

# **LIBRO DE RESUMENES**

**XV Congreso Argentino de Microbiología  
(CAM 2019)**

**V Congreso Argentino de Microbiología de  
Alimentos  
(V CAMA)**

**V Congreso Latinoamericano de Microbiología  
de Medicamentos y Cosméticos  
(CLAMME 2019)**

**XIV Congreso Argentino de Microbiología  
General  
(XIV SAMIGE)**

Asociación Argentina de Microbiología (AAM)

25 a 27 de septiembre de 2019  
Golden Center Eventos  
Int. Cantilo e Int. Güiraldes s/n.  
Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina

ISBN 978-987-46701-5-1



XV Congreso Argentino de Microbiología - CAM 2019.  
V Congreso Argentino de Microbiología de Alimentos - V CAMA.  
V Congreso Latinoamericano de Microbiología de Medicamentos y Cosméticos -  
CLAMME 2019:  
libro de resúmenes / compilado por Paula Gagetti; María Victoria Preciado; María  
Alejandra Picconi. - 1a ed. - Ciudad Autónoma de Buenos Aires: Asociación  
Argentina de Microbiología, 2019.

Libro digital, PDF

Archivo Digital: descarga y online  
ISBN 978-987-46701-5-1

1. Microbiología. I. Gagetti, Paula, comp. II. Preciado, María Victoria, comp. III.  
Picconi, María Alejandra, comp.

CDD 579.0282

## XV CONGRESO ARGENTINO DE MICROBIOLOGÍA (CAM 2019)

y se agruparon en pooles en función de la especie, fecha de muestreo y sitio de captura. Cada pool fue macerado con una suspensión de albumina bovina 7.5% y de la misma se realizó la extracción del ARN con trizol (TRI REAGENT TM Sigma-Aldrich, St. Louis, MO). Se efectuó una PCR en tiempo real (qRT-PCR) para Encefalitis de San Luis para la amplificación de la región NS5 del genoma viral.

**Resultados:** Se capturaron un total de 373 ejemplares de mosquitos (37 pooles). La especie más abundante fue *Culex pipiens/quinqüefasciatus* (169 ejemplares, 45,3%) seguida de *Cx. bidens* (146 ejemplares, 39,2%), *Aedes albifasciatus* (32 ejemplares, 8,6%) y *Ae. aegypti* (20 ejemplares, 5,4%). Se encontraron también 2 ejemplares del género *Mansonia* sp. (1pool) y 4 ejemplares de *Culex* sp. (3 pooles) no se lograron identificar a especie. Todos los pooles fueron analizados por qRT-PCR y arrojaron un diagnóstico negativo.

**Conclusiones:** Si bien los resultados fueron negativos para SLEV por qRT-PCR, destacan el predominio de especies del género *Culex* y aportan conocimiento acerca de la diversidad de mosquitos en la región y del potencial rol como vectores de arbovirus.

### MI 151

#### 0261 - EXPRESIÓN DE INTERFERÓN LAMBDA 3 EN TEJIDO NERVIOSO DURANTE LA LATENCIA Y REACTIVACIÓN DE TERNEROS INFECTADOS CON ALFAHERPESVIRUS BOVINOS TIPOS 1Y 5

MARIN, Maia<sup>1</sup> | ROSALES, Juan José<sup>2</sup> | BURUCÚA, Mercedes<sup>1</sup> | PEREZ, Sandra<sup>2</sup>

CONICET<sup>1</sup>; UNIVERSIDAD NACIONAL DEL CENTRO DE LA PROVINCIA DE BUENOS ARIES<sup>2</sup>

**Introducción y Objetivos:** Los alfa herpesvirus bovinos (BoHV) tipo 1 y 5 son virus neurotrópicos. El BoHV-5 ocasiona meningoencefalitis en terneros y el BoHV-1 solo ocasionalmente causa encefalitis. El ciclo de infección de los alfa herpesvirus se caracteriza por etapas de infección aguda, latencia y reactivación, siendo el ganglio trigémino (GT) el principal sitio de latencia. La reactivación del virus latente conduce a la transmisión y diseminación del mismo. El interferón (IFN) lambda fue recientemente identificado. Al igual que el IFN tipo I, IFN lambda induce un estado antiviral, aunque no existe información respecto a su rol en la infección por BoHV. Estudios preliminares demostraron niveles elevados de expresión de IFN lambda 3 en corteza cerebral y GT de terneros en la etapa aguda de infección con BoHV-5 y BoHV-1, respectivamente, en concordancia con los sitios de mayor replicación de cada virus. El objetivo de este estudio fue determinar y comparar los niveles de expresión del IFN lambda 3 en sistema nervioso central (SNC) y GT de terneros experimentalmente infectados con BoHV-1 o BoHV-5 durante la latencia y reactivación.

**Materiales y Métodos:** Para este estudio se inocularon terneros intranasalmente con 10<sup>3</sup> DICC50/ml de la cepa Cooper de BoHV-1 (n=4) o de la cepa 97/613 de BoHV-5 (n=4) para inducir una infección latente, realizándose la eutanasia de 2 terneros de cada grupo durante esta etapa a los 24 días post-infección (dpi). A los animales restantes se les inició un tratamiento con dexametasona (DEX) a los 21 dpi para inducir la reactivación. La eutanasia se realizó a los 25 dpi, 48 horas luego de la última dosis de DEX. Se contó con dos animales controles sin infectar, uno de los cuales también recibió tratamiento con DEX y se realizó la eutanasia a los 24 y 25 dpi, de acuerdo a los grupos infectados. Se obtuvieron muestras de corteza cerebral olfatoria, frontal y posterior, médula oblonga y GT y se analizó la expresión de IFNλ3 mediante RT-qPCR.

**Resultados:** Esto fue particularmente evidente en GT infectado con BoHV-1 y corteza anterior y médula cervical de animales infectados con BoHV-5. Por el contrario, la reactivación de ambos virus inhibió la expresión de IFN lambda3 (p≤0,05), excepto en GT donde IFN lambda 3 solo fue detectable en los terneros infectados y no en los terneros control.

**Conclusiones:** Al igual que en la infección aguda, la expresión de IFN lambda 3 coincide con los sitios preferenciales de replicación de cada virus y es probable que refleje la respuesta innata del hospedador que restringiría la replicación viral inicial hasta el establecimiento de latencia. La reactivación del virus contrarrestaría esta respuesta en SNC, propiciando su excreción y diseminación. La detección de los niveles de expresión de los IFN lambda1 y 2 será necesaria para obtener un análisis global de la respuesta mediada por IFN lambda; en el tejido nervioso bovino.

### MI 152

#### 0371 - EFECTO DE LA PATOGENICIDAD VIRAL EN LA EXPRESIÓN DE GENES RELACIONADOS A LA APOPTOSIS

COLINA, Santiago Emanuel | NOGUEIRAS, Juan Pablo | ABEYÁ, María Mercedes | SERENA, María | ECHEVERRÍA, María Gabriela | METZ, Germán Ernesto

LABORATORIO DE VIROLOGÍA FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS, UNLP