

Jornadas Argentinas de Genética 2021

4 y 5 de noviembre

Modalidad virtual



sag.org.ar/sitio/jornadas-2021

Organiza:



SAG

Sociedad
Argentina
de Genética

Auspicia:



THE HUMAN VARIOME PROJECT
COUNTRY NODE - ARGENTINA

Patrocina:



Jornadas Argentinas de Genética 2021

4 y 5 de noviembre

Modalidad virtual

Organiza:



SAG Sociedad
Argentina
de Genética

Auspicia:



THE HUMAN VARIOME PROJECT
COUNTRY NODE - ARGENTINA

Patrocina:



GENÉTICA HUMANA

DISTRIBUCIÓN DE HAPLOTIPOS DEL GEN *FTO* (DIOXIGENASA DEPENDIENTE DE α -CETOGLUTARATO) EN UNA MUESTRA DE LA POBLACIÓN DE PUERTO MADRYN

Pérez L.O.¹, A. Ruderman¹, C. Paschetta¹, S. de Azevedo¹, L. Morales¹, A. Trujillo-Jiménez¹, B. Pazos¹, V. Ramallo¹, P. Peral García², R. González-José¹. ¹Instituto Patagónico de Ciencias Sociales y Humanas, Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET), Puerto Madryn, Argentina; ²Instituto de Genética Veterinaria "Ingeniero Fernando Noel Dulout", Universidad Nacional de La Plata, CONICET, La Plata, Argentina.
orlandoperez@cenpat-conicet.gob.ar

La obesidad y el sobrepeso son condiciones complejas, determinadas por la interacción entre factores ambientales y genéticos. Uno de los genes más estudiados es *FTO*, cuyos polimorfismos del intrón 1 han sido asociados a mayor circunferencia de cintura, adiposidad e IMC (índice de masa corporal). La variabilidad de este gen es notable, las frecuencias y haplotipos varían substancialmente entre poblaciones. El objetivo de este trabajo fue describir la prevalencia de los haplotipos de *FTO* en una muestra de la ciudad de Puerto Madryn y examinar su influencia con respecto al peso corporal. Para este fin se realizó una convocatoria a voluntarios/as (n=143), a quienes se les realizó una encuesta para determinar los factores de riesgo, medidas antropométricas y se obtuvo una muestra de sangre para genotipificación (n=96). El análisis de haplotipos reveló que el 69% de la población portaba el haplotipo TTTAG para las variantes de riesgo rs9939609, rs17817449, rs1421085, rs9930506 y rs1121980. El haplotipo AGCGA estuvo presente en un 27% y otorgó un riesgo de sobrepeso 1,8 veces mayor, aunque no significativamente, respecto al primer haplotipo. Por otra parte, una región independiente, ubicada en el intrón 2 y que se extiende por 16,7 kb estuvo asociada significativamente a personas de mayor peso, en especial las variantes rs7197167 y rs17818920. Cabe destacar que dicha región no ha sido reportada en estudios previos y podría estar indicando una particularidad de la población local. La extensión del presente estudio a un mayor tamaño muestral permitirá dilucidar el papel que poseen los nuevos polimorfismos en el peso corporal.