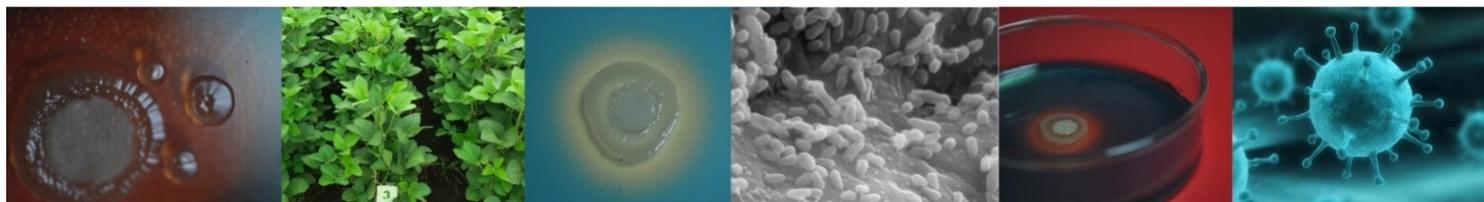


# IV CAMAyA

IV Congreso Argentino de Microbiología

# I MicroGen

I Jornada de Microbiología General



## Libro de Resúmenes

11, 12 y 13 de Abril de 2018  
Hotel 13 de Julio, Mar del Plata, Argentina



# IV CAMAyA

## IV CAMAyA

### I MicroGen

Día 1

Día 2

Día 3

Registro e inscripciones (IV CAMAyA)

**Bienvenida**  
(Salón Topacio)

Conferencia Plenaria  
**María Eugenia Farías**  
(LIMLA-PROIMI-CONICET)  
(Salón Topacio)

Coffee Break (Salón Aguamarina)

MR1 · **Microorganismos promotores del crecimiento vegetal**  
(Salón Topacio)

MR2 · **La ecología microbiana y su encuentro con la biotecnología ambiental**  
(Salón Coral)

Almuerzo

Conferencia Plenaria  
**Cecilia Demergasso**  
(Universidad Católica del Norte, Chile)  
(Salón Topacio)

MR3 · **Tópicos selectos en bioprospección para una agricultura sustentable**  
(Salón Topacio)

MR4 · **Microorganismos de ambientes extremos**  
(Salón Coral)

Coffee Break (Salón Aguamarina)

**Comunicaciones orales 1**  
(Salón Topacio)

**Comunicaciones orales 2**  
(Salón Coral)

**Sesión de posters**  
(Salón Aguamarina)

**Cocktail de Bienvenida**

MR5 · **Interacciones y señalización intra e interespecíficas en comunidades bacterianas**  
*Actividad conjunta con SAMIGE*  
(Salón Topacio)

MR6 · **Diversidad y ecología de microorganismos acuáticos**  
(Salón Coral)

MR7 · **Fitopatología: del campo al laboratorio, y al campo otra vez**  
(Salón Acuario)

Coffee Break (Salón Aguamarina)

Conferencia Plenaria  
**Diego Libkind Frati**  
(UNComa, INBIOMA-CONICET)  
(Salón Topacio)

Almuerzo

Conferencia Plenaria  
**Juan Pablo Busalmen**  
(UNMdP-INTEMA-CONICET)  
(Salón Topacio)

MR8 · **El rol de los microorganismos en el tratamiento de residuos**  
(Salón Topacio)

MR9 · **Comunidades bacterianas involucradas en los ciclos de P y N: cuando la agricultura deja su marca**  
(Salón Coral)

MR10 · **Biocontrol de plagas**  
(Salón Acuario)

Coffee Break (Salón Aguamarina)

**Comunicaciones orales 3**  
(Salón Topacio)

**Comunicaciones orales 4**  
(Salón Coral)

**Comunicaciones orales 5**  
(Salón Acuario)

**Sesión de posters**  
(Salón Aguamarina)

MR11 · **Micro-ómicas: aplicación de técnicas high throughput en el estudio global de microorganismos**  
(Salón Topacio)

MR12 · **Debate de la REDCAI sobre problemáticas actuales de los bioinsumos microbianos**  
(Salón Coral)

Registro e inscripciones (I MicroGen)

MR15 · **Herramientas bioinformáticas aplicadas a la parasitología**  
(Salón Acuario)

Miniconferencia 1  
**Josefina Campos** (INEI - ANLIS Malbrán)  
(Salón Acuario)

Coffee Break (Salón Aguamarina)

Conferencia Plenaria  
**Claudio Valverde**  
(LBMIBS, UNQ-CONICET)  
(Salón Topacio)

MR16 · **Resistencia antimicrobiana: un desafío interdisciplinario integrado**  
(Salón Acuario)

Miniconferencia 2  
**María Margarita Rodríguez** (UBA-CONICET)  
(Salón Acuario)

Almuerzo

Conferencia Plenaria  
*Videoconferencia patrocinada por la ASM*  
**Lawrence Wackett**  
(University of Minnesota)  
(Salón Topacio)

MR13 · **Cuando la investigación básica se vuelve aplicada: desde el desarrollo hasta la comercialización de un bioinsumo**  
(Salón Topacio)

MR14 · **Aplicaciones de la microscopía al estudio de microorganismos**  
(Salón Coral)

MR17 · **Vacunología**  
(Salón Acuario)

Coffee Break (Salón Aguamarina)

**Comunicaciones orales 6**  
(Salón Topacio)

**Comunicaciones orales 7**  
(Salón Coral)

MR18 · **Actualización en metodologías y aproximaciones al estudio de patógenos virales**  
(Salón Acuario)

Miniconferencia 3  
**Alfonso Soler Bistué** (UNSaM-CONICET)  
(Salón Acuario)

**Sesión de posters + CERVEZA**  
(Salón Aguamarina)

**Ceremonia de clausura**

***Escherichia coli* VEROTOXIGÉNICO: DETECCIÓN DE LA ISLA DE PATOGENICIDAD (OI)-122 Y SU ASOCIACIÓN CON SEROPATOTIPOS EN CEPAS NO-O157 AISLADAS EN ARGENTINA**

Jimena Cadona (1), Juliana González (1)\*, Ana Bustamante (1), Mariel Sanso(1)

(1) Laboratorio de Inmunoquímica y Biotecnología, Centro de Investigación Veterinaria de Tandil (CIVETAN), CONICET, Facultad de Ciencias Veterinarias, UNCPBA, Tandil, Argentina.

*Escherichia coli* verotoxigénico (VTEC) es un grupo heterogéneo de patógenos, asociado a enfermedades humanas tales como colitis hemorrágica (CH) y síndrome urémico hemolítico (SUH). El bovino es el principal reservorio y las infecciones en el hombre son causadas mayormente por la ingesta de alimentos contaminados. Las Islas de Patogenicidad (PAI) juegan un importante rol en su virulencia. Debido a que, normalmente, las PAI están ausentes en cepas no patógenas, pueden ser usadas como marcadores moleculares para distinguir cepas altamente virulentas. Además de los genes localizados en la isla de patogenicidad LEE (Locus de borrado del enterocito), se han identificado varios genes efectores en otras PAI. Particularmente, la presencia de la OI-122, se asocia significativamente a cepas VTEC involucradas en brotes y casos de CH y SUH. Karmali et al. (2003) propusieron agrupar cepas de VTEC en cinco seropatotipos (SPT), denominados A-E, de acuerdo con su asociación a enfermedad severa y a la presencia de las islas LEE y OI-122. El objetivo de este estudio fue determinar la distribución de genes de la OI-122 entre cepas VTEC no-O157:H7 aisladas en Argentina de casos clínicos, alimentos y bovinos y evaluar la importancia de esta OI en los seropatotipos de VTEC. Se analizaron 204 aislamientos VTEC pertenecientes a 52 serotipos no-O157:H7. Se clasificaron en SPT de acuerdo al criterio de Karmali et al. (*l.c.*). Para determinar la presencia de la OI-122, compuesta por 3 módulos, se amplificaron por PCR 4 genes marcadores (Z4321, Z4326, Z4332 y Z4333) y 3 genes efectores no codificados en LEE (genes *nle*) (*ent/espL2*, *nleB*, *nleE*) localizados en diferentes regiones de la isla. De los 204 aislamientos estudiados, el 77% de ellos (157: 45 LEE-positivos y 112 LEE-negativos) fue positivo para al menos un gen de OI-122. En casi todos los aislamientos LEE-negativos, sólo estuvo presente el módulo 1 de la PAI (Z4321). El gen Z4321 fue el más prevalente (61% de los aislamientos), detectándose tanto en aislamientos LEE-negativos como positivos. La prevalencia de los demás genes fue: 22% para Z4326; 21% para *nleE*, Z4332 y Z4333; 17% para *ent/espL2* y 10% para *nleB*. Se determinaron 14 perfiles de virulencia. Los aislamientos que presentaron los 4 genes marcadores (Z) fueron LEE-positivos y pertenecieron a SPT B, C o indeterminado. Los resultados mostraron diferencias en la frecuencia de los 7 genes marcadores y una gran variedad de perfiles de virulencia inter e intra serotipo.