



# XI Congreso SAP

*Diseño gráfico: Claudia Nose*



16 al 18 de marzo de 2022  
Mendoza - Argentina

## Sociedad Argentina de Protozoología

Claudia Nose  
<https://claudianose.wixsite.com/claudia>



### COMITÉ ORGANIZADOR

Presidente	Patricia Romano
Secretaria	Silvia Longhi
Miembros	Patricia Barrera Juan Cueto Florencia Quevedo Cynthia Rivero Nebaí Salassa Cristina Vanrell

### COMITÉ CIENTÍFICO

Presidente	Julia Cricco
Miembros	Victoria Alonso Verónica Cóceres Pamela Cribb Natalia de Miguel Martin Edreira Sheila Ons Esteban Serra Valeria Tekiel Paola Zago

### COMISIÓN DIRECTIVA

Presidente	Fernanda Frank
Vice-Presidente	Catalina Alba Soto
Secretaria	Maria Laura Belaunzarán
Pro-Secretaria	Valeria Tekiel
Tesorera	Silvia Longhi
Vocales	Juan Burgos Salomé Vilchez Larrea
Vocales Suplentes	Juan Carlos Ramirez Alejandro Nusblat



## Avales



Universidad Nacional de Cuyo. Secretaría de Investigación, Internacionales y Posgrado.



Universidad Nacional de Cuyo. Facultad de Ciencias Médicas.

## Auspicios



Argentina. Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas.

3

---



Argentina. Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica.



Argentina. Mendoza. Asociación del Personal de Ciencia y Técnica.



## INDICE GENERAL

<b>Programa Científico</b>	<b>5</b>
<b>Conferencias (C)</b>	<b>14</b>
<b>Simposio 1: Avances en el tratamiento de enfermedades parasitarias (S1)</b>	<b>24</b>
<b>Simposio 2: Científicos repatriados: retomando la investigación en Argentina y la experiencia al regreso (S2)</b>	<b>26</b>
<b>Simposio 3: Epidemiología y vectores (S3)</b>	<b>29</b>
<b>Simposio 4: Actualizaciones parasitológicas en Argentina (S4)</b>	<b>32</b>
<b>Simposio 5: Biología molecular y celular (S5)</b>	<b>36</b>
<b>Simposio 6: Innovación diagnóstica en enfermedades parasitarias (S6)</b>	<b>39</b>
<b>Simposio 7: Respuesta inmune e infecciones parasitarias (S7)</b>	<b>43</b>
<b>Simposio 8: Interacción parásito-célula hospedadora (S8)</b>	<b>47</b>
<b>Simposio 9: Refinamiento en experimentación con animales y herramientas para mejorar la reproducibilidad y transferencia a estudios clínicos (S9)</b>	<b>50</b>
<b>Comunicaciones orales (COP)</b>	
<b>Del Simposio 1</b>	<b>55</b>
<b>Del Simposio 3</b>	<b>60</b>
<b>Del Simposio 4</b>	<b>62</b>
<b>Del Simposio 5</b>	<b>65</b>
<b>Del Simposio 7</b>	<b>68</b>
<b>Del Simposio 8</b>	<b>71</b>
<b>Presentaciones rápidas de pósters (COP)</b>	<b>74</b>
<b>Pósters (P)</b>	
<b>De inmunología (I)</b>	<b>85</b>
<b>De Biología parasitaria (BP)</b>	<b>102</b>
<b>De Diagnóstico y tratamiento (DT)</b>	<b>145</b>
<b>De Epidemiología y vectores (EV)</b>	<b>166</b>

**BP058****Análisis comparativo de histonas y sus modificaciones post traduccionales en tripanosomátidos.****Vela VS<sup>1</sup>, López MDR<sup>1</sup>, Kamenetzky L<sup>2</sup>, Alonso GD<sup>1</sup>, Ocampo J<sup>1</sup>**<sup>1</sup>INGEBI, Buenos Aires, Argentina. <sup>2</sup>IB3/FBMC/FCEN/UBA, Buenos Aires, Argentina**Resumen**

Los tripanosomátidos son un grupo de parásitos causantes de enfermedades en animales y humanos que incluyen a los TriTryps: *Trypanosoma cruzi*, *Trypanosoma brucei* y *Leishmania* spp.

Las histonas son proteínas muy conservadas evolutivamente y gran parte de sus modificaciones post traduccionales (MPTs) y funciones también se conservan. Si bien los tripanosomátidos poseen las cuatro histonas canónicas (H2A, H2B, H3 y H4), la histona linker H1 e histonas variantes (H2Az, H2Bv, H3v; H4v sólo en *T. brucei*), sus secuencias son las menos conservadas entre los eucariotas.

En este trabajo realizamos una comparación minuciosa entre las histonas canónicas y variantes de los TriTryps con organismos modelo. Mediante un análisis de bases de datos de proteómica y de secuencias primarias, pudimos observar que la histona H4 se encuentra altamente conservada en todos los organismos, mientras que en el resto de las histonas hay características propias de los TriTryps y algunas únicas en *T. cruzi*. Sólo la histona H1 de *T. cruzi*, presenta un sitio fosforilable involucrado en la localización celular y compactación de la cromatina. H2Az, presenta 9 residuos acetilables en el extremo amino terminal de los TriTryp, donde K54 y K58, sólo se acetilan en *T. cruzi*. Las H3 de los TriTryps, son relevantes por ser blanco de MPTs que regulan el ciclo celular y carecen de un dominio KAPRKGL, altamente conservado en organismos modelo. A partir de un análisis filogenético observamos que las H3 y H3v de los TriTryps evolucionaron independientemente de las de organismos modelo. Por otra parte, comparando sus estructuras predichas con AlphaFold, encontramos que residuos claves de H3, como H3K76, presentan conservación estructural con residuos presentes en H3v pudiendo ser blanco de las mismas metiltransferasas.

Dado que las histonas de los TriTryps exhiben peculiaridades respecto a las de otros eucariotas su estudio presenta el potencial de abrir camino para el hallazgo de targets terapéuticos.

**Tipo de Presentación**

Póster.