

# Jornadas Argentinas de Genética 2021

4 y 5 de noviembre

Modalidad virtual



[sag.org.ar/sitio/jornadas-2021](http://sag.org.ar/sitio/jornadas-2021)

Organiza:



**SAG**

Sociedad  
Argentina  
de Genética

Auspicia:



THE HUMAN VARIOME PROJECT  
COUNTRY NODE - ARGENTINA

Patrocina:



# Jornadas Argentinas de Genética 2021

4 y 5 de noviembre

Modalidad virtual

Organiza:



**SAG** Sociedad  
Argentina  
de Genética

Auspicia:



THE HUMAN VARIOME PROJECT  
COUNTRY NODE - ARGENTINA

Patrocina:



# SIMPOSIOS

---

MINI-CONFERENCIAS PTC THERAPEUTICS .....	5
SIMPOSIO GENÉTICA Y MEJORAMIENTO VEGETAL 1 .....	8
SIMPOSIO GENÉTICA Y MEJORAMIENTO ANIMAL .....	11
SIMPOSIO GENÉTICA Y MEJORAMIENTO VEGETAL 2 .....	14
MESA REDONDA CON EXPERTOS	
ACTUALIZACIÓN EN COVID-19: DESAFÍOS DEL ESTUDIO DEL SARS-COV-2 DURANTE UNA PANDEMIA EN EVOLUCIÓN .....	16

# COMUNICACIONES LIBRES

---

BIOINFORMÁTICA .....	21
CITOGÉNÉTICA ANIMAL .....	22
CITOGÉNÉTICA HUMANA .....	23
CITOGÉNÉTICA VEGETAL .....	25
GENÉTICA ANIMAL .....	26
GENÉTICA HUMANA .....	27
GENÉTICA DE MICROORGANISMOS .....	28
GENÉTICA VEGETAL .....	29
GENÉTICA Y EDUCACIÓN .....	30
GENÓMICA Y GENÉTICA MOLECULAR .....	32
MEJORAMIENTO VEGETAL .....	39
MUTAGÉNESIS, CARCINOGENÉNESIS Y TERATOGENÉNESIS AMBIENTAL .....	43

## GENÉTICA DE MICROORGANISMOS

---

### CARACTERÍSTICAS GENÉTICAS DE VIRULENCIA EN *Streptococcus uberis* AISLADO DE VACAS LECHERAS CON MASTITIS DE LA CUENCA MAR Y SIERRAS (ARGENTINA)

Gerez G.<sup>1</sup>, E. Bottini<sup>1</sup>, L. Hernandez<sup>2</sup>, A. Bustamante<sup>1</sup>, M. Sanso<sup>1</sup>. <sup>1</sup>Centro de Investigación Veterinaria de Tandil (CIVETAN), CONICET, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional del Centro de la Provincia de Buenos Aires, Tandil, Argentina. msanso@vet.unicen.edu.ar

La mastitis es una de las enfermedades infecciosas más frecuentes en los rodeos lecheros, y causa importantes pérdidas económicas. Una de las bacterias más frecuentemente asociada a mastitis bovina es *Streptococcus uberis*. Se trata de un patógeno ubicuo en el ambiente del tambo, que puede presentar un comportamiento contagioso. La patogenicidad del mismo se ha relacionado con una serie de factores de virulencia, entre los cuales se encuentran CFU (*CAMP factor*), SUAM (*S. uberis adhesion molecule*) y SKC (*streptokinase activator*). Nuestro objetivo fue analizar cepas de *S. uberis* aisladas de vacas con mastitis clínica o subclínica, en relación a algunos genes codificantes de factores de virulencia. Se estudiaron 46 aislamientos de *S. uberis*, pertenecientes a 18 tambos. Éstos fueron obtenidos de leche de vacas con mastitis distribuidas en 30 tambos de la cuenca de Mar y Sierras (Provincia de Buenos Aires), entre 2016 y 2021. Los aislamientos identificados como *S. uberis* por pruebas bioquímicas, fueron confirmados por la amplificación de una secuencia del gen PAUA. Posteriormente, se amplificaron por PCR los genes CFU, SKC y SUAM. El gen CFU, responsable de la expresión de la reacción de CAMP, fue detectado en el 48% de los aislamientos, pertenecientes en total a cinco tambos. El gen SKC, codificante de una serina-proteasa, se detectó en el 67% de los aislamientos, pertenecientes a 12 tambos, mientras que el gen SUAM, codificante de un factor que media la adherencia e invasión a células epiteliales mamarias, fue detectado en el 96% de los aislamientos, distribuidos en 17 de los tambos analizados. Se detectaron cuatro perfiles de virulencia, siendo el más frecuente CFU-SKC-SUAM (48%), seguido de SKC-SUAM (28%). Estos datos, los primeros sobre rasgos de virulencia de *S. uberis* de la Cuenca Mar y Sierras, una de las regiones de producción láctea más importantes del país, señalan la circulación de cepas con distintas características genéticas capaces de causar mastitis.