



XII Congreso Argentino de Virología

V Simposio de Virología Clínica
III Simposio de Virología Veterinaria

Libro de resúmenes

26 al 28 de septiembre de 2017
Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina

Centro de Convenciones Palais Rouge
Jerónimo Salguero 1443/49
Ciudad Autónoma de Buenos Aires, Argentina

PATROCINANTES

Entidades Patrocinantes

Ministerio de Salud de la Nación
Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Tecnológicas (CONICET)
Agencia Nacional de Promoción Científica y Tecnológica (ANPCYT)
Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA)
Embajada de Canadá en Argentina
Instituto de Investigaciones Biomédicas en Retrovirus y SIDA (INBIRS) - UBA-CONICET

Empresas Patrocinantes Principales

Abbott
Organización de Servicios Directos Empresarios (OSDE)
Biomerieux
Biodiagnóstico S.A.
Summit Research S.A.
Tecnolab S.A.

Empresas Patrocinantes

Microlat S.R.L.
Bioquímica S.R.L.
Roche
Biodynamics S.R.L.
La Nación
Alere S.A.
Arcángel Maggio
Inbio Highway S.A.
Lobov y Cía S.A.C.I.
Biocientífica S.A.
BioSystems S.A.
Ecotrade S.R.L.
Center Química
AP Biotech S.R.L.
Embiotec S.R.L.

Empresas colaboradoras

Diagnóstico Maipú S.A.
Federación Odontológica de la Provincia de Buenos Aires
Medicus S.A.
Laboratorios Bagó
Fundación Konex
Vetanco S.A.
Georgalos Hnos. S.A.I.C.A.
Migliore Laclaustra S.R.L.

COMITÉ ORGANIZADOR

Presidente

María M. Ávila (INBIRS-UBA/CONICET)

Vice-presidente

María A. Picconi (ANLIS-Malbrán)

Secretaría General

María A. Pando (INBIRS-UBA/CONICET)

Daniel Cisterna (ANLIS-Malbrán)

Tesorería

María V. Preciado (IMIPP-CONICET)

Nora Lopez (ICT Milstein-CONICET)

Comisión Técnica

Secretario: Mariano Pérez Filgueira (INTA)

Viviana Mbayed (FFyB-UBA)

Mónica Tous (ANLIS-MALBRAN)

Inés Zapiola (Htal. Muñiz)

Carolina Berini (INBIRS-UBA/CONICET)

V Simposio de Virología Clínica

Gabriela Turk (INBIRS-UBA/CONICET)

Paula Aulicino (Htal. Garrahan)

Cristina Videla (CEMIC)

Comisión Científica

Secretaria: Lucía Cavallaro (FFyB-UBA)

Daniela Gardiol (IBR),

Silvana Levis (ANLIS)

Viviana Ré (InViV-FCM-UNC)

Andrea Gamarnik (Fundación Instituto Leloir)

Sandra Cordo (FCEyN-UBA).

III Simposio de Virología Veterinaria

Cecilia Galosi (UNLP)

Ariel Vagnozzi (INTA)

Ana Bratanich (FCV-UBA)

Asociación Argentina de Microbiología

XII Congreso Argentino de Virología / compilado por Lucía Cavallaro. - 1a ed. -
Ciudad Autónoma de Buenos Aires: Asociación Argentina de Microbiología, 2017.

Libro digital, PDF

Archivo Digital: descarga

ISBN 978-987-46701-0-6

I. Virología. I. Cavallaro, Lucía, comp. III. Título.

CDD 570.7

ISBN 978-987-46701-0-6



9 789874 670106

recomienda el uso de ELISA o Inmunodifusión en gel agar (IDGA) para la detección de anticuerpos y el aislamiento viral o PCR anidado (nested PCR, nPCR) para la identificación del agente. Más recientemente se han desarrollado técnicas para la cuantificación de la carga proviral en células de animales infectados utilizando real time PCR (qPCR), pero su uso en diagnóstico aún no está recomendado por la OIE. La qPCR tiene como principal desventaja la necesidad de utilización de una curva estándar y en las muestras con baja carga proviral, pueden dificultarse la interpretación de los resultados. En base a esto, en este trabajo se describe por primera vez la utilización de la técnica de ddPCR para la detección de este virus, buscando una cuantificación viral más rápida y precisa que la qPCR, sobre todo en muestras con baja carga proviral. Se analizaron un total de 67 muestras de ADN de sangre entera de animales naturalmente infectados por las técnicas de ddPCR, qPCR y Nested PCR, y luego se compararon los resultados obtenidos entre las técnicas. El 62,7% (42/67) de las muestras analizadas fue positiva por nPCR, mientras que el 89,5% (60/67) resultó positiva por ddPCR, observándose un índice Kappa de 0,328 entre estas técnicas, y por lo tanto con baja correlación. Al comparar con la qPCR, 72,6% (45/62) de las muestras fueron positivas a esta, mientras un 88,7% (55/62) fueron positivas a ddPCR (índice Kappa = 0,206). Como conclusión, se pudo observar que la ddPCR detectó una mayor cantidad de animales positivos que la técnica de referencia de la OIE (nPCR) y que la qPCR. Esa mayor sensibilidad encontrada en la ddPCR puede ser debido a falsos positivos, se harán futuros ensayos para descartar los mismos. Aunque existe la posibilidad de presencia de muestras falsas positivas, se debe considerar que se utilizaron primers y sondas específicas del gen env y pol del VLB. Si bien se debe profundizar estos ensayos en el futuro, mejorando la correlación entre la ddPCR y nPCR o qPCR, los resultados demuestran que esta nueva técnica puede ser una promisoriosa herramienta para la detección y cuantificación absoluta de VLB en sangre periférica de bovinos.

VET 39

PRIMER REPORTE DEL ANÁLISIS MOLECULAR DE ROTAVIRUS GRUPO A Y CORONAVIRUS EN TERNEROS DE LECHE Y CRÍA EN EL VALLE DE LERMA DE LA PROVINCIA DE SALTA

Bertoni E¹, Bok M², Aduriz M², Miño S², Cimino R³, Vega C², Parreño V²
¹Área de investigación de Salud Animal del Instituto de Investigación Animal del Chaco Semiárido INTA EEA-Salta, ²Instituto de Virología, CICV y A, INTA-Castelar, Buenos Aires ³Cátedra de Química Biológica, Facultad de Ciencias Naturales, Universidad Nacional de Salta.

Rotavirus Grupo A (RVA) y Coronavirus bovino (CoVb) son los agentes virales que causan diarreas en los terneros de carne y leche. Las cepas de RVA se clasifican en G y P tipos según las variantes de las proteínas de cápside VP4 y VP7 respectivamente. En contraste, existe un solo serogrupo de CoVb. En los rodeos cría de Argentina, la cepa de RVA con mayor circulación es G6P[5] y en los tambos es G6P[11] y G10P[11], mientras que CoVb se detectó en el 1,71% de los terneros con diarrea. Con el objetivo de describir el rol de RVA y CoVb en la presentación de las diarreas neonatales en los terneros del Valle de Lerma, se realizó un muestreo en 19 tambos y 20 rodeos de cría, de donde se obtuvieron 487 y 311 muestras de materia fecal de terneros menores a dos meses de edad, respectivamente. El diagnóstico de RVA y CoVb se efectuó mediante la técnica de ELISA. De las muestras positivas a RVA, se determinaron los genes que codifican para las proteínas VP4 y VP7 mediante la técnica de RT-PCR. La tipificación se realizó a través de una PCR heminested multiplex, donde los G tipos se caracterizaron con los cebadores N167 (G6 ncdv-like), H167 y H499 (G6 hun4-like), HT8 (I801 G8), ET10 (B223 G10), y los P tipos con los cebadores pB223 (B223 P[11]), P5K (Indiana P[5]) y P1K (I801 P[11]). Las muestras positivas a CoVb por ELISA, fueron caracterizadas a través de la amplificación de una porción del gen, que codifica para una porción de la proteína S mediante RT-PCR (557 pb). En los tambos, la prevalencia de animales con diarrea fue del 35,9% (175/487) y en los rodeos de cría el 19,6% (61/311). La detección de RVA en los sistemas lecheros fue del 9,6% (47/487) y en cría el 6,43% (20/311). Los genotipos de RVA circulantes en los establecimientos de leche resultaron ser mayormente G6P[11] y en menor proporción a G10P[11], mientras que en los rodeos de carne hubo predominio de G10 y menor proporción de G8, ambos asociados a P[11]. CoVb solo se detectó en tambos con una prevalencia del 0,41% (2/487) y se logró la amplificación y secuenciación de un fragmento de la proteína S en una

de ellas. Esta se agrupó dentro de un mismo clúster, con cepas de campo previamente aisladas en tambos de Argentina. En base a los resultados obtenidos podemos concluir que RVA y CoVb podrían estar implicados en la aparición de diarreas neonatales de los terneros de los sistemas productivos del Valle de Lerma. Las cepas circulantes de RVA en los tambos de esta cuenca, no difieren de las descritas en otras cuencas del país. Sin embargo, en los sistemas de cría los genotipos circulantes difieren sustancialmente, detectándose el genotipo G8 por primera vez en este tipo de explotación. Con respecto a CoVb la prevalencia es similar a las citadas en las otras regiones del país.

VET 40

ESTUDIO DEL IMPACTO DE LAS INFECCIONES Y LAS ENFERMEDADES OPORTUNISTAS AL VIRUS DE LA INMUNODEFICIENCIA FELINA (VIF) EN LA SOBREVIVENCIA DE LOS GATOS CON INFECCIÓN ESPONTÁNEA Y SIN TRATAMIENTO ANTIRRETROVIRAL

Gisbert M A, Bratanich A, Diaz L, Galdo Novo S, Cabrera Blatter M F, Graña N

Facultad de Ciencias Veterinarias. UBA.

El virus de la inmunodeficiencia felina (VIF) pertenece a la familia Retroviridae, género Lentivirus y al igual que el virus de la inmunodeficiencia humana (VIH), en su fase aguda (SIDA), causa una lenta pero progresiva deficiencia del sistema inmune. En los gatos que no reciben tratamiento antirretroviral (ArVNeg), el curso de la enfermedad es más rápido, presentándose en forma temprana, infecciones y enfermedades oportunistas que afectan la sobrevivencia de los pacientes.

El objetivo de este trabajo consiste en evaluar la sobrevivencia de los gatos infectados espontáneamente con VIF ArVNeg y que presentan diferentes manifestaciones clínicas que son propias a la fase final de la enfermedad. En base a las enfermedades infecciosas (bacterianas, micóticas, virales) y la presencia de neoplasias se agruparon en los siguientes categorías: G1: Enfermedades bacterianas; G2: Enfermedades micóticas; G3: Enfermedades Parasitarias; G4: Enfermedades por protozoarios; G5: Enfermedades virales y G6: Neoplasias asociadas. El diagnóstico de cada patología concomitante se comprobó mediante métodos complementarios de rutina indicados para cada caso en particular.

Se seleccionaron al azar 50 gatos, infectados con VIF ArVNeg y se los agrupó según su enfermedad o infección concomitante diagnosticada. Se realizó un seguimiento durante 2 años y se registró la sobrevivencia de los gatos en cada uno de los grupos. Los resultados obtenidos demostraron una tendencia a una mayor sobrevivencia en los pacientes de los Grupos G1 y G2, en relación al resto de los grupos. La diferencia mayor se observó en G2 con respecto a G1 y G6, manifestándose el menor índice de sobrevivencia en este grupo de animales.

Llamativamente, los resultados obtenidos difieren de los esperados y sugieren que la presencia de algunas enfermedades e infecciones oportunistas, incrementan en forma diferente, la virulencia viral acelerando el desenlace fatal de la enfermedad en los gatos. Este trabajo contribuye a demostrar la importancia de realizar estudios sobre el comportamiento de la enfermedad en gatos con infección espontánea y crónica ya que aportan datos de valor epidemiológico, virológico y clínico, mejorando la comprensión del comportamiento de esta enfermedad en gatos sin tratamiento antirretroviral durante la fase final de la infección por VIF.

VET 41

ANÁLISIS DE LA SENSIBILIDAD DE DIFERENTES CEPAS DEL VIRUS DE LA DIARREA VIRAL BOVINA FRENTE A LOS INTERFERONES TIPO I Y III BOVINOS UTILIZANDO UN ELISA EN CÉLULAS

Quintana M E¹, Barone L², Trotta M V^{2,3}, Cardoso N P¹, Capozzo A V¹

¹Instituto Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET).

²Instituto de Virología-INTA Castelar. ³Universidad de Morón.

El virus de la diarrea viral bovina ("VDVB"; familia Flaviviridae, género pestivirus) es un patógeno de alta prevalencia en rodeos bovinos que provoca un importante impacto económico debido a las pérdidas de tipo reproductivo y problemas de fertilidad, pudiendo causar además gastroenteritis aguda y lesiones erosivas del tracto digestivo. Se presenta en dos genotipos (I y II) y dos biotipos, citopático (cp) y no citopático