más de 4000 casos en la provincia. En el Hospital Misericordia (HM) se atendieron 1162 pacientes con sospecha de D. **Objetivo:** Establecer las características epidemiológicas de los pacientes con sospecha de Dengue atendidos en el Hospital Misericordia Nuevo Siglo durante la epidemia del año 2020. **Material y método:** estudio descriptivo, retrospectivo y transversal. Se incluyeron los pacientes que tuvieron criterios de Casos Sospechosos de D atendidos en los meses de febrero, marzo, abril y mayo del 2020 en los servicios de Clínica Médica, Guardia Central, Pediatría y Medicina Familiar del HM. **Resultados:** la edad promedio fue de 28,9 (0 - 76) años y la mediana de 27 años, el 13% correspondiente a población pediátrica. El 52% era de sexo femenino. Los pacientes en su mayoría provenían de los barrios: San Roque (32%), Villa Martínez (10%), Suárez (5%), Lamadrid (4%), Bella Vista (4%), Güemes (2%) y Ameghino Norte (2%). Los síntomas presentados con mayor frecuencia fueron: fiebre (95%), cefalea (89%), mialgias (84%), dolor retroocular (70%), artralgias (67%) y prurito (30%). Casi un 70% de los pacientes consultó dentro los 3 primeros días de inicio de los síntomas. Solo un 2% requirió internación para seguimiento y tratamiento. El 26% de los casos sospechosos fueron confirmados por biología molecular, detección de AgNS1 o serología y un 46% fue diagnosticado por nexo epidemiológico. Presentaron leucopenia un 35% de los pacientes y plaquetopenia un 52%. **Conclusión:** determinar las características epidemiológicas es importante para la búsqueda de soluciones locales eficaces, alternativas de mejora de atención hospitalaria y es una herramienta para el desarrollo de políticas adecuadas a nuestra realidad.

CAV032

DISEÑO, PRODUCCIÓN Y CARACTERIZACIÓN DE VLPs QUÍMERICAS COMPUSTAS DE EPITOPOS NEUTRALIZANTES DEL VIRUS DE LA RABIA Y DE LA FIEBRE AFTOSA

Ernesto Garay (UNL, CONICET, FBCB (Facultad de Bioquímica y Cs. Biológicas), CBL (Centro Biotecnológico del Litoral), Ciudad Universitaria, Ruta Nacional 168 - Km 472,4 - C.C. 242

- (S3000ZAA) Santa Fe, Argentina.), **Diego Fontana** (UNL, CONICET, FBCB (Facultad de Bioquímica y Cs. Biológicas), CBL (Centro Biotecnológico del Litoral), Ciudad Universitaria, Ruta Nacional 168 - Km 472,4 - C.C. 242 - (S3000ZAA) Santa Fe, Argentina.), **Lautaro Leschiutta** (UNL, FBCB (Facultad de Bioquímica y Cs. Biológicas), CBL (Centro Biotecnológico del Litoral), Ciudad Universitaria, Ruta Nacional 168 - Km 472,4 - C.C. 242 - (S3000ZAA) Santa Fe, Argentina), **Ricardo Kratje** (UNL, CONICET, FBCB (Facultad de Bioquímica y Cs. Biológicas), CBL (Centro Biotecnológico del Litoral), Ciudad Universitaria, Ruta Nacional 168 - Km 472,4 - C.C. 242 - (S3000ZAA) Santa Fe, Argentina), **Claudio Prieto** (UNL, FBCB (Facultad de Bioquímica y Cs. Biológicas), CBL (Centro Biotecnológico del Litoral), Ciudad Universitaria, Ruta Nacional 168 - Km 472,4 - C.C. 242 - (S3000ZAA) Santa Fe, Argentina)

Las partículas pseudovirales (VLPs) son estructuras constituidas por proteínas virales que no poseen material genético en su interior y, por lo tanto, son bioseguras. Éstas son altamente inmunogénicas y pueden ser modificadas para exponer epitopes heterólogos en su superficie, denominándose VLPs químéricas (qVLPs). Previamente, en nuestro laboratorio desarrollamos VLPs del virus de la rabia, mediante expresión recombinante de la glicoproteína G de este virus (RVG) en células HEK293. Con la finalidad de explotar la elevada inmunogenicidad de estas VLPs, se planteó como objetivo evaluar la capacidad de presentación de antígenos heterólogos en estas partículas, mediante el diseño de proteínas de fusión de RVG con un epitope neutralizante modelo del Virus de la Fiebre Aftosa (FMDV) denominado G-H loop (20 AA, serotipo A/Arg/2001). Para esto, mediante un análisis bioinformático identificamos regiones en la secuencia de RVG que permitirían la inserción de un epitope heterólogo sin afectar el correcto plegamiento de la misma. Se identificaron 3 regiones aptas para tal fin, que denominamos S0, S1 y SII, y, posteriormente, se generaron las secuencias codificantes de tres variantes de RVG de fusión, con la secuencia GH loop en cada uno de los sitios en forma individual. Dichas construcciones se expresaron en células HEK293 y mediante marcación con anticuerpos anti-RVG y anti-FMDV se comprobó la correcta localización en la membrana plasmática para cada una de las variantes. Posteriormente se analizó la capacidad de las mismas de brotar al sobrenadante de cultivo mediante un ELISA sándwich anti-RVG y anti-FMDV, detectándose qVLPs que exponen en su superficie el epitope heterólogo. Al ser reconocidos con anticuerpos específicos anti-FMDV, se comprobó que los sitios de inserción elegidos exponen la secuencia heteróloga en una conformación antigenica adecuada. Estos resultados son alentadores y sientan la base de una nueva plataforma de presentación antigenica basada en qVLPs.

CAV033

NEBULIZACION DE ANTICUERPOS ESPECIFICOS PARA VIRUS INFLUENZA H1N1. PROTOCOLO EXPERIMENTAL PARA EL ANALISIS DE ESTABILIDAD Y COMPORTAMIENTO AERODINAMICO

Cinthya Tapia (INIBIB-UNS-CONICET), **Nazareth Ceschan** (PLAPIQUI-UNS-CONICET), **Elena Barbieri** (CENPAT-CONICET), **Viviana Parreño** (InculINTA-CONICET), **Andrés Wigdorowitz** (InculINTA-CONICET), **María Verónica Ramírez-Rigo** (PLAPIQUI-UNS-CONICET), **Mariana Puntel** (INIBIB-UNS-CONICET)

El virus Influenza A pertenece a la familia Orthomyxoviridae, posee una alta capacidad de mutagénesis y evade la respuesta inmune por vacunación, haciendo necesario el desarrollo de terapéuticos complementarios. La transmisión aérea de virus respiratorios que afectan el tracto respiratorio inferior, ocurre por gotas entre 1 y 5 μm . A mayor tamaño son deglutiadas y a menor son exhaladas. La administración local por nebulización de anticuerpos neutralizantes permitiría el refuerzo de la respuesta inmune específica. Previamente describimos el efecto profiláctico de la administración intranasal de plasma inmune contra H1N1 y de nanoanticuerpos específicos. En este trabajo se estableció el protocolo experimental para analizar la estabilidad y el comportamiento aerodinámico de la nebulización de plasma hiperinmune contra H1N1. Con un siste-

ma de impacto en cascada (NGI-Coplay), secciones con diferente tamaño de poro permitieron clasificar el tamaño de las gotas nebulizadas. Se evaluó la factibilidad de detección del plasma mediante diluciones similares a las obtenidas luego de la nebulización. El título por ELISA de hemaglutinina recombinante (HA) de 1/10240 indicó una detección efectiva. Una formulación de plasma:buffer fosfato pH 7.4 (1:5) nebulizada y cuantificada (280 nm) demostró una fracción fina de partículas (FFP) menor a 5 μm en más del 40%, indicando una adecuada aerosolización y deposición. Por ELISA-HA una señal positiva en las muestras colectadas señaló la estabilidad del suero. Esto demuestra que la técnica de ELISA-HA es apropiada para evaluar la estabilidad de los anticuerpos recuperados a partir de gotas de entre 1-5 μm

CAV034

VECTORES BACULOVIRALES OPTIMIZADOS PARA SU USO EN TERAPIA GÉNICA.

Jorge Alejandro Simonin (*Laboratorio de Ingeniería Genética y Biología Celular y Molecular Área Virosis de Insectos (LIGBCM-AVI); Instituto de Microbiología Básica y Aplicada; Departamento de Ciencia y Tecnología; Universidad Nacional de Quilmes*), **Franco Uriel Cuccovia Warlet** (*Laboratorio de Ingeniería Genética y Biología Celular y Molecular Área Virosis de Insectos (LIGBCM-AVI); Instituto de Microbiología Básica y Aplicada; Departamento de Ciencia y Tecnología; Universidad Nacional de Quilmes*), **Paola Locatelli** (*Laboratorio de Regeneración Cardiovascular; Instituto de Medicina Traslacional, Trasplante y Bioingeniería (IMETTyB), CONICET - Universidad Favaloro*), **Alberto Crottogini** (*Laboratorio de Regeneración Cardiovascular; Instituto de Medicina Traslacional, Trasplante y Bioingeniería (IMETTyB), CONICET - Universidad Favaloro*), **Luis Cuniberti** (*Laboratorio de Regeneración Cardiovascular; Instituto de Medicina Traslacional, Trasplante y Bioingeniería (IMETTyB), CONICET - Universidad Favaloro*), **Daniela Olea** (*Laboratorio de Regeneración Cardiovascular; Instituto de Medicina Traslacional, Trasplante y Bioingeniería (IMETTyB), CONICET - Universidad Favaloro*), **Mariano Nicolás Belaich** (*Laboratorio de Ingeniería Genética y Biología Celular y Molecular Área Virosis de Insectos (LIGBCM-AVI); Instituto de Microbiología Básica y Aplicada; Departamento de Ciencia y Tecnología; Universidad Nacional de Quilmes*)

Los baculovirus son entidades virales infectivas en insectos, con características que los vuelven muy interesantes para la biotecnología y la medicina moderna. Actualmente, son evaluados como vectores terapéuticos, orientados al desarrollo de terapias génicas y vacunas (aplicaciones BacMam). Su incapacidad de infectar células humanas, pero sí de transducirlas, contribuye en parámetros de bioseguridad e inmunogenicidad con respecto a otros sistemas. Sin embargo, como ocurre con todos los vectores virales aplicados, es necesario optimizar y ampliar sus prestaciones, incluyendo intervenciones de mejora sobre su capacidad de transducción, y sobre la duración temporal de la expresión génica.

En este trabajo, se exponen los avances logrados sobre variantes recombinantes de viriones brotados del baculovirus AcMNPV. En particular, se generaron viriones que expresan genes reporteros (GFP, mCherry, BFP; en insectos y en mamíferos), los que se evaluaron tanto *in vitro* (líneas celulares y cultivos primarios) como *in vivo* (conejos y ovejas). También, se ha construido un circuito genético que posibilita una liberación controlada de minicírculos replicativos en las células tratadas (en base al sistema Cre/loxP y replicón del virus Epstein-Barr), para elongar la duración de la permanencia de los genes vehiculizados en las células destino. Por otra parte, se comenzaron procedimientos de pseudotipado con la glicoproteína del Virus de la Estomatitis Vesicular (VSV-G) para incrementar la tasa de transducción.

Así, se han generado pruebas de concepto importantes sobre vectores baculovirales optimizados para su uso en mamíferos (más pruebas con genes terapéuticos asociados a cardiopatías), con resultados promisorios para su evaluación en modelos animales de patologías humanas.

CAV035

CIRCULACION DE SARS-COV-2 EN EMBARAZADAS DE CORDOBA, ARGENTINA

Leticia D'Augero (*Instituto de Virología Dr. J. M. Vanella, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Córdoba.*), **Gonzalo Castro** (*Laboratorio Central de la Provincia, Ministerio de Salud de la Provincia de Córdoba.*), **Paola Sicilia** (*Laboratorio Central de la Provincia, Ministerio de Salud de la Provincia de Córdoba.*), **Eugenio Cecchetto** (*Dirección de epidemiología, Ministerio de Salud de la Provincia de Córdoba.*), **Ana Willington** (*Dirección de epidemiología, Ministerio de Salud de la Provincia de Córdoba.*), **Laura López** (*Dirección de epidemiología, Ministerio de Salud de la Provincia de Córdoba.*), **María Gabriela Barbás** (*Secretaría de prevención y promoción de la salud, Ministerio de Salud de la Provincia de Córdoba.*), **María del Pilar Díaz** (*INICSA-CONICET y Cátedra de Estadística y Bioestadística, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Córdoba.*), **María Belén Pisano** (*Instituto de Virología Dr. J. M. Vanella, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Córdoba*), **Viviana Ré** (*Instituto de Virología Dr. J. M. Vanella, Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Córdoba*)

Se conoce que las embarazadas son más vulnerables a las infecciones virales, entre ellas SARS-CoV-2. La presencia de comorbilidades, nuevas variantes virales y características particulares del huésped, podrían influir en la severidad del cuadro clínico de COVID19.

El objetivo fue describir la circulación de SARS-CoV-2, factores epidemiológicos asociados a la infección y presencia de variantes de preocupación (VOC) en embarazadas de la provincia de Córdoba.

Se estudiaron casos de embarazadas entre 15-49 años con la infección viral confirmada notificadas en SISA entre marzo 2020 y agosto 2021, y se comparó con personas de sexo femenino no embarazadas infectadas con SARS-CoV-2 del mismo rango etario. Se registró: edad, localidad, comorbilidades, fecha inicio de síntomas, fallecimiento. A partir de 20 hisopados orofaríngeos obtenidos de embarazadas de mayo a agosto 2021, se analizaron las VOCs mediante TaqMan? SARS-CoV-2 Mutation Panel (Applied Biosystems). Se realizaron análisis estadísticos con el programa R v4.0.5.

Se notificaron 1775 casos y 18 defunciones en embarazadas en el período estudiado. La tasa de infección fue de 0,35%, manteniéndose constante en los meses estudiados. La tasa de letalidad fue significativamente mayor a la obtenida para el grupo control, siendo de 1,01% vs. 0,14% ($p<0,001$), respectivamente. El 50% de las embarazadas fallecidas presentó alguna comorbilidad. La distribución de VOCs en embarazadas fue: Gamma 80%, Alpha 5% y no VOC 15%.

La frecuencia de infección por SARS-CoV-2 en embarazadas de Córdoba resultó constante tanto en la primera ola como en la segunda. La tasa de letalidad fue similar a la hallada para todo el país (0,8%), y mayor a la del grupo control. La presencia mayoritaria de VOC Gamma, y la presencia de comorbilidades en embarazadas fallecidas, reflejaría lo que ocurre en la población general. Se continuará con los estudios a fin de determinar cambios en las tasas de infección/casos graves/letalidad post vacunación.

CAV036

ESTUDIO INTERLABORATORIAL PARA EVALUAR LA CALIDAD DEL DIAGNÓSTICO MOLECULAR DE VIRUS SARSCOV-2 EN LOS LABORATORIOS DE LA RED NACIONAL DE INFLUENZA Y OTROS VIRUS RESPIRATORIOS

Martín Miguel Avaro (*Centro Nacional de Influenza OPS/OMS, Laboratorio Nacional de Referencia de enfermedades respiratorias virales. Servicio Virosis Respiratorias. Departamento Virología, Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas, ANLIS "Carlos G. Malbrán"*), **Jorge Basiletti** (*Servicio Virus Oncogénicos, Laboratorio Nacional y Regional de Referencia de Papilomavirus OPS/OMS, Departamento de Virología, Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas-ANLIS Dr. Malbrán.*), **Estefanía Benedetti** (*Centro Nacional de Influenza OPS/OMS, Laboratorio Nacional de Referencia de enfermedades respiratorias virales. Servicio Virosis*)