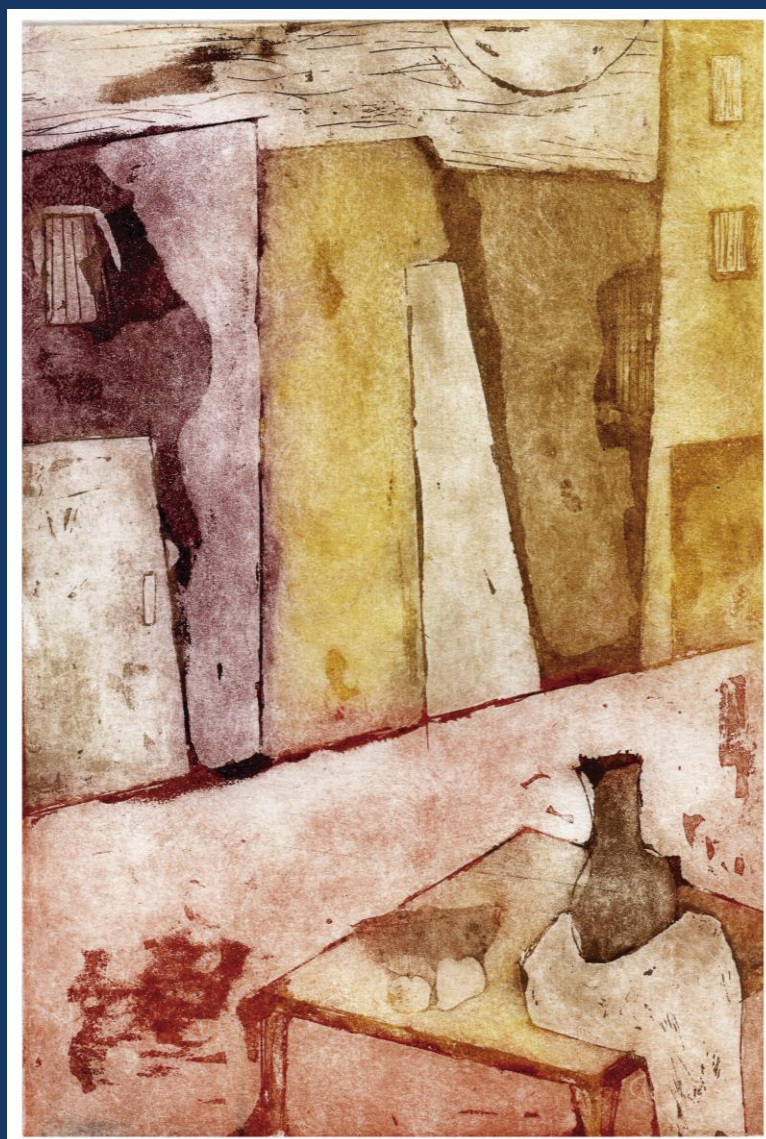


2019

medicina

BUENOS AIRES VOL. 79 Supl. IV - 2019

80° Aniversario



MEDICINA

Volumen 79, Supl. IV, págs. 1-338

medicina

BUENOS AIRES, VOL. 79 Supl. IV - 2019

COMITÉ DE REDACCIÓN

Pablo J. Azurmendi
Instituto de Investigaciones Médicas A. Lanari, UBA, Argentina
Damasia Becú Villalobos
Instituto de Biología y Medicina Experimental-CONICET, Buenos Aires, Argentina
José H. Casabé
Instituto de Cardiología y Cirugía Cardiovascular, Hospital Universitario Fundación Favaloro, Buenos Aires, Argentina
Eduardo L. De Vito
Instituto de Investigaciones Médicas A. Lanari, UBA, Argentina
Isabel Narvaiz Kantor
Organización Panamericana de la Salud (OPS/OMS) (ret.) Argentina
Basilio A. Kotsias
Instituto de Investigaciones Médicas A. Lanari, UBA, Argentina
Gustavo Kusminsky
Hospital Universitario Austral, Buenos Aires, Argentina
Isabel A. Lüthy
Instituto de Biología y Medicina Experimental (IBYME), Buenos Aires, Argentina

Daniel A. Manigot
Hospital San Juan de Dios, Buenos Aires, Argentina
Jorge A. Manni
Instituto de Investigaciones Médicas A. Lanari, UBA, Argentina
Rodolfo S. Martín
Facultad de Ciencias Biomédicas y Hospital Universitario Austral, Buenos Aires, Argentina
Guillermo D. Mazzolini
Instituto de Investigaciones en Medicina Traslacional-CONICET, Hospital Universitario Austral, Buenos Aires, Argentina
Rodolfo C. Pucho
Facultad de Ciencias Médicas, Universidad Nacional de Rosario, Santa Fe, Argentina
Viviana Ritacco
Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas ANLIS-CONICET, Buenos Aires, Argentina
Guillermo B. Semeniuk
Instituto de Investigaciones Médicas A. Lanari, UBA, Argentina

MIEMBROS EMÉRITOS

Héctor O. Alonso
Instituto Cardiovascular Rosario, Santa Fe, Argentina
Guillermo Jaim Etcheverry
Facultad de Medicina, UBA, Argentina

María Marta de Elizalde de Bracco
IMEX-CONICET-Academia Nacional de Medicina, Argentina
Christiane Dosne Pasqualini
Academia Nacional de Medicina, Argentina

La Tapa (Ver pág. 4)
Atardecer en la tarde
Antonella Ricagni

MEDICINA (Buenos Aires) – Revista bimestral – ISSN 0025-7680 (Impresa) – ISSN 1669-9106 (En línea)

REVISTA BIMESTRAL

Registro de la Propiedad Intelectual N° 02683675

Personería Jurídica N° C-7497

Publicación de la Fundación Revista Medicina (Buenos Aires)

Propietario de la publicación: Fundación Revista Medicina

Queda hecho el depósito que establece la Ley 11723

Publicada con el apoyo del Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación Productiva.

MEDICINA no tiene propósitos comerciales. El objeto de su creación ha sido propender al adelanto de la medicina argentina.

Los beneficios que pudieran obtenerse serán aplicados exclusivamente a este fin.

Aparece en MEDLINE (PubMed), ISI-THOMSON REUTERS (Journal Citation Report, Current Contents, Biological Abstracts, Biosis, Life Sciences), CABI (Global Health), ELSEVIER (Scopus, Embase, Excerpta Medica), SciELO, LATINDEX, BVS (Biblioteca Virtual en Salud), DOAJ, Google Scholar y Google Books.

Incluida en el Núcleo Básico de Revistas Científicas Argentinas del CONICET.

Directores Responsables:

Basilio A. Kotsias, Eduardo L. De Vito, Isabel Narvaiz Kantor, Guillermo B. Semeniuk

Secretaría de Redacción: Ethel Di Vita, Instituto de Investigaciones Médicas Alfredo Lanari, Combatientes de Malvinas 3150,

1427 Buenos Aires, Argentina

Tel. 5287-3827 Int. 73919 y 4523-6619

e-mail: revmedbuenosaires@gmail.com – http://www.medicinabuenosaires.com

Vol. 79, Supl. IV, Noviembre 2019

REUNIÓN ANUAL DE SOCIEDADES DE BIOCIENCIA 2019

**LXIV Reunión Anual de la
Sociedad Argentina de Investigación Clínica (SAIC)**

**LI Reunión Anual de la
Asociación Argentina de Farmacología Experimental (SAFE)**

**XXI Reunión Anual de la
Sociedad Argentina de Biología (SAB)**

**XXXI Reunión Anual de la
Sociedad Argentina de Protozoología (SAP)**

**IX Reunión Anual de la
Asociación Argentina de Nanomedicinas
(NANOMED-ar)**

**VI Reunión Científica Regional de la Asociación Argentina
de Ciencia y Tecnología de Animales de Laboratorio
(AACyTAL)**

**con la participación de
The Histochemical Society**

13 - 16 de noviembre de 2019
Hotel 13 de Julio - Mar del Plata

EDITORES RESPONSABLES

**Dra. Mónica Costas
Dra. Gabriela Marino
Dr. Pablo Azurmendi**

ANNUAL MEETING OF BIOSCIENCE SOCIETIES 2019

**LXIV Annual Meeting of
Sociedad Argentina de Investigación Clínica (SAIC)**

**LI Annual Meeting of
Asociación Argentina de Farmacología Experimental (SAFE)**

**XXI Annual Meeting of
Sociedad Argentina de Biología (SAB)**

**XXXI Annual Meeting of
Sociedad Argentina de Protozoología (SAP)**

**IX Annual Meeting of
Asociación Argentina de Nanomedicinas
(NANOMED-ar)**

**VI Regional Scientific Meeting of Asociación Argentina
de Ciencia y Tecnología de Animales de Laboratorio
(AACyTAL)**

**with the participation of
The Histochemical Society**

November 13th – 16th, 2019
Hotel 13 de Julio - Mar del Plata

CHIEF EDITORS

**Dra. Mónica Costas
Dra. Gabriela Marino
Dr. Pablo Azurmendi**

LA TAPA

Antonella Ricagni. **Atardecer en la calle**

Técnica: Aguatinta /aguafuerte. Año 2011. Medidas: 21 x 29 cm. Gentileza del autor.

Antonella Ricagni es Licenciada en Artes Visuales, con orientación en Grabado. Ha ejercido la docencia en Artes Plásticas en el nivel primario. Trabajó en varios museos como orientadora de sala y tallerista. Es escenógrafa egresada de la Escuela Metropolitana de Arte Dramático (EMAD). Ha realizado una residencia artística en México especializada en Xilografía.

Actualmente es docente en la materia Ilustración, en la carrera de Diseño Gráfico en la Facultad de Arquitectura, Diseño y Urbanismo, Universidad de Buenos Aires, y en Plástica y Tecnología en varias instituciones educativas en la ciudad de Buenos Aires.

Fuentes: <https://www.behance.net/antoricagn37bb>
<https://www.linkedin.com/in/antonella-ricagni-4b48a0120/>

COMISIONES DIRECTIVAS 2019

SAIC	SAFE	SAB	SAP
<p>Presidente Dra. Mónica Costas</p> <p>Vicepresidente Dra. Cristina Carrillo</p> <p>Secretaria Dra. Gabriela Marino</p> <p>Tesorero Dr. Pablo Azurmendi</p> <p>Prosecretaria Dra. María Laura Ruiz</p> <p>Vocales <i>Nodo FCEN</i> Dra. Geraldine Gueron <i>Nodo FFyB</i> Dra. Mariel Nuñez <i>Nodo Facultad de Medicina</i> Dr. Guillermo Keller <i>Nodo NCO</i> Dr. Carlos Laino <i>Nodo Región Sur</i> Dr. Ezequiel Lacunza <i>Nodo IByME-INGEBI-UCA</i> Dra. Flavia Saravia <i>Nodo INFICA</i> Dr. Marcelo Choi <i>Nodo Hospital de Clínicas</i> Dra. Florencia Giliberto <i>Nodo CEDIE</i> Dra. Mariana Tellechea <i>Nodo Hospital Garrahan</i> Dra. María Foncuberta <i>Nodo Academia Nacional de Medicina</i> Dra. Stella Ranunolo <i>Nodo CEFYBO</i> Dr. Fernando Correa <i>Nodo Roffo</i> Dra. Mariana Callero <i>Revisores de Cuentas</i> Dra. Graciela Cremaschi Dra. Andrea Randi</p> <p>Secretaria Administrativa Ivana Rossetto</p>	<p>Presidente Dr. Ana Genaro</p> <p>Vicepresidente Dr. Carlos Reyes Toso</p> <p>Secretaria Dra. Gabriela Acosta</p> <p>Tesorera Dra. Miriam Wald</p> <p>Vocales Dr. Santiago Daniel Palma Dr. Ventura Simonovich Dra. Lucía Fuentes</p> <p>Revisores de cuentas titulares Dra. Graciela Balerio Dra. Wanda Novak</p> <p>Revisores de cuentas suplentes Dra. Patricia Bonazzola Dra. Maria Palumbo</p> <p>Secretaria Administrativa Sra. Susana Gatti Maunas</p> <p>NANOMED-ar</p> <p>Presidente Dra. Hebe Durán</p> <p>Vicepresidente Dra. Romina Glisoni</p> <p>Secretaria Dra. Leticia Higa</p> <p>Tesorera Dra. Julia Altube</p> <p>Vocales titulares Dr. Eder Romero Dra. Mariela Agotegaray</p> <p>Vocal suplente Dra. Priscila Schilrreff</p> <p>Revisora de cuentas titular Dra. Marisa Taverna Porro</p> <p>Revisora de cuentas suplente María José Morilla</p>	<p>Presidente Dra. Fernanda Parborell</p> <p>Vicepresidente Dra. Débora Cohen</p> <p>Secretaria Dra. Griselda Irusta</p> <p>Tesorera Dra. Isabel Lacau</p> <p>Vocales titulares Dra. Silvina Pérez Martínez Dra. Mónica Muñoz de Toro Dra. Clara Marín Briggiler</p> <p>Vocales suplentes Dra. Leandro Miranda Dr. Pablo Cética</p> <p>AACYTAL</p> <p>Presidente Ernesto Gulin</p> <p>Vice-Presidente Eliana Cicale</p> <p>Secretario Gabriel Pinto</p> <p>Pro-secretaria Marina Snitcofsky</p> <p>Tesorera Graciela Lammel</p> <p>Pro-Tesorero Gustavo Chapo</p> <p>Vocales Titulares Marcelo Asprea Federico Alloatti Marianela Lewicki Angelica Miranda Adela Rosenkranz Eduardo Caturini</p> <p>Vocales suplentes Hugo Ortega María Ines Zerba</p> <p><i>Revisores de Cuentas</i> Mónica Lamer Mariana Ríos</p>	<p>Presidente Dra. Adelina Riarte</p> <p>Vicepresidente Dra. Fernanda Frank</p> <p>Secretaria Dr. Mónica Esteve</p> <p>Pro-secretaria Dra. María Belaunzarán</p> <p>Tesorera Dra. Silvia Longhi</p> <p>Pro-Tesorera Dra. Carolina Carrillo</p> <p>Vocales Dra. Karina Gómez Dra. Catalina Dirney Alba Soto Dra. Silvina Wilkowsky Dra. Vilma Duschak</p> <p>Comité científico</p> <p>Presidente Guillermo D. Alonso</p> <p>Vice-Presidente Vanina Alvarez</p> <p>Miembros Javier de Gaudenzi Alan Talevi Karina Gomez Marisa Fernandez Carolina Poncini Natalia de Miguel Alejandro Schijman María Victoria Cardinal</p> <p>HCS</p> <p>Representante Alejandro Adams</p>

Las Sociedades Argentinas de Investigación Clínica (SAIC), de Farmacología Experimental (SAFE), de Biología (SAB), de Protozoología (SAP), de Nanomedicinas (NANOMEDar), la Asociación Argentina de Ciencia y Tecnología de Animales de Laboratorio (AACYTAL) y la *Histochemical Society* agradecen

EL APOYO DE LAS SIGUIENTES INSTITUCIONES OFICIALES:

- Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Tecnológicas (CONICET)
- Ministerio de Ciencia, Tecnología e Innovación Productiva (MINCYT)
- Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica (ANPCYT)

LA COLABORACIÓN Y APOORTE DE LAS SIGUIENTES INSTITUCIONES Y PERSONAS:

- Laboratorio Montpellier** por su contribución con los bolsos, lapiceras y anotadores para los asistentes de la Reunión Anual de Biosociedades 2019
- **Fundación Argentina de Nanotecnología (FAN)** por su contribución al premio al “Mejor Trabajo en modalidad Poster” en las sesiones de Nanomedicina
- **Fundación Gador** por su contribución al premio “Mejor trabajo sobre necesidades médicas insatisfechas” de la SAIC
- Fundación Honorio Bigand** por su contribución a la organización general de la Reunión conjunta, por la donación para ayuda financiera a los participantes, así como a los premios al “Investigador Joven” en área Interdisciplinaria y Oncología de la SAIC
- **Fundación Lucio Cherny** por su contribución al premio “Lucio Cherny” en temas multidisciplinarios de la SAIC
- **Sinergium Biotech** por la contribución realizada a la financiación para asistencia de participantes
- **Universities Federation for Animal Welfare (UFAW)** por la colaboración en la confección de *workshops* con AACYTAL
- **The Company of Biologists (COB)** por su contribución a la organización general de la Reunión conjunta
- Sra. Ivana Rossetto, Sr. Luis Gordillo, Sr. Patricio Golato, Sr. Julián García y Srita. Camila Della Rossa.

Y LA CONTRIBUCIÓN DE LAS SIGUIENTES EMPRESAS:

AGRICULTURAL EXPORT, ALESCO BRASIL, ALLSCIENCE L.L.C., APBIOTECH, BIO – OPTIC S.R.L., BIODYNAMICS S.R.L., ETC INTERNACIONAL S.A., GADOR S.A., Grupo INBIO, LAB DIET, LOBOV Y CIA S. A.C.E.I., MICROLAT S.R.L., MIGLORE LACLAUSTRA S.R.L., MONTPELLIER S.A., SARTORIUS ARGENTINA S.A., TECNOLAB S.A. y THERMOFISHER SCIENTIFIC.

Queridos amigos, amigas, compañeros y compañeras,

Tengo el enorme honor de darles la bienvenida a la inauguración de la sexagésima cuarta reunión anual de la SAIC, junto a las autoridades de otras seis sociedades científicas: Dra. Fernanda Parborell de la SAB, Dra. Ana Genaro de SAFE, Dra. Hebe Durán de Nanomed.AR, Dra. Adelina Riarte de la SAP, Dr. Ernesto Gulín de AACYTAL y el Dr. Alejandro Adam en representación de la HCS. Junto a todos ellos hemos organizado esta Reunión Anual de Sociedades Biocientíficas.

Tendremos 25 simposios, 16 minicursos, 20 conferencias, 3 mesas redondas en torno a distintas temáticas: para discutir políticas científicas, de género y ética en la utilización de animales de laboratorio, más de 800 trabajos en formato póster en distintas áreas temáticas, varios tipos de premio para estos trabajos y otros de exposición oral preseleccionados por prestigiosos jurados.

Contaremos con la participación de más de 140 disertantes con una relevante trayectoria académica y reconocimiento internacional.

Con el objetivo de promover iniciativas de proyectos de investigación clínica vinculados a demandas concretas en salud en Argentina, hemos convocado a investigadores de distintas disciplinas e incluso a expertos del área asistencial y de gestión en salud.

Quiero agradecer a todos los miembros de SAIC que han dado su aprobación para mi desempeño como presidente. Cargo que me honra, conmueve y enorgullece profundamente, dado que fue la sociedad científica donde presenté mi primer trabajo, allá por el año 1988. Fue justo aquí, en el Atlantic, coordinaba la sesión el inolvidable, querido y respetado Dr. Martín Isturiz.

Un especial y afectivo agradecimiento a mis 3 manos derechas: secretarías Dra. Gabriela Marino e Ivana Rossetto y tesorero Dr. Pablo Azurmendi.

Un equipo maravilloso y de una capacidad de trabajo y compromiso increíble, que junto a todos los miembros de la Comisión Directiva de SAIC hicieron posible todas las actividades de gestión anual, así como la organización de esta reunión conjunta, en un clima fraterno de cordialidad, respeto y compromiso. ¡Gracias! A todos ellos por sus iniciativas, paciencia y eficiencia de respuesta a mis demandas.

También quiero agradecer a las autoridades de las otras sociedades científicas por su participación y prestigiosa contribución para la realización de este evento.

Un agradecimiento especial, a aquellos que realizaron donaciones, también a los organismos CONICET, Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica, Ministerio de Educación, Cultura, Ciencia y Tecnología de la Nación, todas las fundaciones que aportaron ayuda financiera para el evento y premios, empresas, a G2 por su gestión en la organización de la reunión y al hotel 13 de Julio.

Finalmente, gracias a todos los participantes y también a asistentes que amablemente aceptaron actividades como jurados de premio y coordinación de sesiones.

Hoy, bastante más madura, que en los 80, en un contexto de cambio de vientos políticos, pero luego de altos grados de agitación, confrontación y violencia, quiero inaugurar este evento, convocando a todas y todos a un diálogo superador de cualquier grieta, dejando de lado lo banal para comenzar a construir de una vez por todas un modelo de país, donde vivir dignamente, sea un hábito para todos.

Desde 1810 a la fecha, hemos recorrido un duro camino de confrontaciones y grietas intentando proyectar un modelo de país que reiteradamente se dirime entre polos opuestos.

Las líneas argumentales en ambos polos suelen utilizar a otros países como modelos referentes.

Aunque la globalización nos imponga una inserción a cualquier precio, tal vez, sea hora de construir nuestra propia identidad, con más estrategia que urgencia, no intentando asimilarnos o compararnos con el mundo y haciendo lo que otros hacen, en el afán desesperado de “pertenecer”, sino haciendo nuestro propio camino, logrando la mejor versión de nosotros mismos y por qué no, haciendo precisamente lo que otros no hacen, seamos innovadores también en esto. Ningún país quiere desaparecer del mapa, pero la humanidad debe plantearse seriamente cómo participa en el juego y quienes marcan el rumbo del planeta, porque ese mundo globalizado, está dejando a mucha gente fuera del mapa o abandonada en balsas en el océano.

Los individuos necesitan construir identidad para crecer y desarrollarse, los países también.

Podemos bailar al ritmo del mundo, pero no debemos dejar de producir nuestra propia música.

Que no nos engañen, crecimiento y desarrollo, no son lo mismo. Los países pueden crecer económicamente y aun así, vivir en forma subdesarrollada, sin industrias, con altos índices de pobreza, desocupación, mortalidad infantil e ignorancia.

En pleno siglo XXI, carece de sentido que nos permitamos confrontaciones y falsas dicotomías en la distribución de presupuestos entre salud o educación, trabajo o tecnología, ciencia o salud, ayudas sociales o desarrollo. Las mismas falsas dicotomías venimos planteando entre ciencia útil y no útil, ciencia básica o aplicada, como si la financiación de algunos proyectos debiera costearse sacrificando otros. Es un absurdo y es porque hemos naturalizado el “no hay para todos”.

Tan arraigado tenemos el concepto que hasta invertimos una enorme cantidad de horas en evaluar desde el mismo estado varias veces la misma cosa, e incluso llegando a dictámenes contradictorios. Primero ocupamos

una silla en comisiones donde habilitamos a investigadores para ejercer como tales y aprobamos sus proyectos. Luego cambiamos de silla y desde otro organismo del estado, volvemos a evaluar al mismo investigador y su proyecto para resolver si es mejor o más interesante que los que evaluaron otros investigadores y así decidimos, en definitiva, si va a resultar financiado y podrá trabajar. No se trata de un premio, sino de una financiación básica y muy elemental que, en definitiva, nos diferencia entre pobres e indigentes académicos, según se obtenga o no el subsidio.

No conforme con esto, al año siguiente o en dos, volvemos a evaluar al mismo investigador, ahora indigente, y el informe de su proyecto, exigiéndole una producción equiparable a la del pobre y lo castigamos si no publicó en revistas de primer cuartil a razón de U\$ 3000 el paper. Una sucesión de absurdos que hemos naturalizado. Los científicos no deberíamos naturalizar ninguna afirmación no comprobable científicamente.

Mientras tanto, somos testigos de una fiesta de lebacks, letes, botes, lelics, a la que muchos de nosotros no hemos sido invitados. Bonos de deuda a 100 años y muchos probablemente comprados por los mismos que los emiten, generando una nueva tanda de fondos buitres. Se genera una deuda de 57.000 millones de dólares, contraída por pocos, pero en nombre de todos, sin nuestra firma ni habilitación, sin mejoras en la calidad de vida de la mayoría, sino generando más pobreza y retroceso.

No se trata de condenar al especulador, sino de preguntarnos, ¿cómo es posible que generemos o permitamos modelos de organización política y social que hagan más redituable una especulación financiera que una inversión genuina en bienes y servicios que mejoren la calidad de vida de todos, promoviendo el progreso?

El país no va a desarrollarse a través de falsas inversiones especulativas en una bicicleta financiera. Tenemos la responsabilidad, de una vez y para siempre, de sentarnos a pensar y debatir, poniendo todo nuestro ingenio, como lo hacemos con nuestros proyectos académicos, cuáles serán nuestras políticas en ciencia y tecnología, si vamos a repetir los viejos modelos, copiar los de otros, o a generar uno nuevo, uno nuestro. Uno que se ajuste a nuestras necesidades y objetivos como país, uno que en vez de responder a demandas de intereses particulares donde se prioriza lo redituable por sobre lo necesario para el país, logre atraer esos capitales hacia proyectos que cubran demandas sociales e impliquen desarrollo.

Los científicos no reclamamos presupuesto con objetivos mezquinos o sectarios, es hora de reaccionar, que el país necesita de nuestro trabajo para crecer y desarrollarse. Las decisiones políticas las toma quien lidera, pero los líderes, son construcciones sociales. Los buenos, responden a esas demandas sociales. Cuando la sociedad en su conjunto toma consciencia, pues no hay movimiento político que pueda poner cimientos antagónicos a estos objetivos. Se construye desde abajo. Todo se construye desde abajo.

El mundo nos demuestra que nuestra inserción como país exclusivamente agrícola-ganadero ha quedado obsoleta y no es suficiente para un ingreso de divisas que garantice la sustentabilidad y trabajo de todos los argentinos.

Las billeteras y estómagos en el mundo tienen un límite y no nos van a comprar más soja porque cambiemos el régimen de retenciones.

El país nos necesita para construir conocimiento, producir bienes y servicios que mejoren la calidad de vida de todos, acorde a nuestras propias necesidades, para producir nuestras propias vacunas, nuestros insumos básicos en salud e investigación, que nos eviten gastar divisas que no emitimos, en importaciones, y otros que se puedan exportar y generen más ingreso de divisas al país y trabajo. No hay modelo de país posible sin ciencia y tecnología.

Esto no se contrapone a los objetivos personales de carreras científicas exitosas, obtención de premios y prestigio internacional.

No son las políticas que contemplan lo colectivo las que frustran nuestros sueños, u opacan nuestros objetivos personales, por el contrario, es la ambición desmedida de unos pocos, el pensamiento corporativo o monopólico del bienestar, la que nos enfrenta a falsas confrontaciones u obstáculos.

¿Por qué nosotros? porque somos los mejores capacitados para quebrar dogmas, nos entrenamos para eso en nuestro quehacer cotidiano. Estamos para poner el mundo de cabeza y cuestionarlo todo, para comprobar científicamente cómo funciona, para demostrar que existen otras formas de concebir el mundo, de interpretar sus reglas, de cambiarlas.

Porque todo lo que podamos demostrar científicamente puede quebrar pensamientos dogmáticos que imponen antiguos acervos culturales y construir nuevos rumbos a través del conocimiento y el pensamiento crítico.

Porque la historia del mundo nos muestra que con la Fe no alcanza, apenas apacigua la angustia de sabernos mortales, pero no logra una convivencia pacífica en un justo equilibrio de derechos y bienestar en todos los rincones del mundo.

En sintonía con estas ideas, porque creemos que el saber debe ser patrimonio de todos, desde SAIC, hemos realizado actividades de divulgación a la comunidad a través de notas escritas por científicos (proyecto SAIC y La Comunidad), dirigidas a público en general y también actividades participativas en escuelas donde los chicos realizaron trabajos prácticos (proyecto SAIC va a la escuela) y pudieron conversar con jóvenes científicos.

Junto a mis compañeros de las otras sociedades científicas, inauguramos un foro de Biosociedades para discutir propuestas de política científica. Emitimos varias declaraciones, asistimos a medios de comunicación y a reuniones de comisiones parlamentarias en el Congreso de la Nación. Algunos, además, estuvimos en la calle, en las numerosas manifestaciones de científicos ocurridas en estos 4 años.

Para finalizar, el modelo de país lo hacemos entre todos y sin ciencia, tecnología, salud y educación, no hay modelo de país posible. En Argentina, con enormes riquezas naturales, 46 millones de habitantes y capital humano de excelencia hay lugar para todos. Endeudados o no, tenemos la oportunidad de pensar, conciliar, acordar objetivos, de una vez y para siempre emprender un camino hacia el desarrollo real de nuestro país. Corrijamos el trayecto en ese rumbo todas las veces que sea necesario, pero no volvamos a admitir retrocesos.

Otra forma de hacer ciencia es posible, otra forma de vivir es posible.

Damos comienzo a la reunión de Biosociedades 2019.

Dra. Mónica Costas
Presidente SAIC 2019

formation in metastasis and chemoresistance. We previously found that CFTR is expressed in colorectal cancer cells HCT116 and is associated with cancer stem cells (CSC). To further investigate this, we inhibited CFTR activity with CFTR inhibitor-172 or downregulated CFTR expression with two different shRNA (shCFTR1 or shCFTR2) in HCT116 cells. When these cells were transfected with the shCFTRs, we observed a downregulation of both CFTR protein and mRNA by Western blot, immunofluorescence and RT-PCR. Then we determined the clonogenic growth, a property of CSC, of control HCT116 cells and when CFTR is inhibited after seven days of plating at low density. The number of colonies was diminished in cells where CFTR was inhibited ($p < 0.05$). Next we analyzed the expression of CSC markers in these cells. A lower amount of the colon cancer stem cell marker CD133, Nanog, c-Myc and Oct-4 were detected by immunofluorescence staining of HCT116 cells when CFTR is inhibited. From these and our previous results we confirmed that the channel CFTR expression and activity are associated with CSC, indicating that CFTR could have an influence on the CSC properties at least in human colorectal cancer.

0682 - RUNX1 PARTICIPATION IN CHEMOTHERAPY RESISTANCE ON TNBC

Sofia María SOSA | Natalia FERNÁNDEZ | Pilar CASAS ONAINDIA | Natalia RUBINSTEIN

DEPARTAMENTO DE FISIOLÓGIA Y BIOLOGÍA MOLECULAR Y CELULAR, FCEN, UBA

Triple negative breast cancer (TNBC) is associated with early recurrence and low survival rates. Treatment options are limited due to the lack of specific therapeutic targets and are consequently managed with chemotherapy. This highlights the urgent need for new specific therapeutic targets for this group of patients. TNBC is associated with epithelial-mesenchymal transition (EMT) and enrichment in breast cancer stem cell population. Growing evidences strongly suggest that EMT might be involved in tumor chemoresistance. Our group has shown that RUNX1 could be involved in the aggressiveness of ER-/PR- breast tumor. We reported that RUNX1 is able to promote cell migration and regulate tumor related-gene expression, like RSPO3 and GJA1, in a FOXP3-dependent manner. ChIP assays done in our lab on MDA-MB-231 cell line revealed that RUNX1 has the potential to regulate other transcription factors, such as SOX4, involved in EMT process. Besides, we observed a significant up regulation of RUNX1 gene expression in murine tumor cell lines treated with TGF β . Moreover, RUNX1 has been reported to correlate with poor patient prognosis in human samples of TNBC. Our hypothesis is that RUNX1 promotes EMT in TNBC cells, which make them become chemoresistant while leading metastasis to distant organs. The aim of this study was to investigate RUNX1 participation in the generation of chemotherapy resistance in TNBC. To do this, we used TNBC cell lines, doxorubicin (a clinically used drug) and loss of RUNX1 function assays. Here we show that RUNX1 ($p = 0.0067$) and GJA1 ($p < 0.0001$) gene expression are significantly up regulated in doxorubicin-treated MDA-MB-231. Interestingly, we observed that loss of RUNX1 transcriptional activity strongly enhance doxorubicin toxicity on MDA-MB-231 ($p < 0.05$), showing an improvement in drug's sensitivity. Therefore, RUNX1 may be involved in TNBC chemotherapy resistance, pointing out this transcription factor as a possible new therapeutic target in TNBC.

0729 - A COMBINATION OF IN SILICO AND WET-LAB STRATEGIES TOWARDS THE IDENTIFICATION OF BIOMARKERS OF ENDOMETRIAL CANCER PROGRESSION AND AGGRESSIVENESS

María Cecilia ARGIBAY | Luciana MONTIVERO | María José BESSO | **Monica VAZQUEZ DE LEVIN**

INSTITUTO DE BIOLOGÍA Y MEDICINA EXPERIMENTAL (IBYME-CONICET)

Endometrial cancer (EC) is the 2nd most frequent gynecological neoplasm, expecting a $> 50\%$ increase in the next 20 years. Current diagnosis is based on abnormal uterine bleeding, transvaginal ultrasound or uterine biopsy or curettage with or without hysteroscopy. Final diagnosis and tumor classification is done during hysterectomy. Although highly relevant, there are no established EC molecular biomarkers. Objective: Combine bioinformatics tools to identify potential biomarkers of EC progression and aggressiveness and test their expression in EC cell models. An in silico and wet-lab basic research study was conducted. Bioinformatics: DisGeNET (text mining), GEO, TCGA, HPA databases (data mining), ToppGene (gene prioritization), and Statistics: Kaplan-Meier Method, Odds Ratio and Cox Proportional Risk Model (Statistical models) approaches. Cell culture, end-point/Q-RT PCR. Data base analysis of a transcriptomic study (GSE17025; GEO platform) from EC samples identified 39 differentially-expressed genes, based on comparing tumor versus non-tumor; ECC versus NEEC, Grade 1,2 versus 3. Text database (DisGeNET) analysis identified 962 EC-associated genes. Gene prioritization analysis (ToppGene) selected 33 genes. Genes were subsequently assessed in an EC TCGA dataset and evaluated using clinical parameters statistical models ($p < 0.05$), selecting 6 genes. Four genes were finally selected based on ToppGene prioritization and HPA data: PLEKHH1, PTCH1, TMPRSS2 and TPX2. Their differential expression was confirmed in EC cell models of aggressiveness (Hec1a-ETV5 and Ishikawa-ETV5) and controls (Hec1a and Ishikawa) (Colas et al, Oncogene 2012). Strategies combining bioinformatics and cell culture/molecular biology approaches identified potential biomarkers of EC progression and aggressiveness. Current studies are assessing their expression in EC patient samples to validate their clinical use.

Note: EC cells provided by Dr. Colas et al. (Vall d'Hebron Research Institute; Barcelona, Spain. European Comm - 7th Framework Project-IRSES).

0730 - TRIPLE NEGATIVE BREAST CANCER MOLECULAR MARKERS IN MCF7 CELLS OVEREXPRESSING A HUMAN EPITHELIAL CADHERIN SPLICE VARIANT

Jorge QUEVEDO CUENCA | Marina ROSSO | María José BESSO | Lara LAPYCKYJ | María Laura MATOS | **Monica VAZQUEZ DE LEVIN**

INSTITUTO DE BIOLOGÍA Y MEDICINA EXPERIMENTAL (IBYME-CONICET)

Breast cancer (BC) is the most common cancer in women worldwide and in Argentina. Alterations in Epithelial cadherin (Ecad) expression/functions are associated with BC progression. We identified a novel human Ecad alternative splice variant (Ecadvar) (delta34DEL-Exon14). MCF7-Ecadvar stable transfectants showed epithelial-to-mesenchymal transition (EMT) changes, and a triple negative (TNBC) profile. Objective: Characterize transcript expression of MCF7-Ecadvar cells and determine similarities with TNBC molecular subtypes. Prospective basic research study using cell culture, molecular biology and bioinformatics approaches. MCF7-Ecadvar and control (MCF7-pcDNA3) cell culture; RNA extraction; end-point and Q-RT PCR. DisGeNET (text mining), STRING (network analysis), GEO database (data mining). MCF7-Ecadvar cells mRNA analysis confirmed an EMT molecular phenotype, with lower ($p < 0.05$) levels of wild type E-cadherin, and higher ($p < 0.05$) levels of Twist, Slug, Snail, Zeb1 transcriptional repressors, Vimentin and N-cadherin mesenchymal markers than control. MCF7-Ecadvar cells also had lower ($p < 0.05$) levels of ER(alpha), PR and HER-2 receptor mRNA, but high ER(beta) levels. Moreover, they showed increased ($p < 0.05$) levels of FXD5/Dys, ACSL4, LDHB, MCT1, MCT4 and Anx2 mRNA TNBC markers, but lack mRNA of MUC1 and Kaiso TNBC-basal like subtype markers. Also, they displayed lower ($p < 0.05$) levels of Claudin-3, -4 and -7 TNBC-Claudin-Low markers. All 22 evaluated genes were listed in DisGeNET (term "breast cancer"; CUI=C0006142 & C067822) and 12 in TNBC. STRING identified genes involved in BC, adherent/tight junctions, cell-cell adhesion. 12/22 genes depicted same expression