



**IV REUNIÓN CONJUNTA DE
SOCIEDADES DE BIOLOGÍA DE LA
REPÚBLICA ARGENTINA**

***“Nuevas Evidencias y Cambios de Paradigmas
en Ciencias Biológicas”***

9, 10, 11, 14 y 15 de Septiembre 2020

**XXXVIII REUNIÓN ANUAL DE LA SOCIEDAD DE BIOLOGÍA DE
CUYO**

**XXIII REUNIÓN ANUAL DE LA SOCIEDAD DE BIOLOGÍA DE
CÓRDOBA**

**XXXVII REUNIÓN ANUAL DE LA ASOCIACIÓN DE BIOLOGÍA DE
TUCUMÁN**

Con la participación de

**SOCIEDAD ARGENTINA DE BIOLOGÍA
SOCIEDAD DE BIOLOGÍA DE ROSARIO
SOCIEDAD CHILENA DE REPRODUCCIÓN Y DESARROLLO**

EB08- RELEVAMIENTO DE ESCORPIONES, PSEUDOESCORPIONES, SOLÍFUGAS Y OPILIONES (ARTHROPODA: ARACHNIDA) EN EL DEPARTAMENTO AMBATO, CATAMARCA

Barrios Montivero AE, Morales FL, Salas LB

Centro de Biodiversidad. Facultad de Ciencias Exactas y Naturales UNCA. E-mail: alexisbarrios305@gmail.com

La clase Arachnida comprende artrópodos quelicerados. Incluye Escorpiones, Pseudoscorpiones, Solifugae y Opiliones, entre otros órdenes. Para Catamarca, son escasos los trabajos referidos al estudio de estos animales, por lo que poco se conoce sobre su diversidad, abundancia y distribución. Los objetivos de esta investigación fueron relevar organismos de los órdenes: Escorpiones, Pseudoscorpiones, Solifugae y Opiliones, en cuatro localidades del departamento Ambato, provincia de Catamarca y determinar riqueza faunística (RF) y abundancia (A), como medidas de diversidad. El material biológico se recolectó en La Puerta, Las Juntas, Los Varela y El Rodeo, en el departamento Ambato. En cada localidad se seleccionó un ambiente correspondiente a la ecorregión de Chaco Serrano, en el cual se trazaron dos transectas, una con orientación norte-sur, y otra con orientación este-oeste, de 50 m de largo por 2 m de ancho, sobre las cuales, se colocaron 10 trampas de caída, con solución de etilenglicol (1:9). Las trampas permanecieron activas por 28 días, renovadas cada siete días. Los organismos recolectados se determinaron hasta el taxón más bajo posible de discernir. Se recolectaron 227 ejemplares de cuatro órdenes y 10 familias. Orden Escorpiones: Buthidae (A=1); Bothriuridae (A=97); Orden Pseudoscorpiones: Atemnidae (A=2); Cheliferidae (A=49); Chernetidae (A=15); Lechithiidae (A=8); Withidae (A=2); Orden Solifugae: Mummuciidae (A=9); Orden Opiliones: Cosmetidae (A=20); Gonyleptidae (A=24). La información generada contribuye al conocimiento de este importante grupo de artrópodos para la provincia de Catamarca.

EB09- PRIMEROS RESULTADOS SOBRE LA DIVERSIDAD Y DISTRIBUCIÓN DE ARAÑAS (ARTHROPODA: ARANEAE) EN EL DEPARTAMENTO AMBATO, CATAMARCA

Morales FL, Barrios Montivero AE, Salas LB

Centro de Biodiversidad. Facultad de Ciencias Exactas y Naturales UNCA. E-mail: frankomorales017@gmail.com

Las arañas son artrópodos quelicerados muy diversos y abundantes. Ocupan diferentes ecosistemas y cumplen un importante rol como controladores de poblaciones de insectos. Pocas especies en Argentina, pueden provocar accidentes al hombre. La aracnofauna de la provincia de Catamarca es aún poco conocida. Los objetivos de esta investigación fueron: conocer la diversidad y distribución de arañas en cuatro localidades del departamento Ambato, provincia de Catamarca y listar las especies de importancia sanitaria. El material biológico se recolectó en La Puerta, Las Juntas, Los Varela y El Rodeo, en el departamento Ambato. En cada localidad se seleccionó un ambiente correspondiente a la ecorregión de Chaco Serrano, en el cual se trazaron dos transectas con orientación norte-sur; este-oeste, de 50 m de largo por 2 m de ancho, sobre las cuales, se colocaron 10 trampas de caída, con solución de etilenglicol (1:9). Las trampas permanecieron activas por 28 días, renovadas cada siete días. Los organismos recolectados se determinaron hasta el taxón familia, y género para las arañas de importancia sanitaria. En cada familia se reconocieron morfotipos. Se recolectaron 630 individuos de 33 familias. Más abundante fueron: Lycosidae (16,03%), Salticidae (13,97%), Thomisidae (12,22 %), Araneidae (11,11 %) y Lyniphidae (6,83 %). Las familias más diversas fueron Salticidae (12 morfotipos), Araneidae (8 morfotipos), Theridiidae (5 morfotipos) y Lycosidae (5 morfotipos). Los géneros de importancia sanitaria fueron: *Latrodectus* sp. y *Loxosceles* sp. Los datos obtenidos son los primeros para el departamento Ambato, contribuyendo así al conocimiento de la rica fauna de arañas de Catamarca.

EB10- *Conyza* spp. COMO RESERVORIO DE ESPECIES DE *Colletotrichum* PATÓGENAS DE SOJA Y MAÍZ

Bonacci M, Sartori M, Barra P, Etcheverry M, Nesci A, Barros G.

Laboratorio de Ecología Microbiana. Departamento de Microbiología e Inmunología. Universidad Nacional de Río Cuarto. E-mail: gbarros@exa.unrc.edu.ar

Conyza spp. (rama negra) es una maleza de amplia distribución en Argentina y de difícil control por la aparición de resistencia a herbicidas químicos. Se caracteriza por ser una gran competidora debido a la alta producción y latencia de semillas y germinación discontinua. Esto le permite establecerse, captar recursos y ocupar espacio en el agroecosistema impactando en el rendimiento de cultivos como soja y maíz. Además, esta maleza es huésped alternativo de distintas plagas como: insectos, virus, nematodos y hongos. Entre los agentes fúngicos, el género *Colletotrichum* se destaca como uno de los fitopatógenos más relevantes. Debido a que es muy frecuente encontrar especies de *Conyza* asociada a cultivos, la maleza puede ser un reservorio y fuente de inóculo de hongos fitopatógenos produciendo infecciones cruzadas. El objetivo del presente estudio fue investigar la diversidad de especies de *Colletotrichum* presentes en *Conyza* spp., identificando potenciales patógenos de cultivos. Se analizaron 30 aislamientos de *Colletotrichum* recuperados de hojas de la maleza con síntomas de enfermedad. Teniendo en cuenta la complejidad taxonómica del género *Colletotrichum*, las cepas fueron identificadas de manera polifásica a través de análisis morfológicos, fisiológicos y secuenciación de los genes *ITS* y *GADPH* (gliceraldehído-3-fosfato deshidrogenasa). En el análisis filogenético se utilizó el método de máxima verosimilitud, comparando las secuencias de los aislamientos con cepas representativas de diferentes complejos de especies de *Colletotrichum* obtenidos del GenBank. La combinación del análisis morfológico y filogenético mostró que los 30 aislamientos se distribuyeron en seis complejos de especies de *Colletotrichum*: *C. boninese*, *C. destructivum*, *C. gloeosporioides*, *C. truncatum*, *C. graminicola* y *C. orchidearum*, siendo estos tres últimos los más numerosos con 8, 5 y 5 representantes respectivamente. Además, se observó que 20 de los 30 aislamientos se encontraron dentro complejos de especies de *Colletotrichum* relacionados a patógenos de soja (*C. truncatum*, *C. orchidearum* y *C. gloeosporioides*) y de maíz (*C. graminicola*). Esto demuestra que la maleza, la cual tiene un ensamblaje evolutivo con los cultivos, puede ser un reservorio de especies patógenas de *Colletotrichum* en el agroecosistema en ausencia de cultivos y representar una fuente de inóculo del fitopatógeno para nuevas infecciones en soja y maíz.