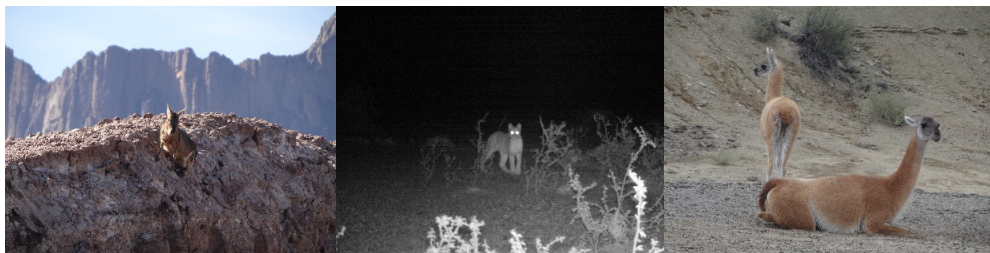




## *Libro de resúmenes*



CIGEOBIO  
  
CONICET  
U N S J



decrementos, sin embargo, la magnitud total de estos cambios, que fue de 0.7 kg en filostómidos y de 117 kg en caviomorfos, corresponde, principalmente a aumentos de tamaño (78 % y 93 %, respectivamente). La distribución de estos cambios varía en patrones particulares dentro de los subclados, mientras que hacia la base, los árboles son más bien estables. Por otro lado, en lo que respecta a los patrones filéticos y apomórficos, en Phyllostomidae se da un patrón parecido al de otros grupos, con mayor proporción de gigantismo filético y nanismo apomórfico, mientras que en caviomorfos los cambios filéticos, de gigantismo y nanismo, se dan en mayor proporción que los apomórficos. Esto sugiere presiones de selección direccional consistentes en tiempo evolutivo.

### **Segundo registro de *Monodelphis ronaldi* Solari 2007 (Mammalia: Didelphimorphia) y ampliación de su distribución**

Ruelas, D.(1) y Pacheco, V.(1,2)

(1) Museo de Historia Natural, Universidad Nacional Mayor de San Marcos. (2) Instituto de Investigación Antonio Raimondi, Facultad de Ciencias Biológicas UNMSM. dennisruelas@unmsm.edu.pe

*Monodelphis* es el género de marsupiales didélfidos con mayor cantidad de especies reconocidas. Algunas presentan amplia distribución, pero otras son conocidos solo en localidades puntuales o restringidas, como *M. ronaldi* que es conocido solo por el holotipo que corresponde a un individuo macho adulto colectado en Pakitza, Madre de Dios (Perú) en 1994. Actualmente la especie se incluye dentro del grupo de *M. adusta* por presentar una coloración casi uniforme en el dorso y sin presencia de líneas dorsales, pero aún no hay sustento de una filogenia molecular. Nosotros reportamos aquí el segundo registro de esta especie en base a seis ejemplares correspondientes a un individuo macho adulto (MUSM 44287), dos subadultos (MUSM 44288 y 44289) y tres juveniles (MUSM 44284, 44285, 44533) colectados en el margen derecho del río La Novia, Purús, departamento de Madre de Dios, a aproximadamente 242 km NE de la localidad tipo. La mayor cantidad de muestras nos han permitido presentar una mejor descripción de los caracteres morfológicos, entender la variabilidad morfométrica, y enmendar la diagnosis de esta especie. Con esta información aseguramos que *M. ronaldi* se restringe a la zona suoriental del Perú, en el ecosistema de Selva Baja, aunque potencialmente podría estar en Brasil y/o Bolivia. Actualmente estamos desarrollando los análisis moleculares usando citocromo b como marcador para dilucidar la posición de *M. ronaldi* respecto al resto del grupo de *M. adusta*.

Financiación: Financiamiento parcial Travel Grants, WWF Perú

### ***Ctenomys famosus*, Thomas 1920 (Rodentia, Ctenomyidae): redescipción a partir de datos morfológicos, moleculares y ubicación geográfica**

Sánchez, R.T.(1, 2, 3), Tomasco, I.H.(4) y Barquez, R.M.(1, 3)

(1) Programa de Investigaciones de Biodiversidad Argentina (PIDBA), Facultad de Ciencias Naturales e Instituto Miguel Lillo, Universidad Nacional de Tucumán. (2) Centro Regional de Investigaciones Científicas y Transferencia Tecnológica La Rioja (CRILAR). (3) Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET). (4) Laboratorio de Evolución. Facultad de Ciencias, Montevideo. tatianas18@hotmail.com

*C. famosus* es una de las especies menos conocida del género tanto en aspectos sistemáticos y filogenéticos, como en su distribución e historia natural. Se trata de una especie rara, sólo registrada en dos localidades de la provincia de La Rioja. A partir de una visita a la localidad tipo y la colecta de dos ejemplares hemos podido aportar información novedosa sobre esta

especie, agregando datos sobre su distribución geográfica, estado de la localidad tipo en la actualidad, información inédita sobre variables moleculares y una redescrición morfológica y craneal. En 1961 fue tratada por Cabrera como subespecie de *C. fulvus*, una especie con localidad tipo en Chile y no citada hasta el momento para Argentina. El elenco de especies con las que podría estar relacionada, debido a características geográficas y ambientales, se encuentran en las provincias de Catamarca (*C. coludo*, *C. fochi* y *C. knighti*) y San Juan (*C. johannis*, *C. tulduco*). El análisis filogenético de las secuencias del gen mitocondrial citocromo b, posiciona a *C. famosus* en el contexto de las hipótesis filogenéticas existentes propuestas para el género como perteneciente al “grupo mendocinus”. Sin embargo, el vínculo filogenético entre esta especie y otras previamente descritas para la región es incierto porque estas últimas son desconocidas a este nivel. La información presentada puede ser de importancia para futuras investigaciones y contribuir a esclarecer la sistemática y distribución de las especies que habitan esta área geográfica.

### **Introducción a la revisión sistemática del complejo *Neacomys minutus* (Rodentia: Cricetidae) en el Perú**

Sánchez, P.(1), Pacheco, V.(1, 2) y Vivas, D.(3)

(1) Departamento de Mastozoología, Museo de Historia Natural de la Universidad Nacional Mayor de San Marcos, Lima, Perú. (2) Instituto de Ciencias Biológicas “Antonio Raimondi”, Facultad de Ciencias Biológicas, Universidad Nacional Mayor de San Marcos, Lima, Perú. (3) Laboratorio de Biología Molecular, Facultad de Ciencias Biológicas, Universidad Nacional Mayor de San Marcos, Lima, Perú. p.sanchez.vendizu@gmail.com

Actualmente, se reconocen 8 especies dentro de los pequeños sigmodontinos del género *Neacomys* y se postula que la especie *N. minutus* es un complejo que incluye al menos tres clados altamente divergentes que corresponden a las poblaciones de la cabecera y desembocadura del río Juruá, y la tercera presente al norte del río Marañón, las que podrían representar especies aún sin nombre; sin embargo, las poblaciones de *N. minutus* de otras zonas del Perú aún no han sido revisadas. En ese sentido el objetivo del presente trabajo fue evaluar las poblaciones peruanas de *N. minutus* presentes al norte del río Amazonas y centro de Perú como parte de una revisión sistemática de *N. minutus*. Se revisaron un total de 27 ejemplares para el análisis morfológico, 14 para el análisis de cariotipo y 34 en el análisis molecular empleando como marcador el gen del citocromo b. Nuestros resultados confirman que *N. minutus* es un complejo, con al menos dos morfotipos diferentes a *N. minutus s.s.* El primer morfotipo, del norte del río Amazonas, se caracteriza por presentar el foramen postglenoideo pequeño, foramen incisivo corto y ancho, con un cariotipo de  $2n=48$  y  $FN=50$ ; mientras que, el segundo presente en el centro del Perú (Huánuco) tiene el foramen postglenoidea grande, foramen incisivo largo y delgado, y un cariotipo con  $2n=28$  y  $FN=38$ . Ambos cariotipos son diferentes al de *N. minutus s.s.* que presenta  $2n=35-36$  y  $FN=40$ . Además, en una filogenia basada en citocromo b se obtuvo que el morfotipo del centro del Perú está emparentado al clado de *N. minutus* de la cabecera del río Juruá; mientras que, el morfotipo del norte del río Amazonas podría corresponder al clado del norte del río Marañón. Se sugiere que estos dos morfotipos sean elevadas a nivel de especie y que los ríos Amazonas y Ucayali serían los principales agentes vicariantes.

Financiado parcialmente por el proyecto N°096-2014-FONDECYT-DE.