

Variabilidad genética en variedades taxonómicas de *Nierembergia linariifolia* Graham (Solanaceae)

Chiabrando, M.S.; Sérsic A.N.; Cocucci A.A.; Acosta M.C.

Instituto Multidisciplinario de Biología Vegetal (IMBIV) CONICET-Universidad Nacional de Córdoba.

Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, Universidad Nacional de Córdoba.

Nierembergia Ruiz & Pav. presenta una especie que crece en México y 20 que se distribuyen en el oeste y sur de Sudamérica. *Nierembergia linariifolia* (nombre vulgar: “chuscho”) es la especie de mayor distribución dentro del género, ya que se extiende desde el sur de Brasil hasta la Patagonia en Argentina. Se han descrito cuatro variedades según sus caracteres morfológicos (*linariifolia*, *glabriuscula*, *pampeana* y *pinifolioides*). Mientras que la variedad *linariifolia* se distribuye ampliamente, *glabriuscula* y *pinifolioides* son endémicas de las Sierras de Córdoba y San Luis, donde crecen a partir de los 1200 msm y 700 msm, respectivamente. Finalmente, *pampeana*, la variedad más austral, se encuentra en afloramientos rocosos de las llanuras boscosas en el sur de la distribución. En el presente trabajo se propone analizar la diversidad genética de *N. linariifolia* y definir si las variedades observadas representan linajes genealógicos diferentes o se trata de polimorfismo intraespecífico atribuibles a evolución local bajo distintas condiciones ecológicas. Para poner a prueba esta hipótesis se predice que las variedades morfológicas constituyen linajes genéticos diferenciados.

Para ello, se extrajo ADN de 38 individuos representativos de las cuatro variedades de *N. linariifolia* provenientes de las provincias de Catamarca, Córdoba, Corrientes, Entre Ríos y La Pampa. Se amplificó y secuenció la región no codificante del cloroplasto *trnQ-5'rsps16*. Con las secuencias obtenidas, se definieron los haplotipos y se confeccionaron redes de haplotipos para analizar los patrones de diversidad genética y sus relaciones genealógicas.

La secuenciación de los fragmentos de ADN cloroplastidial reveló 4 haplotipos. No se encontró relación entre las variedades morfológicas y las variantes genéticas. Sin embargo, la distribución de los haplotipos está estructurada geográficamente. Así, las variedades morfológicas definidas en *N. linariifolia* no corresponden a distintos linajes genéticos, sino que son expresiones de distintos fenotipos propios de la región ecológica que habitan. Nuestros datos muestran además que el Distrito Chaqueño Serrano podría haber sido el sitio de origen de la especie. Desde allí, se plantean dos rutas de colonización hacia la Provincia del Espinal; por un lado, hacia el Noreste, ocupando el actual Distrito del Ñandubay y por el otro, hacia el Sudeste, llegando a los Distritos del Algarrobo y del Caldén.