

Jornadas Argentinas de Genética 2021

4 y 5 de noviembre

Modalidad virtual



sag.org.ar/sitio/jornadas-2021

Organiza:



SAG

Sociedad
Argentina
de Genética

Auspicia:



THE HUMAN VARIOME PROJECT
COUNTRY NODE - ARGENTINA

Patrocina:



Jornadas Argentinas de Genética 2021

4 y 5 de noviembre

Modalidad virtual

Organiza:



SAG Sociedad
Argentina
de Genética

Auspicia:



THE HUMAN VARIOME PROJECT
COUNTRY NODE - ARGENTINA

Patrocina:



SIMPOSIOS

MINI-CONFERENCIAS PTC THERAPEUTICS	5
SIMPOSIO GENÉTICA Y MEJORAMIENTO VEGETAL 1	8
SIMPOSIO GENÉTICA Y MEJORAMIENTO ANIMAL	11
SIMPOSIO GENÉTICA Y MEJORAMIENTO VEGETAL 2	14
MESA REDONDA CON EXPERTOS	
ACTUALIZACIÓN EN COVID-19: DESAFÍOS DEL ESTUDIO DEL SARS-COV-2 DURANTE UNA PANDEMIA EN EVOLUCIÓN	16

COMUNICACIONES LIBRES

BIOINFORMÁTICA	21
CITOGÉNÉTICA ANIMAL	22
CITOGÉNÉTICA HUMANA	23
CITOGÉNÉTICA VEGETAL	25
GENÉTICA ANIMAL	26
GENÉTICA HUMANA	27
GENÉTICA DE MICROORGANISMOS	28
GENÉTICA VEGETAL	29
GENÉTICA Y EDUCACIÓN	30
GENÓMICA Y GENÉTICA MOLECULAR	32
MEJORAMIENTO VEGETAL	39
MUTAGÉNESIS, CARCINOGENÉNESIS Y TERATOGENÉNESIS AMBIENTAL	43

GENÉTICA DE MICROORGANISMOS

CARACTERÍSTICAS GENÉTICAS DE VIRULENCIA EN *Streptococcus uberis* AISLADO DE VACAS LECHERAS CON MASTITIS DE LA CUENCA MAR Y SIERRAS (ARGENTINA)

Gerez G.¹, E. Bottini¹, L. Hernandez², A. Bustamante¹, M. Sanso¹. ¹Centro de Investigación Veterinaria de Tandil (CIVETAN), CONICET, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional del Centro de la Provincia de Buenos Aires, Tandil, Argentina. msanso@vet.unicen.edu.ar

La mastitis es una de las enfermedades infecciosas más frecuentes en los rodeos lecheros, y causa importantes pérdidas económicas. Una de las bacterias más frecuentemente asociada a mastitis bovina es *Streptococcus uberis*. Se trata de un patógeno ubicuo en el ambiente del tambo, que puede presentar un comportamiento contagioso. La patogenicidad del mismo se ha relacionado con una serie de factores de virulencia, entre los cuales se encuentran CFU (*CAMP factor*), SUAM (*S. uberis adhesion molecule*) y SKC (*streptokinase activator*). Nuestro objetivo fue analizar cepas de *S. uberis* aisladas de vacas con mastitis clínica o subclínica, en relación a algunos genes codificantes de factores de virulencia. Se estudiaron 46 aislamientos de *S. uberis*, pertenecientes a 18 tambos. Éstos fueron obtenidos de leche de vacas con mastitis distribuidas en 30 tambos de la cuenca de Mar y Sierras (Provincia de Buenos Aires), entre 2016 y 2021. Los aislamientos identificados como *S. uberis* por pruebas bioquímicas, fueron confirmados por la amplificación de una secuencia del gen PAUA. Posteriormente, se amplificaron por PCR los genes CFU, SKC y SUAM. El gen CFU, responsable de la expresión de la reacción de CAMP, fue detectado en el 48% de los aislamientos, pertenecientes en total a cinco tambos. El gen SKC, codificante de una serina-proteasa, se detectó en el 67% de los aislamientos, pertenecientes a 12 tambos, mientras que el gen SUAM, codificante de un factor que media la adherencia e invasión a células epiteliales mamarias, fue detectado en el 96% de los aislamientos, distribuidos en 17 de los tambos analizados. Se detectaron cuatro perfiles de virulencia, siendo el más frecuente CFU-SKC-SUAM (48%), seguido de SKC-SUAM (28%). Estos datos, los primeros sobre rasgos de virulencia de *S. uberis* de la Cuenca Mar y Sierras, una de las regiones de producción láctea más importantes del país, señalan la circulación de cepas con distintas características genéticas capaces de causar mastitis.