

Caracterización génica de los delfines australes (*Lagenorhynchus australis*) en un área marina protegida, Patagonia argentina

Durante, C.A.(1), Loizaga de Castro, R.(1), Cunha, H.A.(2), Crespo, E.A.(1,3)

(1) Laboratorio de Mamíferos Marinos (LAMAMA), Centro para el Estudio de Sistemas Marinos (CESIMAR - CCT CENPAT – CONICET), Puerto Madryn, Chubut, Argentina. (2) Laboratorio de Mamíferos Acuáticos (MAQUA), Facultad de Oceanografía, Universidad Estadual de Río de Janeiro (UERJ), Rio de Janeiro, RJ, Brasil. (3) UNP San Juan Bosco, Puerto Madryn, Chubut, Argentina. kilydurante@cenpat-conicet.gob.ar

El Parque Interjurisdiccional Marino Costero Patagonia Austral (PIMCPA) está ubicado en Chubut, y tiene como fin administrar y manejar la riqueza y biodiversidad ambiental. Entre los pequeños cetáceos que habitan el parque podemos encontrar el delfín austral. En Argentina, se distribuye entre los 44°S-56°S y frecuenta hábitats tanto costeros como pelágicos. El objetivo del presente trabajo es caracterizar la diversidad génica de la población de delfines australes en el área del PIMCPA, dado que no existen estudios de genética previos para la especie. Se amplificaron 19 secuencias de 661 pb de la región control del ADN mitocondrial y se recuperaron 5 haplotipos a partir de 13 sitios polimórficos. Los valores de diversidad haplotípica ($h=0,6725$) y nucleotídica ($\pi=0,5\%$) indican una moderada variabilidad genética, similar a valores ya reportados para otras especies de cetáceos. Se realizó un sexado molecular (7 machos, 11 hembras y 1 no identificado), presentando una proporción de sexo 1:1 ($\chi^2_{\text{Yates}}=0,11$; g.l.=1, $p=0,73$). La prueba de mismatch mostró valores de p significativos ($p<0,05$), tanto para el SSD (0,1877) como para el Índice de irregularidad de Harpending ($r=0,4960$), mientras que las pruebas de neutralidad ($D=-0,2082$ y F_s de $F_u=2,3481$) mostraron valores de p no significativos ($p>0,05$), lo cual indicaría que la población no muestra señal de expansión. El análisis molecular de la varianza (AMOVA) mostró un alto grado de estructuración ($F_{st}=0,5843$; $p<0,05$) al evaluar la diferenciación genética incorporando dos secuencias de Ushuaia obtenidas a partir de GenBank. Este es el primer estudio caracterizando la diversidad génica de los delfines australes para la Argentina. De acuerdo a los resultados obtenidos, se puede considerar a la población de delfines australes del PIMCPA como una única unidad de manejo. Así mismo, se recomienda ampliar el muestreo el resto de su distribución en Argentina y realizar estudios con marcadores nucleares.