



Libro de resúmenes



Nueva especie de *Myotis* (Chiroptera: Vespertilionidae) para la Argentina

Urquizo J.H.(1,2,3), Díaz M.M.(1,2,4,5) y Barquez R.M.(1,2,4).

(1) PCMA (Programa de Conservación de los Murciélagos de Argentina). (2) PIDBA (Programa de Investigaciones de Biodiversidad Argentina), Facultad de Ciencias Naturales e IML-Universidad Nacional de Tucumán. (3) Instituto de Ecorregiones Andinas (INECOA), Universidad Nacional de Jujuy -CONICET. (4) CONICET (Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas). (5) Fundación Miguel Lillo. urquizojose@gmail.com

El género *Myotis* es, entre los murciélagos neotropicales, uno de los más complejos respecto al conocimiento de su sistemática y distribución. El número de especies reportadas para Sudamérica asciende a 20 en la actualidad, incluyendo a varias recientemente descritas para Brasil, Ecuador y Bolivia. Durante muestreos realizados en la provincia de Jujuy hemos podido coleccionar un ejemplar de *Myotis* que no coincidía con los caracteres de ninguna de las especies citadas para la Argentina hasta ese momento. El análisis de sus caracteres morfológicos y craneales permitieron identificar al ejemplar como *M. oxyotus* lo que representa la incorporación de una nueva especie a la fauna Argentina. Hasta el momento su distribución en Sudamérica, era conocida desde Venezuela hasta Bolivia y nuestro registro, procedente de la provincia de Jujuy, extiende aproximadamente 150 km al sur su distribución. El ejemplar fue depositado en la Colección de Mamíferos Lillo (CML); se trata de un macho adulto cuyas características coinciden con los datos que diagnostican la identidad de la especie (antebrazo 40.09 mm, longitud de los pelos dorsales 5-6 mm). La coloración dorsal es fuertemente bicolorada con bases de los pelos marrón oscuras y las puntas más claras; los pelos ventrales son fuertemente bicolorados con bases oscuras y puntas marrón claro. Otros caracteres destacables son: ausencia de fleco de pelos en el borde del uropatagio, uropatagio con pelos que no sobrepasan las rodillas, membranas muy oscuras y plagiopatagio unido a la altura de los dedos del pie. El cráneo pequeño carece de cresta sagital y el P3 está alineado en la hilera dental. El sitio de captura corresponde a una zona de altura (3.440 m s.n.m.), como es la preferencia de hábitat registrada para esta especie, una estepa puneña arbustiva con vegetación escasa y afloramientos rocosos.

Evolución

Una asociación entre expresión diferencial y divergencia genética en transcriptomas de riñón del ratón oliváceo (*Abrothrix olivacea*)

Giorello, F.(1), Feijoo, M.(1), Naya, D.E.(1), Valdez, L.(2), Opazo, J.C.(2), D'Elía, G.(2) y Lessa, E.P.(1)

(1) Departamento de Ecología y Evolución, Facultad de Ciencias, Universidad de la República, Montevideo, Uruguay. (2) Instituto de Ciencias Ambientales y Evolutivas, Facultad de Ciencias, Universidad Austral de Chile, Valdivia, Chile. fagire@gmail.com.

La secuenciación masiva de ARN (RNA-seq) permite caracterizar el transcriptoma de un órgano o tejido de interés e investigar de manera simultánea la variación en secuencias y los niveles de expresión de miles de genes. En este trabajo analizamos 39 transcriptomas de riñón de ratones oliváceos capturados en cuatro localidades, dos en ambientes de estepa patagónica y dos de bosque austral. De los 17.397 genes estudiados, 1.573 mostraron niveles de expresión significativamente diferentes entre la estepa y el bosque. Algunos de estos genes se encuentran involucrados en el transporte de iones y otros procesos vinculados a la concentración de la orina, mientras que otros están vinculados a la respuesta inmune o a los procesos de desintoxicación. En base a más de 182.000 sitios polimórficos (SNPs), caracterizamos la divergencia geográfica mediante el estadístico F_{st} y el apartamiento del modelo neutral estándar con el estadístico D de Tajima, tanto en los genes expresados diferencialmente como en los restantes. La divergencia general entre estepa y bosque fue de $F_{st} = 0,089$. Los genes expresados diferencialmente entre estepa y bosque mostraron una distribución de valores significativamente sesgada hacia valores mayores de F_{st} , indicando