

LIBRO DE RESUMENES

**XV Congreso Argentino de Microbiología
(CAM 2019)**

**V Congreso Argentino de Microbiología de
Alimentos
(V CAMA)**

**V Congreso Latinoamericano de Microbiología
de Medicamentos y Cosméticos
(CLAMME 2019)**

**XIV Congreso Argentino de Microbiología
General
(XIV SAMIGE)**

Asociación Argentina de Microbiología (AAM)

25 a 27 de septiembre de 2019
Golden Center Eventos
Int. Cantilo e Int. Güiraldes s/n.
Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina

ISBN 978-987-46701-5-1



XV Congreso Argentino de Microbiología - CAM 2019.
V Congreso Argentino de Microbiología de Alimentos - V CAMA.
V Congreso Latinoamericano de Microbiología de Medicamentos y Cosméticos -
CLAMME 2019:
libro de resúmenes / compilado por Paula Gagetti; María Victoria Preciado; María
Alejandra Picconi. - 1a ed. - Ciudad Autónoma de Buenos Aires: Asociación
Argentina de Microbiología, 2019.

Libro digital, PDF

Archivo Digital: descarga y online
ISBN 978-987-46701-5-1

1. Microbiología. I. Gagetti, Paula, comp. II. Preciado, María Victoria, comp. III.
Picconi, María Alejandra, comp.

CDD 579.0282

XV CONGRESO ARGENTINO DE MICROBIOLOGÍA (CAM 2019)

0351 - IMPLICANCIA DEL FACTOR DE NECROSIS TUMORAL ALFA (TNFA) EN LA RESPUESTA INFLAMATORIA DESENCADENADA POR ALFAHERPESVIRUS EN EL SISTEMA NERVIOSO DE TERNEROS INFECTADOS EXPERIMENTALMENTE

BURUCÚA, Mercedes María¹ | ROSALES, Juan José² | PÉREZ, Sandra² | ODEÓN, Anselmo³ | MARIN, Maia¹

CONSEJO NACIONAL DE INVESTIGACIONES CIENTÍFICAS Y TÉCNICAS¹; CIVETAN-CONICET, FCV-UNCPBA, CICPBA²; INSTITUTO NACIONAL DE TECNOLOGÍA AGROPECUARIA³

Introducción y Objetivos: Los herpesvirus bovinos tipo 1 (BoHV-1) y 5 (BoHV-5) son dos alfa-herpesvirus estrechamente relacionados. El BoHV-5 es el principal agente causal de encefalitis viral en terneros, mientras que el BoHV-1 solo la produce ocasionalmente. TNFa es un factor crítico en la respuesta pro-inflamatoria contra distintos patógenos. Sin embargo, su rol en la neuropatogenia de BoHV no ha sido estudiado. El objetivo de este trabajo fue determinar las variaciones en la expresión de TNFa en el sistema nervioso de terneros infectados experimentalmente con BoHV-1 o 5 durante la infección aguda [6 días post-infección (dpi)], latencia (24 dpi) y reactivación (mediante inmunosupresión con dexametasona, 25 dpi).

Materiales y Métodos: Se utilizaron 2 animales infectados con BoHV-1 o 5 durante cada etapa del ciclo infeccioso y 2 como control. A partir de corteza olfatoria, frontal y posterior, médula cervical y ganglio trigémino (GT) se determinó la expresión génica de TNFa mediante RT-qPCR, utilizando el gen GAPDH como control.

Resultados: El ARNm de TNFa fue detectado en la mayoría de las muestras evaluadas. La infección aguda con BoHV-1 indujo un incremento de 3,6 veces ($p < 0,05$) en la expresión de TNFa tanto en corteza frontal como posterior. Durante la latencia de este virus, sólo se observó una modulación negativa en la médula cervical (0,6 veces, $p < 0,05$), mientras que la reactivación de BoHV-1 indujo una disminución en la expresión génica de esta citoquina en la corteza olfatoria (0,4 veces) con respecto a los animales control y una sobreexpresión en corteza posterior (60,4 veces). Con respecto a BoHV-5, tanto la infección aguda como la reactivación de este virus modularon positivamente la expresión de TNFa en sistema nervioso central y GT. Este incremento durante el pico de infección aguda se observó en la corteza frontal (3 veces) y particularmente en GT (129 veces), mientras que la reactivación de BoHV-5 indujo su expresión en corteza posterior (49,1 veces) y también en GT, sitio en el cual la transcripción de TNFa fue detectada solo en terneros infectados.

Conclusiones: Los hallazgos descriptos en este trabajo demuestran una modulación diferencial de la expresión de TNFa durante las infecciones con dos alfaherpesvirus bovinos relacionados. La inducción de esta citoquina en presencia de virus activo, particularmente de BoHV-5, podría relacionarse con la mayor respuesta inflamatoria y las lesiones de encefalitis necrotizante inducidas por este virus durante la respuesta inmune desencadenada en sistema nervioso. Trabajos previos han demostrado un aumento exacerbado en la expresión de receptores innatos (TLRs), así como de moléculas inmunomoduladoras y otras citoquinas (BMAP28 e IFN β) durante la infección por BoHV-5, posiblemente reflejando la respuesta innata en tejido nervioso para contener la infección, asociada a la eliminación viral temprana. La comprensión del proceso inflamatorio en las infecciones herpesvirales sería útil para generar herramientas que mejoren las estrategias preventivas y terapéuticas.

MI 136

0347 - EHRlichiosis CANINA EN EL NORDESTE ARGENTINO: CONFIRMACIÓN DIAGNÓSTICA POR PCR. RESULTADOS PRELIMINARES

MANSILLA FERNÁNDEZ, Silvia Lorena¹ | SOTELO, Ailin Angélica² | DELGADO, María Belén¹ | CAINZOS, Romina Paola¹ | DELUCA, Gerardo Daniel² | KOSZCINCZUK, Patricia¹

FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS, UNIVERSIDAD NACIONAL DEL NORDESTE¹; FACULTAD DE MEDICINA, UNIVERSIDAD NACIONAL DEL NORDESTE²

Introducción y Objetivos: Ehrlichia es un género de bacterias de vida intracelular obligadas, gramnegativa, inmóvil, pleomórfica, envuelta en una membrana externa delgada ondulada (Rikihisa et al. 1997). Se compone de un único cromosoma circular que contiene 1315030 nucleótidos (Mavromatis et al. 2006). La ehrlichiosis canina se presenta principalmente durante la estación cálida cuando el vector, la garrapata Rhipicephalus sanguineus, está activa (Harrus S., Waner T. 2011). Las garrapatas son reconocidas por su capacidad de parasitar vertebrados domésticos, silvestres y al hombre, lo cual puede resultar en problemas sanitarios (Guglielmone A., Nava S, 2005). Se ha demostrado que el vector se infecta con Ehrlichia dentro de las primeras 3 horas que se alimenta de la sangre de un hospedador infectado (Sainz A. et al., 2015). La enfermedad presenta tres fases: aguda, subclínica y crónica luego de un período de incubación variable de entre 8 y 20 días. La gravedad de la fase y la presentación de diversos signos clínicos dependerán de la virulencia de la cepa, el estado del animal, la edad, el estrés y la presencia de enfermedades concurrentes (Nosach N. et al 2018). El propósito de este estudio fue confirmar la presencia del agente en 45 caninos de las provincias de Corrientes y Chaco.